Die Hymenopteren einer Wiese auf Kalkgestein: Ökologische Muster einer lokalen Tiergemeinschaft

von

Werner Ulrich

Nicolaus Copernicus Universität Toruń Toruń 2005



Inhalt

1. Einleitung	1
1.1 Das Untersuchungsgebiet	5
1.2 Die Erfassungsmethoden	7
1.3 Zur systematischen Einteilung der Hautflügler	9
1.4 Zur Berechnung der Biomasse	14
1.5 Eine ökologische Klassifizierung der Hautflügler.	
2. Ein paar Rohdaten	
2.1 Die Zahl der nachgewiesenen Arten	
2.2 Wie viele Hautflüglerarten gibt es auf der unters	uchten Wiese? 19
2.3 Die Zahl der Hautflüglerarten auf der untersucht	en Wiese
im Verhältnis zum regionalen Artenpool	
2.4 Artenzahlen pro Gattung	
2.5 Zur regionalen Verbreitung der Arten	
2.6 Häufigkeit und Seltenheit	
2.6.1 Schlupfdichten und Biomassen der Parasit	oide43
2.6.2 Das Rätsel der Einzeltiere	
3. Zur Phänologie der Hautflügler des Drakenberges	
3.1 Zur Klassifizierung der Phänologietypen	
3.2 Das jahreszeitliche Erscheinen der Arten	63
4. Morphologie und Ökologie	
4.1 Zur Flugfähigkeit	67
4.2 Kompakter oder graziler Körperbau?	74
4.3 Ein Wort zur Länge des Legebohrers	
4.4 Lässt sich die Biologie durch die Morphologie vo	orhersagen? 80
5. Strukturen der Gemeinschaften	
5.1 Einige allgemeine Bemerkungen	

II	
5.2 Die Aggregation	87
5.3 Dominanz - Rangordnungen	89
5.4 Dominanz - Rangordnungen auf der Basis von Biomassen	95
6. Krautschicht und Boden als Lebensräume der Parasitoide	97
6.1 Ein Überblick	97
6.2 Schlupfdichten und Biomassen	101
7. Körpergrößenabhängige ökologische Verteilungen	103
7.1 Metabolismus und Ökologie	103
7.2 Schlupfdichte und Körpergewicht	105
7.3 Energieäquivalenz?	113
7.4 Generationszeit und Körpergröße	118
7.5 Artenzahl und Metabolismus	119
8. Evolutive Aspekte der Körpergröße	121
8.1. Zur Einführung	121
8.2 Arten - Gewichtsverteilungen	124
8.3 Zur Konstanz des Gewichts innerhalb eines Taxons	130
8.4 Gleichmäßige oder zufällige Gewichtsverteilungen?	134
9. Biomasse und Diversität	140
9.1 Einige theoretische Überlegungen	140
9.2 Biomasse und Diversität auf dem Drakenberg	145
10. Epilog	148
11. Literatur	152
Anhang A	171
Anhang B	184
Anhang C	196
Anhang D	199
Anhang E	200

1. Einleitung

Die Hymenopteren sind mit über 100000 beschriebenen und 1 bis 5 Millionen geschätzten Arten weltweit nach den Coleopteren die größte Insektenordnung. Gleichzeitig ist die Ordnung auch in biologischer Hinsicht äußerst divers. Die ganz überwiegende Zahl der Arten der klassischen Unterordnung Symphyta (der Blattwespen) aber auch viele Arten der beiden anderen Unterordnungen Parasitica und Aculeata (der Stechimmen) sind phytophag. Die meisten Parasitica Arten dagegen leben als Parasitoide. Am vielfältigsten sind die Aculeata, wo es bekanntermaßen neben ursprünglicheren parasitoiden Arten alle Stufen hin zu räuberischen, phytooder polyphagen nestbauenden und eusozialen Arten gibt.

Diesem Artenumfang und der biologischen Mannigfaltigkeit entspricht auch die Zahl der wissenschaftlichen und populären Arbeiten, die jedes Jahr neu erscheinen. Daher überrascht es, wie wenig über die Biologie der meisten Arten und die Artenzusammensetzung verschiedener Lebensräume bekannt ist. Es genügt, einen Blick in neuere Handbücher über Hautflügler zu werfen (Waage and Greathead 1986, Gauld und Bolton 1988, Godfray 1993, Hawkins 1993, LaSalle und Gauld 1993, Quicke 1997, Hochberg 2000, Ulrich 2001a, Melik und Thuróczy 2002). Viel Theorie über Parasitoid - Wirtsverhältnisse monophager Parasitoide, Beschreibungen von Gemeinschaften solitärer Wespen und Bienen, Nahrungsnetze bei ausgewählten Pflanzen, bei Minen und Gallen sowie Soziobiologie. Wenig dagegen über Gemeinschaftsstrukturen, die über die Bearbeitung einzelner Gattungen oder Familien hinausgehen, wenig über die derzeit so aktuellen diversen makroökologischen Verteilungen und auch wenig vergleichende Untersuchen zur Ökologie und Bedeutung der Parasitoide insgesamt (Ulrich 2001a).

Dieses etwas einseitige Wissen liegt nur zum Teil an den taxonomischen Schwierigkeiten, die die Gruppe bietet. Die meisten Gattungen und Familien sind in den letzten 30 Jahren revidiert worden, so dass eine Analyse auf Artniveau erheblich erleichtert wurde. Vor allem sollte man hervorheben, dass für die meisten ökologischen Analysen eine genaue Artdetermination nicht notwendig ist. Wichtig ist jedoch eine Artabgrenzung, die die Schätzung der tatsächlichen Diversität und der mit ihr verbundenen ökologischen Verteilungen ermöglicht. Dies ist für die meisten Gattungen möglich, auch die der Unterordnung Parasitica. Ausnahmen sind weiterhin einige Ichneumonidengattungen und vielleicht die meist winzigen Ceraphroniden. Trotzdem zeigen einige Arbeiten, dass man komplette Parasitoidkomplexe ganzer Habitate auf Artniveau bearbeiten kann (Thiede 1975, 1977, Hilpert 1989, Ulrich 1999a, b, 2001a).

Ein anderer und vielleicht sogar wichtigerer Grund für die geringen makroökologischen Kenntnisse ist die allgemeine Beschränkung der meisten

Tabelle 1.1: Einige der wichtigeren Arbeiten über Artenzahlen und Siedlungsdichten parasitoider Hymenopteren in offenen Habitaten der gemäßigten Breiten.

Autor	Methode	Habitat	Untersuchungs- umfang	Genauig- keit
Abraham (1969)	Gelbschalen	Westküste Schleswig Hol- stein	Pteromalidae	nicht quali- tativ
Aitchison (1979)	Handfänge, Eklekto- ren	Kanadische Felder	Hymenoptera	nicht quali- tativ
Horstmann (1970, 1985)	Gelbschalen	Westküste Schleswig Hol- stein	Ichneumonidae	nicht quali- tativ
Horstmann (1988)	Gelbschalen	Nordseeinseln	Ichneumonidae	nicht quali- tativ
Janzen und Pono (1975)	^d Streifnetz	Englische Wald- und Rude- ralwiese	Hymenoptera	qualitativ
Klug (1965)	Streifnetze, Exhaus- tor	verschiedene Biotope	Hymenoptera	nicht quali- tativ
König (1969)	Gelbschalen	Westküste Schleswig Hol- stein	Braconidae	nicht quali- tati∨
Kruess und Tscharntke 2000a	versch. Methoden	Norddeutsche Agarland- schaften	Hymenoptera	quantitativ
Kruess und Tscharntke 2000b	versch. Methoden	Norddeutsche Agarland- schaften	Hymenoptera	quantitativ
Kruess und Tscharntke 2002	versch. Methoden	Norddeutsche Agarland- schaften	Hymenoptera	quantitativ
Neerup-Buhl (1998)	versch. Methoden	Habitate in Jutland	Ceraphronoidea, Proctotrupoidea	qualitativ
Owen und Svensson (1974)	Gelbschalen	Südschwedische Habitate	Ichneumonidae	nicht quali- tativ
Schmitt und Roth 2002	¹ Eklektoren	Ostdeutsche Agrarlandschaf	tHymenoptera	quantitativ
Schmitt (2003) Schmitt (2004)	Eklektoren Eklektoren	Ostdeutsche Agrarlandschaf Ostdeutsche Agrarlandschaf	tHymenoptera tHymenoptera	quantitativ quantitativ
Tscharntke et al. 2001	versch. Methoden	Norddeutsche Agarland- schaften	Chalcidoidea	quantitativ
Ulrich (1999a, b)	Eklektoren	Norddeutsche Wiese	Hymenoptera	quantitativ
Vidal (1988)	Gelbschalen	Nordseeinseln	Eulophidae, Tetracampidae	nicht quali- tativ
Weidemann (1965)	Gelbschalen	Westküste Schleswig Hol- stein	Proctotrupidae	nicht quali- tati∨

Forschungsprojekte auf ein (Diplomarbeiten) bis vier Jahre (Promotionsund Habilitationsschriften). Diese Beschränkungen lassen eine vergleichende Analyse kompletter artenreicher Parasitoidgemeinschaften nur in wenigen Fällen zu.

Ein dritter Punkt ist sicherlich auch die eher europäische faunistische Tradition vieler Spezialisten, die sich mit den Hymenopteren beschäftigten, und die eher zu annotierten Artenlisten statt zu eingehenderen statistischen Analysen und Modellen führte (die bekannte Datenhuberei). In angelsächsischen Ländern dagegen standen und stehen Theorien und Hypothesenbildung im Vordergrund, was oft genug den Vorrang vor umfangreicher (und langfristiger) Datenerhebung hatte (die ebenso bekannte Sinnhuberei). Umfangreiche Datenbänke aber sind bei den Hymenopteren unerlässlich. An solchen aber ist ein evidenter Mangel.

Dieser Mangel an umfassenden und vergleichen Arbeiten über komplette Hautflüglergemeinschaften veranlasste mich, den 2001 erschienenen Band über die Hymenopteren des Göttinger Kalkbuchenwaldes (Ulrich 2001a) fortzusetzen und meine Daten über ein auch von mir untersuchtes offenes Biotop, eine ebenfalls in der Nähe von Göttingen gelegene Wiese auf Kalkgestein, in einer zusammenfassenden Weise darzustellen (Ulrich 1999a, b, 2004a).

Die Tab. 1 zeigt, wie selten solche zusammenfassenden Darstellungen sind. Unter den wichtigen Arbeiten über die Ökologie der Hautflügler in offenen Biotopen gibt es keine, die sich in vergleichender Weise mit allen Hymenopteren beschäftigt. Die Arbeiten von Kruess und Tscharntke (2000a, b, 2002) und Tscharntke et al. (2001) analysierten einzelne Nahrungsnetze oder ausgewählte Parasitoidgruppen. Die Mehrzahl der Arbeiten ist darüber hinaus bestenfalls halbquantitativ, so dass produktionsbiologische und makroökologische Analysen, die auf Dichten und Biomassen beruhen, unmöglich sind. Einzig Schmitt (2003, 2004) gibt quantitative Daten über Schlupfdichten (Eklektorfänge) und Phänologien offener Habitate, ostdeutscher Agrarlandschaften. Dies geschieht allerdings nur auf Gattungs- (Chalcidoidea) und Familienniveau, so dass makroökologische Aspekte weitgehend außen vor bleiben.

Die folgende Arbeit setzt ihren Schwerpunkt auf die Analyse und den Vergleich mit aktuellen, vor allem makroökologischen Theorien. Die Beschreibung der Fauna, ihre Artenzusammensetzung, Schlupfdichten, und Phänologien der einzelnen Arten treten dagegen in den Hintergrund. Einen Schwerpunkt bilden körpergrößenabhängige Verteilungen sowie makroökologische Vergleiche von regionalen und kontinentalen Artenzahlen (Ulrich 1999g, i, 2005a, b). Die Anhänge enthalten wie beim ersten Band alle wichtigen Rohdaten.

An dieser Stelle möchte ich den vielen Personen danken, die an dem Zustandekommen dieser Arbeit Anteil hatten. Vor allem danke ich meinem akademischen Lehrer Prof. M. Schaefer, der mich auf die Hymenopteren ansetzte und es mir ermöglichte, ein so umfangreiches Datenmaterial zu sammeln und zu bearbeiten. Besonders danken möchte ich Prof. Klaus Hövemeyer für die Möglichkeit, sein Probenmaterial des Jahres 1986 hinsichtlich der Hymenopteren auswerten zu dürfen, für seine Hilfsbereitschaft bei der Probennahme und für die Überlassung einiger Photos des untersuchten Drakenberges und der Eklektoren. Danken möchte ich auch den Mitarbeitern des II. Zool. Instituts der Universität Göttingen für ihre ständige Hilfsbereitschaft und Zusammenarbeit. Prof. J. Buszko danke ich für anregende Diskussionen über Probleme, die die Ökologie der Hautflügler und ihre Wirte betreffen. Der leider verstorbene R. Hinz sowie Prof. K. Horstmann, Prof. R. Schwenke, Dr. E. Diller und Dr. H. Hilpert haben freundlicherweise die Determination des Ichneumonidenmaterials und eine Überprüfung der Zehrwespendeterminationen übernommen. Prof. K. Horstmann und R. Hinz gaben darüber hinaus wertvolle Hinweise zur Biologie einiger Ichneumoniden. Vor allem aber möchte ich meiner Frau Jolanta und meiner Tochter Ewa danken, die mir so viele Computer- und Lektüreabende nachsahen.

Diese Arbeit und die ihr zugrunde liegenden Einzelpublikationen (Ulrich 1999a, b, 2004a) sowie die Entwicklung der zur Analyse benutzten Computerprogramme (Ulrich 2002a, b, 2003a, b, 2005c, d, e) wurden durch ein Stipendium der Friedrich-Ebert Stiftung sowie durch die finanzielle Unterstützung der Nicolaus Copernicus Universität Thorn und die Finanzierung durch das polnische KBN (KBN, 3 F04F 034 22) ermöglicht.

1.1 Das Untersuchungsgebiet

Die vorliegende Arbeit beschäftigt sich mit wichtigen ökologischen Verteilungen am Beispiel der Hautflügler eines offenen Biotops innerhalb einer norddeutschen Agrarlandschaft, dem Drakenberg in der Nähe von Göttingen in Südniedersachsen.

Der Drakenberg ist ein Hügel auf Kalkgestein, dessen Plateau etwa 350 m aufweist. Der Kalk wird überlagert von einer Lößschicht (Thöle und Meyer 1979). Der Boden besteht aus einer dünnen Rendzina mit pH-Werten von 6,2 bis 7,8. Der Wassergehalt des Bodens schwankte von 15% bis 20% im Sommer und 20% bis 35% im Frühling und Herbst (Hövemeyer 1996).

Umgeben ist der Drakenberg auf der nördlichen, eher flach abfallenden Seite von landwirtschaftlichen Flächen, auf der südlichen steileren Seite gibt es Halbtrockenrasen.

Die mittlere jährliche Temperatur betrug während des Untersuchungszeit-



Abb. 1.1.1: Der Drakenberg bei Göttingen mit aufgestellten Schlupffallen 1986. Photo: Klaus Hövemeyer.



Abb. 1.1.2: Mittlere monatliche Temperaturen (A), Niederschläge (B) und Sonnenscheindauern 1986. Messwerte der Wetterstation Göttingen.

raumes (1986 und 1988) 8,5° C. Die Sommer waren relativ kühl mit einer mittleren Temperatur von 16° C (Abb. 1.1.2).

Auf dem Plateau des Drakenberges liegt eine etwa 1 ha große Wiese, die von Hasel-Buchenhecken umgeben ist. Sie wurde während des Untersuchungszeitraumes einmal pro Jahr, im Juni, gemäht.

Nauenburg (1980) beschrieb diese

Wiese als Gentiano-Koelerietum. Es dominierten Cirsium acaule, Poa pratensis, Brachypodium pinnatum, Plantago media, P. Ianceolatum, Pimpinella saxifraga, Galium album, Lotus corniculatus, Viola hirta, Medicago falcata, Linum carthaticum, Campanula rotundifolia, Achillea millefolium, Agrimonia eupatoria und Rhinanthus minor. Häufig waren auch die Gräser Bromus erectus und Carex flacca.

1.2 Die Erfassungsmethoden

1986 und 1988 wurde die Drakenbergwiese mit Bodenphotoekletoren, also Schlupffallen, beprobt (Hövemeyer 1996, Ulrich 1999a, b, 2004b).

1986 gab es 12 solcher Fallen mit einer Grundfläche von je 0,25 m². Es wurden also insgesamt 3 m² abgefangen. Diese wurden von April bis Juli in Gruppen zu vier alle zwei Wochen umgesetzt. Von Juli bis September wurden sie in Sechsergruppen alle vier Wochen umgesetzt (Hövemeyer 1996). 1988 gab es acht Eklektoren, die eine Grundfläche von 1 m² hatten. Sie wurden Ende März installiert, fingen bis Ende November und wurden nur einmal, in der ersten Juliwoche, umgesetzt. Die Daten der vorliegenden Arbeit basieren also auf 11 m² abgefangener Fläche innerhalb von zwei Untersuchungsjahren.

In beiden Jahren diente Picrinsäure als Fangflüssigkeit in der Kopfdose. Die Kopfdosen wurden wöchentlich geleert und das Tiermaterial in Alkohol aufbewahrt.

Bodenphotoeklektoren (auch Abundanz- oder Schlupffallen genannt; Funke 1971 1983, Southwood 1978, Ellenberg et al 1986, Ulrich 1985, 1987a, 1988, Schmitt 2004) haben den

Vorteil, dass sie eine definierte Oberfläche des Waldbodens mehr oder weniger quantitativ abfangen. Dies gilt natürlich vor allem für positiv phototaktische Insekten. Die Erfahrung zeigt allerdings, dass auch brachyptere und sogar aptere Arthropoden zu einem hohen Prozentsatz abgefangen werden (Thiede 1975, Hilpert 1989, Ulrich 1988). Natürlich werden nur solche Arten erfasst, die mindestens ein Stadium ihres Lebens am oder im Boden, in Totholz oder in der Krautschicht verbringen. Arten mit vollständigem Lebenszyklus etwa in der Kronenregion eines Waldes werden natürlich nicht oder zumindest nicht qualitativ abgefangen. Eklektoren fangen also Stratenwechsler und sind dazu ein ideales Werkzeug zur guantitativen Erfassung dieser Teilgruppe einer Fauna (Froese 1992, Steinborn und Meyer 1994, Weber und Prescher 1995, Schmitt 2004).

Es muss allerdings kritisch bemerkt werden, dass trotz der über 40jährigen Anwendung von Bodenphotoeklektoren zur quantitativen Erfassung von positiv phototaktischen Arthropoden (und das sind fast alle) noch immer keine kritische Studie über die Fangeffizienz vorliegt. Allerdings deuten alle bisherigen Arbeiten auf einen weitgehenden Abfang und somit auf brauchbare Dichteschätzungen hin. Inwieweit allerdings artspezifische Unterschiede in der Erfassung Einfluss auf die Analyse der Gemeinschaftsstrukturen haben, ist nach wie vor unbekannt.

Diese Kritik betrifft natürlich in noch größerem Maße andere Fangtechniken wie Malaise Fallen, Klebfallen, Gelbschalen, Streifnetzfänge oder gar Handfänge.



Abb. 1.2.1: Die Schlupffallen 1986 mit dem Verfasser. Photo: Klaus Hövemeyer.

1.3 Zur systematischen Einteilung der Hautflügler

Jeder Bearbeiter der Hymenopteren, vor allem der parasitoiden Hymenopteren der Unterordnung Terebrantes oder Parasitica, muss sich mit der zum Teil extrem schwierigen Systematik der Gruppe auseinander setzen. Trotz erheblicher Fortschritte, die in der systematischen Bearbeitung einzelner Parasitoidtaxa erzielt wurden, sind für viele Familien oder Überfamilien keine neueren Gattungs– und Artschlüssel verfügbar. Diese systematischen Unsicherheiten haben natürlich auch erheblichen Einfluss auf den Stand unseres Wissens über die Biologie dieser Arten und erschweren oder verunmöglichen gar ökologische Zuordnungen zu Gilden oder Parasitoidtypen, wie sie in dieser Arbeit als Grundlage der Analyse dienen. Dies gilt insbesondere für die größtenteils winzigen Ceraphronoidea, über deren Biologie so gut wie nichts bekannt ist, aber auch für viele Gall– und

Abb. 1.3.1: Wichtige gesicherte phylogenetische Beziehungen innerhalb der Hymenoptera.



Parasitica s. str.

Überfamilie	Quellen
Apoidea	Tobias (1978), Westrich 1989
Cephoidea	Tobias und Zinoviev (1988)
Ceraphronoidea	Tryapitsyn (1978)
Chalcidoidea	Tryapitsyn (1978, 1989), Graham (1969, 1987, 1991), Boucek (1988), Erdös (1955, 1959, 1969)
Chrysidoidea	Tobias (1978)
Cynipoidea	Dalla Torre und Kiefer (1910), Eady und Quinlan (1963), Quinlan (1978)
Evanioidea	Tobias und Zinoviev (1988)
Ichneumonoidea	Kasparyan (1981, 1990), Yu und Horstmann (1997), Tobias (1986a, b), Fischer (1972,1973, 1976, 1996)
Megalodontoidea	Tobias und Zinoviev (1988)
Orussoidea	Tobias und Zinoviev (1988)
Proctotrupoidea	Tryapitsyn (1978), Townes & Townes (1977, 1981), Nixon (1957, 1988), Wall 1967, 1971)
Scelionoidea	Tryapitsyn (1978), Kozlov und Kononova (1990)
Siricoidea	Tobias und Zinoviev (1988)
Stephanoidea	Tobias und Zinoviev (1988)
Tenthredinoidea	Benson (1952, 1958), Muche (1968-1970, 1974, 1977), Quinlan und Gauld (1981) Tobias und Zinoviev (1988)
Trigonalyoidea	Tobias und Zinoviev (1988)
Vespoidea	Tobias (1978), Kutter (1977)
Xyeloidea	Tobias und Zinoviev (1988)

Tab. 1.3.1 Die Überfamilien der Hymenoptera und die wichtigsten Arbeiten, mit denen die Hautflügler des Drakenberges bestimmt wurden.

Erzwespenfamilien, sowie einen Gutteil der Ichneumoniden und Brackwespen.

Trotz dieser großen systematischen Schwierigkeiten muss jede eingehende ökologische Bearbeitung bei der Art als grundlegender ökologischer Einheit aufbauen. Dies tut auch diese Arbeit, dass heißt, es wurden alle gefundenen Individuen nach Arten getrennt und, so weit es vorhandene Kataloge und Schlüssel zuließen, determiniert. Dabei ist zu beachten, dass zu einer Gildeneinteilung es in vielen Fällen nicht notwendig ist, die Arten zu bestimmen. Eine Trennung auf Gattungsebene reicht aus. Dies gilt selbst dann, wenn Vergleiche zwischen verschiedenen Habitaten gezogen werden sollen.

Die Tab. 1.3.1 gibt einen Überblick über die Überfamilien der Hautflügler und die wichtigsten Schlüssel und Kataloge, mit denen eine Artunterscheidung und -determination erfolgte. Daneben wurden eine Vielzahl weiterer Gattungsund Familienrevisionen verwendet, die in Ulrich (1987, 1988, 1998a, 1999e, g, 2001a) aufgeführt sind. Die systemati-



Parasitica s. str.



sche Enteilung der Überfamilien stützt sich auf das Handbuch von Gauld und Bolton (1988).

Leider gibt es bis heute keine abgesicherte phylogenetische systematische Einteilung der Hautflügler oberhalb der Familienebene (Kasparyan 1996, Dowton et al. 1997, Whitfield 1998, Ronquist 1999, Carpenter 2000, Vilhelmsen 2001). Insbesondere die Großgliederung innerhalb der Parasitica ist nach wie vor völlig ungeklärt, und dies nach fast als 30 Jahren intensiver morphologischer und molekularbiologischer Arbeit seit den ersten Untersuchungen von Eberhard Königsmann (1976, 1977, 1978a, b). Geklärt sind nur einige der Beziehungen innerhalb der Ordnung (Abb. 1.3.1).

Die Hymenopteren sind eine sehr alte Gruppe der holometabolen Insekten. Die ältesten fossilen Nachweise datieren 220 Millionen Jahre zurück ins Trias (Labandera und Sepkoski 1993, Hansen und Gauld 1995). Jedoch werden 300 Millionen Jahre alte Fraßspuren aus dem Karbon ebenfalls primitiven Hautflüglern zugeschrieben (Labandera und Phillips 1996, Whitfield 1998). Die nächsten Verwandten der Hyme-

11

nopteren unter den holometabolen Insekten sind trotz intensiver Bemühungen weiterhin unklar. Kristensen (1981, 1991) und Königsmann (1976) sahen die Mecopteroidea als die nächsten Verwandten der Hymenoptera während Rasnitsyn (1980) die Gruppe als basales Taxon allen übrigen Holometabola gegenüberstellte. Neuere Arbeiten (Whitfield 1998) konnten keine der beiden Hypothesen eindeutig belegen.

Die Abb. 1.3.1 zeigt die wichtigsten der eindeutigen oder sehr wahrscheinlichen Verwandtschaftsbeziehungen. Danach gibt es bei den Hymenopteren zwei Unterordnungen, die wahrscheinlich paraphyletischen Symphyta mit fünf Überfamilien und die monophyletischen Apocrita. Die parasitoiden Orussoidea scheinen den Apocrita am nächsten zu stehen (Whitfield 1998, Ronquist 1999).

Innerhalb der Apocrita sind die Parasitica s. str. (ohne Ichneumonoidea) wahrscheinlich monophyletisch. Die klassischen Aculeata + Ichneumonoidea bilden vermutlich ein zweites monophyletisches Taxon (Ronquist 1999, Vilhelmsen 2001). Unter den Aculeata s. str. (Chrysidoidea + den klassischen Stechimmen) scheinen die Apoidea monophyletisch zu sein, während die Chrysoidea und Vespoidea sicherlich paraphyletisch sind. Die Apoidea scheinen sich aus einer Gruppe der heutigen ebenfalls paraphyletischen Sphecidae entwickelt zu haben (Ronquist 1999).

Die Verwandtschaftsverhältnisse innerhalb der Microhymenoptera oder Parasitica s. str. sind weiterhin völlig unklar (Whitfield 1998, Ronquist 1999). Die Abb. 1.3.2 gibt ein spekulativeres Bild der Beziehungen innerhalb der Parasitica s. str. wieder. Danach sind die Stephanoidea (Whitfield 1998) oder auch die Trigonalyoidea; Carpenter und Wheeler 1999, Carpenter 2000) die Schwestergruppe aller anderen Parasitica s. str. Daneben gibt es drei Großgruppen: Evanioidea + Ceraphronoidea, Chalcidoidea + Scelionoidea und Cynipoidea + Proctotrupoidea. Alle diese Überfamilien scheinen monophyletisch zu sein. Ihre Kombinationen sind jedoch spekulativ (Whitfield 1998). Insbesondere die Stellung der Ceraphronoidea ist umstritten.

Unbestritten ist jedoch, dass fast alle basalen Gruppen der parasitoiden Hymenopteren (Orussoidea, Ichneumonoidea, Chrysidoidea, Stephanoidea, Evanioidea, Cynipoidea, Proctotrupoidea, Chalcidoidea und die außereuropäische Gruppe der Megalyroidea) Käferlarven, vor allem solche, die mit Holz assoziiert sind, befallen. Ausnahmen bilden die Scelionoidea (ursprünglich wohl Ei / Larvenparasitoide), Trigonalyoidea (sie legen ihre Eier an Pflanzen ab und diese müssen dann zur weiteren Entwicklung von Lepidopteren- oder Symphytenlarven gefressen werden) und Ceraphronoidea (ursprüngliche Wirte völlig unbekannt). Weiterhin waren die ursprünglichen Apocrita sicherlich ektoparasitische Idiobionten (vergl. Kap 1.5)(Whitfield 1999).

Die genannten taxonomischen Unsicherheiten haben Einfluss auf viele ökologische Untersuchungen. Analysen von Gemeinschaftsstrukturen können in erheblichem Maße von sogenannten phylogenetischen Randbedingungen (,phylogenetic constraints', Felsenstein 2004) beeinflusst werden. Regressionsanalysen etwa setzen voraus, dass die einzelnen Datenpunkte voneinander unabhängig sind. Vergleichen wir aber Arten aus unterschiedlichen Gattungen und Familien, so sind Arten derselben Gattung oder Familie miteinander näher verwandt als Arten unterschiedlicher Gattungen oder Familien. Diese Unterschiede im Verwandtschaftsgrad könnten zu einer Verletzung der Unabhängigkeitsvorrausetzung führen (Felsenstein 2004).

Inzwischen sind Analysen, die die-

se potentiellen Einflussfaktoren über ein statistisches Verfahren eliminieren, Standard bei ökologischen Arbeiten (Frekleton 2000, Felsenstein 2004). Bei den Hymenopteren jedoch stößt die Anwendung dieser Verfahren aufgrund der Unsicherheiten bezüglich der Taxonomie, die auf allen systematischen Ebenen herrscht, auf große Schwierigkeiten.

Die vorliegende Arbeit versucht diese Unsicherheiten über einen Nullmodellansatz zu umgehen (Gotelli und Graves 1996, Gotelli 2000, 2001). Anstatt phylogenetische Randbedingen anhand von Stammbäumen zu schätzen, werden beobachtete Muster mit Mustern verglichen, wie sie durch Zufallsstammbäume und Zufallsprobenentstehen würden. Als Basis für solche Zufallsproben wurde jeweils meine Datenbank der europäischen Hymenopteren herangezogen (Ulrich 2005a und unveröff.), die biologische und morphometrische Daten von über 15000 europäischen Hautflüglerarten enthält. Abweichungen der beobachteten Muster von denen des Nullmodells deuten dann auf einen Einfluss der Phylogenese und damit auf eine Verletzung der Unabhängigkeitsvoraussetzung hin.

1.4 Zur Berechnung der Biomasse

Ein wichtiges Element bei allen ökologischen Analysen, insbesondere bei makroökologischen, ist die Gesamtbiomasse eines Taxons innerhalb eines Systems oder eine Areals.

Für diese Arbeit habe ich die von mir für die Hautflügler des Göttinger Buchenwaldes (Ulrich 1988, 2001a) ermittelte Regressionsgleichung verwendet. Dazu wurden von allen Hautflüglerarten mindestens ein mittelgroßes Weibchen vermessen. Darüber hinaus wurden Individuen von 84 Arten aller Größenklassen auf einer Präzisionswaage (mit einer Genauigkeit von 10⁻⁶ g) gewogen. (siehe Kapitel 5) Aus dem Thoraxvolumen (V), das sich durch eine einfache Formel errechnet V = Länge von Thorax und Propodeum x max. Thoraxhöhe x max. Thoraxbreite

ergab sich folgende Regressionsgleichung zur Bestimmung der Körpermasse:

DW [mg] = V [mm³] x 0,52493 [mg / mm^3]

DW steht für aschefreies Trockengewicht. Mit dieser Formel wurden nachfolgend alle Biomassewerte der Hautflügler errechnet. Die Abb. 1.4.1 zeigt, dass diese Methode etwas bessere Resultate liefert als die in der Literatur üblicherweise benutzte Regression über die Körperlänge oder auch über die Länge der Hintertibia (Nicol und Mackauer 1999).



Abbildung 1.4.1: Die Berechnung des Trockengewichts über eine Regressionsgerade lässt sich sowohl über das Thoraxvolumen als auch über die Körperlänge vornehmen. Die Benutzung des Thoraxvolumens ergibt jedoch genauere Schätzwerte.

1.5 Eine ökologische Klassifizierung der Hautflügler

In diesem Band habe ich dieselbe Einteilung der Hautflügler beibehalten, die ich auch für die Arten des vorher untersuchten Kalkbuchenwaldes vorgenommen hatte (Ulrich 2001a) und wie sie auch weitgehend meine Datenbank der Hymenopteren Europas verwendet (Ulrich 2005a). Eine solche gleichartige Klassifizierung ist natürlich unerlässlich für jede vergleichende Bearbeitung. Diese Klassifikation gibt die Tab. 1.5.1 wieder. Sie enthält auch die entsprechenden Artenzahlen.

Hauptkriterien bei den Parasitoiden sind danach das Wirtstaxon, die Wirtsgilde, das Stratum der Eiablage, die Zahl der Generationen (uni-, bi- oder polyvoltin), das Stadium der Überwinterung, das Wirtsstadium beim Anstich und der Parasitoidtyp, das heißt koinobiontisch oder idiobiontisch. Koinobiontische Arten erlauben den Wirten eine weitere Entwicklung bis zum nächsten Entwicklungsstadium. Sie sind in der Regel Endoparasitoide. Die meist ektoparasitoiden Idiobionten dagegen paralysieren oder töten ihre Wirte unmittelbar oder zumindest kurz nach dem Anstich (Haeselbarth 1979, Askew 1980, Askew und Shaw 1986).

Die Einteilung in Parasitoidtypen und entsprechend der Wirte erfolgte überwiegend anhand von Literaturangaben, bei Ichneumoniden auch aufgrund von Angaben der jeweiligen Bestimmer.

Die Anhänge A und B enthalten für jede der Arten die komplette Gildeneinteilung. Daraus wird auch ersichtlich, dass in vielen Fällen aufgrund der unklaren taxonomischen Situation oder fehlender Literaturangaben eine vollständige Klassifikation nicht möglich war. Dies betrifft vor allem viele Arten der kleinen Ceraphroniden und Megaspiliden, über deren Biologie so gut wie nichts bekannt ist. Gerade dieses Nichtwissen macht es sehr wahrscheinlich, dass ihre Wirte in wenig untersuchten, weil schwierig zu bearbeitenden Mikrohabitaten zu suchen sind, vor allem am Boden oder sogar im Wurzelbereich.

Eine vergleichende Diskussion der Artenzahlen erfolgt in den folgenden Kapiteln.

Parasitoide					Nichtparasitoide	Touristen
Wirtstaxon	Wirtsgilde	Stratum	Wirtsstadium beim Anstich	Parasitoidtyp		
Araneida (6)	Minierer (47)	Laubschicht / Boden (102)	Imago (0)	Koinobiontisch (227)	Solitäre Phytophage (7)	0
Aphindina (13)	Gallbildner (35)	Krautschicht (186)	Puppe (84)	Idiobiontisch (178)	Nestbauer (13)	
Blattaria (1)	Ektophytophage (44)	Kronenschicht (6)	Larve (226)	Unbekannt (50)		
Heteroptera (2)	Säftesauger (30)	Unbekannt (180)	Ei (47)			
Cicadina (22)	Saprophage (36)		Unbekannt (99)			
Thysanoptera (1)	Mycetophage (24)					
Coccina (7)	Mycetophage (24)					
Aleyrodina (3)	Räuber (25)					
Psyllina (1)	Eier (47)					
Planipennia (3)	Parasitoide (22)					
Coleoptera (36)	Xylophage (1)					
Symphyta (3)	Unbekannt (144)					
Apocrita (23)		Hibernation	Voltinismus			
Diptera (155)		Imago (36)	Univoltine (37			
Lepidoptera (48)		Larve (93)	Bi- oder polyvoltin (125)			
Unbekannt (135)		Unbekannt (346)	Unbekannt (313)			

Tab. 1.5.1: Einteilung der Hautflügler in ökologische Gilden und Artenzahlen pro Gilde auf dem Drakenberg.

16

2. Ein paar Rohdaten

2.1 Die Zahl der nachgewiesenen Arten

Insgesamt konnte ich in den zwei Untersuchungsjahren 475 Arten aus 27 Familien nachweisen (Tab. 2.1.1). 7084 Tiere konnten Arten zugeordnet werden. Dazu kommen noch 949 Tiere, die keiner Art oder gar Gattung eindeutig zugeordnet werden konnten, so dass das Gesamtmaterial 8033 Tiere umfasst.

Die Hauptmasse der Arten, näm-

Tab. 2.1.1: Artenzahlen der auf der Drakenbergwiese gefundenen Familien, Zahl der determinierten Arten und die Gesamtzahl der Tiere, die Arten zugeordnet werden konnten.

Familie	Zahl der Arten	Zahl der determinier- ten Arten	Determinie- rungsgrad	Anteil an der Gesamtar- tenzahl	Summe der Tiere
Aphelinidae	5	2	0,40	1,05%	85
Apidae	3	0	0,00	0,63%	3
Evaniidae	1	1	1,00	0,21%	2
Braconidae	75	31	0,41	15,79%	582
Ceraphronidae	24	0	0,00	5,05%	734
Charipidae	6	2	0,33	1,26%	62
Diapriidae	38	21	0,55	8,00%	414
Dryinidae	7	3	0,43	1,47%	28
Encyrtidae	22	0	0,00	4,63%	149
Eucoilidae	9	3	0,33	1,89%	70
Eulophidae	26	6	0,23	5,47%	481
Eupelmidae	3	2	0,67	0,63%	5
Eurytomidae	4	2	0,50	0,84%	42
Formicidae	5	5	1,00	1,05%	615
Ichneumonidae	101	46	0,46	21,26%	475
Megaspilidae	13	4	0,31	2,74%	134
Mymaridae	25	7	0,28	5,26%	857
Platygasteridae	25	4	0,16	5,26%	1316
Pompilidae	3	3	1,00	0,63%	22
Proctotrupidae	13	13	1,00	2,74%	63
Pteromalidae	42	18	0,43	8,84%	573
Scelionidae	14	1	0,07	2,95%	310
Sphecidae	2	2	1,00	0,42%	2
Tenthredinidae	5	5	1,00	1,05%	30
Torymidae	2	0	0,00	0,42%	17
Trichogrammatidae	2	0	0,00	0,42%	13
Summe	475	181	0,38		7084

lich 455, stellen naturgemäß die Parasitoide. Nur 20 nichtparasitoide Arten konnte ich nachweisen. Davon stellen die Ameisen mit 5 Arten die größte Gruppe. Am häufigsten waren *Myrmica rubra* (387 Tiere), *Lasius niger* (137) und *Lasius flavus* (82). *Formica rufa* and *Lasius ruginodis* waren dagegen selten.

Erstaunlich gering erscheint auf den ersten Blick die Zahl der aculeaten Bienen und solitären Wespen. Zwei Andrena Arten, eine Osmia, und die Grabwespen Oxybelus uniglumis und Spilomena troglodytes (Sphecidae) fingen sich in den Schlupffallen. Dazu kamen die Wegwespen (Pompiliden) Anoplius viaticus, Priocnemis perturbator und P. femoralis.

Diese geringe Artenzahl ist nur zum Teil methodisch bedingt. Nestbauende Wespen und Bienen sind vergleichsweise selten und die Wahrscheinlichkeit, eine Falle über ein Nest zu stellen ist dementsprechend gering. Mit andern Worten, die Probe war zu klein, um alle Arten zu fangen.

Auf der anderen Seite aber beinhalten viele traditionelle Artenlisten einen Großteil von reinen Blütenbesuchern und "Touristen". Schlupffallen dagegen "zählen" nur die Arten, die auch im untersuchten Areal Nester bauen und sich also fortpflanzen. Insofern ist die Zahl von 9 solitären Wespen und Bienen vielleicht gar nicht so gering.

Dagegen war ich über die geringe Zahl an Blattwespen erstaunt. Es fingen sich nur 30 Individuen der fünf Tenthredinidenarten *Rhogogaster viridis, Pristiphora monogyniae, Pachyprotasis rapae, Macrophya quadrimaculata* und *Allantus truncatus.* Dem entsprach auch die geringe Zahl an Blattwespenparasitoiden. Ich konnte nur *Olesicampe patellana* und *O. subcallosa* und eine Art der Gattung *Synomelix* (Ichneumonidae) nachweisen. Die Schlupfdichten dieser Arten waren allesamt deutlich unter einem Tier pro m² und Jahr.

2.2 Wie viele Hautflüglerarten gibt es auf der untersuchten Wiese?

Die Frage nach der Gesamtartenzahl eines Habitats oder eines ökologischen Systems ist wesentlich für die Analyse vieler ökologischer Muster. Leider gibt es jedoch keine eindeutige Antwort.

Erstens basiert jede Angabe von Artenzahlen auf Beobachtungen, also Ausschnitten aus der Gesamtheit. Die 475 ermittelten Arten des Drakenbergs basieren auf den Fängen von 20 Eklektoren, die insgesamt eine Fläche von 11m² abfingen.

Um zu ermitteln, wie viele Arten insgesamt auf der Wiese vorkamen, gibt es verschiedene Methoden. Die einfachste ist, eine Arten-Arealkurve aufzustellen und auf die Fläche der

400 350 300 250 S 200 150 $y = 187 x^{0.57}$ 100 50 $R^2 = 0.99$ 0 0 1 2 3 Δ Areal

Wiese, etwa 1 ha, zu extrapolieren. Allerdings führt eine solche Extrapolation für die Kurve in Abb. 2.2.1 zu einer völlig unrealistischen Schätzung von 35600 Arten, weil die Kurve nicht durchgängig derselben Potenzfunktion folgt.

Allerdings zeigt die Abbildung ein anderes wichtiges Kennzeichen einer Gemeinschaft, die Zahl der Arten pro Flächeneinheit, auch Artendichte genannt. Die Artendichte der Hautflügler der Drakenbergwiese ist extrem hoch und beträgt 187 Arten pro m². Zum Vergleich, die Artendichte der ebenfalls auf der Wiese untersuchten Dipteren betrug weniger als 100 Arten pro m² (Hövemeyer 1996) und die der Hautflügler des benachbarten Kalkbuchen-



Abb. 2.2.1: Arten - Arealkurve des Drakenberges 1986. S: Zahl der gefangenen Arten, Areal in m².

Abb. 2.2.2: Die Zahl der neu gefangenen Arten pro Eklektor 1986. S: Zahl der gefangenen Arten, Areal in m².

waldes (Ulrich 2001a) betrug 1986 76 Arten. Andere Arthropodentaxa des Buchenwaldes hatten viel geringere Artenzahlen pro m²: Diptera 30 - 60 Arten (Hövemeyer 1992, 1999a), Lepidoptera, Araneida und andere artenreiche Taxa waren mit deutlich weniger als 30 Arten pro m² vertreten (Schaefer 1991a). Wahrscheinlich erreichen nur noch die Käfer ähnliche Werte wie die Hymenopteren. Jedoch liegen für den Drakenberg keine entsprechende Daten vor.

Die Abb. 2.2.2 gibt eine weitere Möglichkeit, Artenzahlen zu bestimmen. Die Zahl der neuen Arten pro zusätzlichem Eklektor sollte, wenn die Zahl der Arten endlich ist, bei einer hinreichend großen Anzahl von Eklektoren gegen Null streben. Die Gesamtfläche unter der Funktion entspricht daher der Gesamtzahl der Arten. Allerdings hat in unserem Fall die sich ergebende Funktion (S = 29 A^{-0,67}) einen Exponenten > -1.Man kann daher die Artenzahl nicht über das Integral

$$S = 29 \int_{0.5}^{\infty} x^{-0.67} dx = 29 \left(\frac{x^{0.23}}{0.23}\right) \Big|_{0.5}^{\infty}$$

berechnen. Die numerische Lösung (Ulrich 1999I)



Abb. 2.2.3: Wie schätzt man obere und untere Grenzen des Artenreichtums mittels relativen Dichteverteilungen (Ulrich und Ollik 2005)? Abk: S1: Art S mit der größten Abundanz N, A: Gesamtareal, S_S: Gesamtzahl der beobachteten Arten. Int: Schnittpunkt der Geraden mit der Steigung a. SA: zu schätzende Gesamtartenzahl im Areal A. N_{Sk}: Zahl der Individuen der Art S. die mit genau einem Tier in der Probe vertreten ist $(\log (1) = 0).$

$$S = \frac{29}{4} \left(\sum_{i=1}^{k} i^{-0.67} + \sum_{i=k+1}^{40000} i^{-0.67} i^{-0.67} \right) = 1664$$

ergibt ebenfalls eine deutlich zu hohe Schätzung der Gesamtartenzahl.

Wie schätzt man obere und untere mögliche Artenzahlen? Eine Möglichkeit besteht in der Ausnutzung von relativen Dichteverteilungen oder Artenrangkurven (Ulrich und Ollik 2005). Falls die relative Dichteverteilung einer Logserie folgt, lässt sich die Gesamtartenzahl S_A einfach über eine geometrische Konstruktion lösen (Abb. 2.2.3; Ulrich und Ollik 2005):

$$S_{A;\text{log-series}} \approx \frac{Int_S + \ln(N_{A1}) - \ln(N_{S1})}{a}$$

Im Falle einer Potenzfunktion ergibt sich S_A aus

$$S_{A;\text{Power function}} pprox e^{\frac{Int_{\$} + \ln(N_{A1}) - \ln(N_{\$1})}{a}}$$

Bei einer Lognormalverteilung ist $\ensuremath{S_{A}}$

$$S_{A;\text{lognormal}} \approx \frac{2Int_S + \ln(N_{A1}) - 2\ln(N_{S1})}{a}$$

Mit diesen beiden Formeln und den entsprechenden Artenrangkurven (Abb. 2.2.3) lassen sich nun obere und untere Grenzen des Artenreichtums extrapolieren. Basierend auf den Daten des Jahres 1988 (N_{S1} = 332 Tiere) ergibt sich als untere Grenze (Lognormalverteilung)

$$S = \frac{2(2.23) + \ln(\frac{10000}{8} 332) - 2\ln(332)}{0.0096} = 602$$

und als obere Grenze (Logserie)



Abb. 2.2.4: Die Artenrangkurven der Hymenopteren des Drakenberges 1986 (A) und 1988 (B). Da es sich um Erhebungen handelt, beinhalten die Kurven nicht die Abundanzen aller Arten sondern nur die der nachgewiesenen. Sie folgen daher auch keinem der gängigen Modelle.



Abb. 2.2.5: Die Artenrangkurven aller Hymenopteren des Drakenberges 1986 und 1988.

$$S = \frac{2.23 + \ln(\frac{10000}{8}332) - \ln(332)}{0.0096} = 975$$

Für 1986 (N_{S1} = 559 Tiere) ergibt sich entsprechend 688 < S < 1193.

Die Werte beider Jahre sind einander sehr ähnlich und zeigen, dass höchstwahrscheinlich in beiden Jahren weniger als die Hälfte aller Arten erfasst wurde. Für beide Jahre zusammen ergibt sich mittels der obigen Methode 756 < S < 1475 (Abb. 2.2.5).

Die Artenrangkurven folgen mit Sicherheit keiner Potenzfunktion, da sich sonst für beide Jahre extraordinäre Artenzahlen von weit über 10000 ergäben.

Eine solche Fangsituation erschwert die Anwendung konventioneller Artenschätzer, wie sie Standardprogramme (EstimateS, ws2m) bieten. Schätzer wie Chao1 und Chao2 (Chao und Lee 1992, Chao et al. 1992) oder die Jackknife Estimatoren (Burnham und Overton 1978, 1979) haben bei zu niedrigen Probengrößen einen stark negativen Bias und geben also zu niedrige Schätzwerte (Brose et al. 2003, Ulrich 1999I, Ulrich und Ollik 2005). So ergibt der "2. order Jackknife" für 1986 eine Artenschätzung von 338 Arten, weniger als insgesamt nachgewiesen.

Unabhängig von der Schätzmethode ergibt sich also ein enormer Artenreichtum der untersuchten Wiese. Die nachgewiesenen 475 und die geschätzten 600 bis über 1000 jährlichen Arten machen die Hymenopteren wohl zur eindeutig artenreichsten Gruppe der untersuchten Wiese.

Eine andere Frage ist, ob alle gefundenen Hymenopterenarten sich auch auf der Wiese fortpflanzten, dort also ihre Wirte oder Fraßpflanzen hatten oder dort Nester bauten. Es könnte ja auch ein erheblicher Anteil an reinen Blütenbesuchern oder "Touristen" darunter sein. In diesem Fall würde man die tatsächliche Zahl der Arten deutlich nach unten korrigieren müssen.

391 der 475 Arten (82%) wurden mit Eklektoren gefangen, die mindestens zwei Wochen am selben Ort standen und vorher einmal geleert wurden. Es ist sehr wahrscheinlich, dass dies Tab. 2.2.1: Zahl der Parasitoidarten der einzelnen Wirtstaxa, erwartete Artenzahlen nach der entsprechenden Arten - Arealkurve des benachbarten Göttinger Kalkbuchenwaldes (Ulrich 2001a) und die entsprechenden Artenzahlen in diesem Wald 1982. Ich habe 1982 als Vergleichswert genommen, da mit 12 m² eine ähnliche Fläche wie auf dem Drakenberg abgefangen wurde.

Parasitoide von	Drakenberg: Zahl der auf 11m ² nach- gewiesenen Arten	Erwartete Arten- zahl nach der Arten - Areal- kurve des be- nachbarten Gö- ttinger Waldes	Verhältnis er- wartet zu nach- gewiesen	Göttinger Wald 1982: Artenzahl auf 12 m ² Wald- boden
Arachnida	6	-	_	2
Blattaria	1	-	-	0
Heteroptera	2	-	-	1
Aphidina	13	4	0,31	7
Cicadina	22	5	0,23	6
Coccina	7	-	-	3
Aleyrodina	0	-	-	3
Psocoptera	0	-	-	1
Thysanoptera	1	-	-	1
Planipennia	3	-	-	6
Coleoptera	36	23	0,64	21
Symphyta	3	-	-	4
Apocrita	23	9	0,39	8
Diptera	155	79	0,51	75
Lepidoptera	48	30	0,63	34
Wirt unbekannt	135	33	0,24	32
Summe	455	201	0,44	204

Tab. 2.2.2: Dieselbe Tabelle wie oben für die Zahl der Parasitoidarten der einzelnen Wirtsgilden.

Parasitoide von	Drakenberg: Zahl der auf 11m² nachgewie- senen Arten	Erwartete Arten- zahl nach der Arten - Areal- kurve des be- nachbarten Gö- ttinger Waldes	Verhältnis er- wartet zu nach- gewiesen	Göttinger Wald 1982: Artenzahl auf 12 m ² Wald- boden
Minierern	47	23	0,49	24
Galbildnern	35	27	0,77	26
Ektophytophagen	44	25	0,57	27
Säftesaugern	30	12	0,40	18
Saprophagen	36	22	0,61	17
Mycetophagen	24	18	0,75	19
Prädatoren	25	20	0,80	17
Eiern	47	15	0,32	16
Parasitoiden	22	8	0,36	7
Xylophagen	1	-	-	-
Gilde unbekannt	144	34	0,24	33
Summe	455	201	0,44	204

Arten sind, die tatsächlich unter den Eklektoren geschlüpft waren. Damit verbleiben 84 mögliche ,Touristen'. Allerdings sind darunter keine Arten, die eindeutig nicht zum Habitat Wiese passen, etwa reine Waldbewohner oder an feuchte Habitate gebundene Arten (soweit sich dies bei den geringen Kenntnisse über Habitatspezifitäten bei Parasitoiden sagen lässt). Mit anderen Worten, alle nachgewiesenen Arten könnten auf der Wiese vorkommen. Ich vermute daher, dass ich mit den Fallen nur sehr wenige reine Blütenbesucher oder vorüber fliegende Hymenopterenarten gefangen habe. Deshalb werden im Folgenden alle Arten in die Analyse miteinbezogen.

455 Arten gehörten zu den Parasitoiden. Damit stellt sich die Frage, welche Parasitoidgruppen für diesen enormen Artenreichtum im wesentlichen verantwortlich waren. Die artenreichste Gilde waren mit 155 nachgewiesenen Arten die Parasitoide von Dipteren (Tab. 2.2.1). Mit weitem Abstand folgen Parasitoide von Schmetterlingen, Käfern und Homopteren. Allerdings waren von 135 Arten die Wirtstaxa unbekannt. Zum Vergleich gibt Tab. 2.2.1 auch die auf einer vergleichbaren Fläche des Göttinger Waldes gefundenen und die anhand der dortigen Arten-Arealkurve Tab. 2.2.3: Vergleich der Steigungen der Arten - Arealkurven von Drakenberg (Fänge von 1986) und Buchenwald (Ulrich 2001a) für die wichtigsten Wirtsgilden.

Dorocitoido von	Steigung			
	Draken- berg	Buchen- wald		
Minierern	0,64	0,46		
Gallbildnern	0,57	0,34		
Ektophytophagen	0,68	0,54		
Saprophagen	0,67	0,37		
Mycetophagen	0,67	0,74		
Eiparasitoide	0,55	0,32		
Alle Parasitoide	0,57	0,43		

erwarteten Artenzahlen. Es ergibt sich, dass mit Ausnahme der Blattwespenparasitoide alle Gilden des Drakenberges artenreicher waren als im Wald. Insgesamt konnte ich auf der Wiese doppelt so viele Arten nachweisen, wie sie auf einer entsprechenden Fläche im Wald zu erwarten gewesen wäre.

Ein sehr ähnliches Bild ergab sich bei den Wirtsgilden (Tab. 2.2.2). Am artenreichsten waren die Parasitoide von Minierern und die Eiparasitoide mit jeweils 47 nachgewiesenen Arten. Etwas artenärmer waren die Parasitoide von Ektophytophagen, Säftesaugern und Gallbildnern.

Interessant ist der hohe Anteil an Eiparasitoiden. 47 Arten sind mehr als dreimal so viel wie sie auf der vergleichTab. 2.2.4 Ein Vergleich der Artenzahlen aus Studien über Hymenopteren in offenen sandigen Biotopen.

Habitat	Parasitoid Taxon	Autor	Zahl der Arten	Zahl der nachgewiese- nen Arten des Drakenbergs
Insel Memmert	Ichneumonid Parasito- ide von	Horstmann 1988		
(Dünen mit einer	Arachnida		15	5
gemischten Vegetation)	Planipennia		5	2
	Coleoptera		13	3
	Nematocera		38	9
	Brachycera		51	22
	Lepidoptera		132	26
	Terebrantes		17	15
	Symphyta		15	3
	Alle Ichneumonidae		323	102
	Eulophidae	Vidal 1988	81	25
Insel Mellum	Ichneumonid Parasito- ide von	Horstmann 1988		
(Dünen mit einer	Arachnida		18	5
gemischten Vegetation)	Planipennia		6	2
	Coleoptera		15	3
	Nematocera		36	9
	Brachycera		56	22
	Lepidoptera		125	26
	Terebrantes		15	15
	Symphyta		13	3
	alle Ichneumonidae		320	102
	Eulophidae	94	25	
Whiteford Burrows		Copland und Aske	ew 1977	
	Pteromalidae		87	45
(Martime	Eulophidae		54	25
Sanddünen)	Encyrtidae		30	21
	Eurytomidae		14	4
	Torymidae		13	2
	Chalcidoidea			
	(ohne Mymaridae)		212	108
	Mymaridae		-	24

baren Fläche im Buchenwald zu erwarten waren. Dagegen waren die Parasitoide von pilzfressenden Insektenlarven und von Prädatoren nur wenig artenreicher als im Wald.

Solche Vergleiche von absoluten Artenzahlen sind natürlich nur für das untersuchte Areal gültig. Die Zahlen der Tab. 2.2.1 und 2.2.2 bedeuten nicht, dass auf der Wiese insgesamt mehr als doppelt so viele Hautflüglerarten existierten als in einem ha Wald. Dazu müssten auch die Arten-Arealkurven beider Biotope identische Steigungen aufweisen. Überraschenderweise zeigt sich jedoch, dass die Wiese nicht nur höhere Artendichten hatte, sondern dass auch die Arten-Arealkurven zumindest zu Beginn (bei kleinen Arealen) deutlich stärker ansteigen (Tab. 2.2.3). Eine Ausnahme hiervon sind nur die Parasitoide von Mycetophagen. Dieses Ergebnis weist sehr stark darauf hin, dass auch die Wiese als Ganzes erheblich artenreicher ist als ein Waldstück vergleichbarer Größe. Allerdings bleibt die Möglichkeit, dass die Arten - Arealkurve der Wiese schneller einen asymptotischen Verlauf einnimmt als die des Waldes. Meine Daten geben darauf jedoch keinen Hinweis.

Mangels vergleichbarer Arbeiten aus anderen offenen Biotopen ist es schwer die vorliegenden Ergebnisse einzuordnen. Ich habe deshalb in Tab. 2.2.4 publizierte Artenzahlen von drei Sanddünenhabitaten aufgelistet. Der Vergleich mit meinen Daten zeigt, dass der Artenreichtum des Drakenberges keinesfalls ungewöhnlich ist. Im Gegenteil, in allen drei Dünenbiotopen wurden deutlich mehr Ichneumoniden und Chalcidoiden nachgewiesen als auf der Wiese. Dies zeigt noch einmal, dass die zwei Untersuchungsjahre der vorliegenden Studie und die benutzte Zahl der Fallen zu niedrig sind, um einen repräsentativen Querschnitt der Hymenopterenfauna zu erfassen. Die Tab. 2.2.4 bestätigt also die Artenschätzungen der vorangegangenen Seiten. Unter der Annahme, dass die Ichneumoniden etwa ein Drittel der Gesamtartenzahl ausmachen, ergibt sich aus Tab. 2.2.4 wieder-

2.3 Die Zahl der Hautflüglerarten auf der untersuchten Wiese im Verhältnis zum regionalen Artenpool

In Europa gibt es zwischen 20000 und 25000 Hymenopterenarten (Ulrich 1999g, 2001a). Die vorliegende aktualisierte Kompilation der beschriebenen



Abbildung 2.3.1: Die Zahl der Parasitoidarten des Drakenberges im Verhältnis zur europäischen Fauna gruppiert nach der Hautflüglerfamilie.



Zahl der Arten in Europa

europäischen Arten lässt auf etwa 17000 bis 18000 beschriebene europäische Arten schließen (Tab. 2.3.1). Die Zahl ist um etwa 1500 höher als die in Ulrich (1999g und 2001a) angegebene Artenzahl von 16000. Der Grund für diesen Unterschied liegt zum Einen in der revidierten Zahl an Ichneumoniden, die in der vorherigen Version mit knapp 4000 angegeben wurde. Eine neuere Kompilation von Horstmann (2002, und mündl.) lässt auf deutlich mehr beschriebene (wenn auch nicht notwendigerweise revidierte) Ichneumonidenarten schließen. Zweitens habe ich in der vorliegende Tabelle 1200 Encyrtidenar-





Abbildung 2.3.2: Die Zahl der Parasitoidarten des Drakenberges im Verhältnis zur europäischen Fauna gruppiert nach der Wirtsgilde.

Abbildung 2.3.3: Die Zahl der Parasitoidarten des Drakenberges im Verhältnis zur europäischen Fauna gruppiert nach dem Wirtstaxon.

Tabelle 2.3.1: Aktualisierte Liste der beschriebenen und erwarteten Artenzahlen der Hymenoptera in Europa (Ulrich 2001a). Die Zahl der beschriebenen Arten entstam-

Superfamilie	Familie	Zahl der beschrie- benen Arten in Europa	Erwartete europäi- sche Arten- zahl	Superfamilie	Familie	Zahl der beschrie- benen Arten in Europa	Erwartete europäi- sche Arten- zahl
Cephoidea	Cephidae	30		Proctotrupoidea	Diapriidae	530	
Megalodontoidea	Megalodontidae	10			Heloridae	4	
-	Pamphiliidae	40			Platygasteridae	250	
Orussoidea	Orussidae	1			Scelionidae	360	
Siricoidea	Siricidae	15			Proctotrupidae	55	
	Xiphydriidae	6		Summe		1 200	1 500
Tenthredinoidea	Argidae	40		Ceraphronoidea	Ceraphronidae	210	
	Blasticotomidae	1			Megaspilidae	110	
	Cimbicidae	40		Summe		320	400
	Diprionidae	20		Chrysidoidea	Bethylidae	60	
	Tenthredinidae	700	850		Dryinidae	40	
Xyloidea	Xyelidae	6			Embolemidae	2	
Summe Symphyta	a	910	1 100		Chrysididae	100	
Evanoidea	Aulacidae	10			Cleptidae	15	
	Evaniidae	3			Apterogynidae	2	
	Gasteruptiidae	15		Summe		220	250
Summe	·	30	30	Vespoidea	Mutillidae	40	
Trigonalyoidea	Trigonalyidae	1	1	·	Myrmosidae	3	
Stephanoidea	Stephanidae	3	3		Formicidae	250	
Ichneumonidea	Aphidiidae	180			Sapygidae	6	10
	Braconidae	3 300			Scoliidae	15	
	Ichneumonidae	5 000			Metochidae	1	
	Paxylommatidae	6			Tiphiidae	20	
Summe		8 490	10 000		Vespidae	35	40
Chalcidoidea	Agaonidae	2			Ceropalidae	7	
	Aphelinidae	110			Pompilidae	230	
	Chalcididae	50			Eumenidae	240	250
	Elasmidae	15			Masaridae	1	
	Encyrtidae	1200		Summe		850	900
	Eucharitidae	7		Apoidea	Apidae	1100	2000
	Eulophidae	750			Sphecidae	460	
	Eupelmidae	55		Summe		1 560	2 500
	Eurytomidae	180		l			
	Leucospidae	5					
	Mymaridae	190					
	Mymarommatidae	1					
	Ormyridae	12					
	Perilampidae	30					
	Pteromalidae	750					
	Signiphoridae	6					
	Tetracampidae	12					
	Torymidae	175					
	Trichogrammati-	70					
	dae						
Summe		3 620	4000				
Cynipoidea	Anacharitidae	20					
	Aspiceridae	30					
	Charipidae	80					
	Cynipidae	270					
	Eucoilidae	210					
	Figitidae	40					
	Ibaliidae	4					
Summe		660	700	Hymenoptera		17 880	21 000

men der Kataloge von Dalla Torre und Kieffer (1910; Cynipoidea), Noskiewicz (1936, Colletes), Mercet (1921; Encyrtidae), Erdös (1955, 1959, 1969; Chalcidoidea), De Beaumont (1964; Sphecidae), Muche (1968-1970, 1974; Tenthredinidae; 1977; Argidae), Graham (1969; Pteromalidae), Wolf (1972; Pompilidae), Fischer (1973; Opiinae), Kloet & Hincks (1978; Hymenoptera), Tobias et al. (1978; Aculeata), Tryaptsyn (1978, 1989 Chalcidoidea, Proctotrupoidea, Ceraphronoidea, Bethyloidea), Townes & Townes (1981; Proctotrupidae), Kozlov und Kononowa (1990, Scelionidae), Kasparjan et. al. (1981, 1990; Ichneumonidae), Tobias (1983, 1986a, b; Symphyta, Trigonalyoidea, Stephanoidea, Evanioidea, Braconidae), Graham (1987, 1991; Tetrastichinae), Boucek (1988; Chacidoidea), Yu und Horstmann (1997; Ichneumonidae) und weiteren Genusrevisionen. Die meisten Werte sind auf Zehnergrößen gerundet, die Summen jedoch wurden von den exakten Werten berechnet und dann gerundet.

ten anstelle von etwa 630 in der vorigen Kompilation aufgenommen. Dieser Unterschied folgt aus der Mitberücksichtigung aller kasachischen Arten, wie sie in der Arbeit von Tryapitsyn (1989) aufgelistet sind und die potenziell auch in Europa vorkommen könnten. In der aktualisierten Datenbank über Körpergrößenverteilungen der europäischen Hy-



Abb. 2.3.4: Relative Residuen (Residuen / europäische Artenzahl) der Abb. 2.3.1 in Abhängigkeit von der europäische Artenzahl. Fünf Familien sind auf der Wiese deutlich überrepräsentiert: Pro: Proctotrupidae, Meg: Megaspilidae, Dry: Dryinidae, Mym: Mymaridae, Pla: Platygastridae

menopteren dagegen sind etwas mehr als 15000 sichere Arten enthalten (Ulrich 2005a). Somit lassen sich die Zahl der Arten und auch die Artenzusammensetzung der Fauna des Drakenberges mit der des kontinentalen Artenpools (Eriksson 1993, Dupre 2000) vergleichen.

Zunächst einmal scheint es weder bei einem Vergleich der Familien noch der Wirtstaxa order -gilden eine lineare Beziehung zwischen der geschätzten Zahl der Arten in Europa und der des Drakenberges zu geben. Die Abb. 2.3.1, 2.3.2 und 2.3.3 zeigen nur relativ schwache Korrelationen zwischen beiden Variablen. Die Steigungen der Regressionen von 0,51 (Familien), 0,785 (Wirtstaxa) und 0,83 (Gilden) sind deutlich unter 1 und scheinen darauf hinzudeuten, dass artenreichere Taxa oder Gilden auf der Wiese eher unterrepräsentiert waren.

Allerdings treffen wir hier erstmals

auf das Problem des Regressionstyps. Die klassischen Model I Regressionen minimieren die Residuen der abhängigen Variable y und nehmen die unabhängige Variable x als fehlerfrei an. In unseren Fällen jedoch scheint eine solche Annahme als nicht gerechtfertigt. Weder lässt sich eindeutig zwischen abhängiger und unabhängiger Variable unterscheiden noch kann man die Variable x als residuenlos ansehen. Daher scheint die Verwendung einer Modell II Regression angezeigt. Diese minimieren gleichzeitig Teile der x und y Residuen. Aufgrund der einfacheren Berechnung (Ulrich 2004d) wird im Folgenden die ,reduced major axis' Regression verwendet, die sich als Quotient aus klassischer Model I Steigung a und dem Betrag des Korrelationskoeffizienten r ergeben: $a_{RMA} = a_{klassisch} / |r|$.

Die Model II (RMA) Steigungen der Abb. 2.3.1, 2.3.2 und 2.3.3 sind demnach 0,80 (Familien), 1,31 (Wirtstaxa) und 0,96 (Gilden). Sie schwanken daher um den theoretisch zu erwartenden Wert von 1, das heißt um eine lineare Proportionalität zwischen regionaler und lokaler Artenzahl. Mit andere Worten, einfache Artenzahlvergleiche deuten hinsichtlich der Wirtstaxa und gilden nicht auf eine selektive Artenzusammensetzung des Drakenberges hin. Im Mittel konnte ich auf der Wiese 2.9% der europäischen Hymenopterenfauna nachweisen. Betrachtet man jedoch die geschätzten Artenzahlen, so dürfte die



Abbildung 2.3.5: Der Anteil einzelner Wirtstaxa an der Gesamtfauna (Artenzahl / Gesamtzahl der Arten) im Verhältnis zu ihren Anteilen an der gesamten mitteleuropäischen Fauna.



Abbildung 2.3.6: Der Anteil einzelner Wirtsgilden an der Gesamtfauna (Artenzahl / Gesamtzahl der Arten) im Verhältnis zu ihren Anteilen an der gesamten mitteleuropäischen Fauna.

Wiese wohl pro Jahr etwa 1000 / 20000 = 5% des regionalen europäischen Artenpools beherbergen.

Interessant ist, welche Parasitoidfamilien fehlten. Unter den artenreichen Familien mit über 50 Arten in Europa konnte ich keine Bethyliden (sie befallen als Idiobionten Käferlarven), Chalcididae (ebenfalls meist Idiobionten), Chrysididae (idiobiontische Ektoparasitoide), Cynipidae (befallen als Koinobionten meist Gallbildner oder induzieren selbst Gallen) und Eumeniden (Nestbauer, Idiobionten) nachweisen.

Die hohe Zahl an Idiobionten in dieser Liste scheint auf den ersten Blick

anzudeuten, dass die Wiese weniger solcher Arten enthielt, als es nach dem europäischen Artenpool zu erwarten war. Dies war jedoch nicht der Fall. Meine Datenbank der europäischen Hymenopteren enthält 4331 idiobiontische Parasitoidarten und 8249 Koinobionten. Auf der Drakenbergwiese konnte ich 178 Idiobionten und 227 Koinobionten nachweisen. Ein 4-Felder χ^2 Test deutet auf eine signifikant höhere Zahl an Idiobionten auf der Wiese hin (χ^2 = 15,3; p (χ^2) < 0,001). Von 50 Parasitoidarten war der Typ unbekannt. Selbst wenn alle diese Arten Koinobionten wären, würde sich immer noch ein signifikantes Übergewicht der Idiobionten auf der Wiese ergeben (χ^2 = 4,07; p(χ^2) = 0,04).

Eine Analyse der Residuen in Abb. 2.3.1 zeigt, dass einige Familien auf der Wiese deutlich überrepräsentiert waren, die Proctotrupidae, Megaspilidae, Dryinidae, Mymaridae und Platygastridae (Abb. 2.3.4). Dies liegt bei den Platygastriden, Dryiniden und Mymariden sicher an der hohen Zahl der Wirtsarten (Gallbildner und Säftesauger bzw. ihre Eier). Die Proctotrupiden waren auf der Wiese vor allem durch Arten der Gattung *Exallonyx* vertreten, die allesamt wohl Staphylinidenlarven befallen (Ulrich 2004a). Proctotrupiden erreichen auch in anderen Habitaten hohe Artenzahlen bei einem vergleichsweise geringen regionalen Artenpool. In Europa gibt es etwa 55 Arten (Tab. 2.3.1) und in den meisten Untersuchungen wurden zwischen 10 und 20 lokale Arten, also 20% bis 40% des regionalen Artenpools festgestellt (Ulrich 1988, 2001a, Hilpert 1989). Die wahrscheinlichste Erklärung für diese hohe lokale Artenzahl ist, dass Proctotrupiden relativ habitatunspezifisch sind und ein eher weites Wirtsspektrum haben. Allerdings muss hinzugefügt werden, dass von keiner Proctotrupidenart das gesamte Wirtsspektrum bekannt ist.

Die Abb. 2.3.5 zeigt eine Analyse der Drakenbergfauna anhand des Wirtstaxons. Deutlich mehr Arten als erwartet stellten die Parasitoide der säftesaugenden Aleyrodina und Cicadina, während die ebenfalls pflanzensaftsaugenden Blattläuse und Coccina eher unterrepräsentieret waren. Überraschend artenarm waren die Schmetterlings- und Blattwespenparasitoide, aber auch Arten, die Wanzen, Spinnen und Käfer befallen.

Die Abb. 2.3.6 zeigt eine ähnliche Aufschlüsselung anhand der Wirtsgilde. Sie zeigt einen sehr hohen Anteil an Eiparasitoiden (meist Mymaridae) und Parasitoiden von mycetophagen Dipterenlarven (meist Sciariden und Mycetophiliden). Auch in diesem Fall scheint die relativ geringe Habitat- und Wirtsspezifität der Parasitoide ausschlaggebend für die hohe lokale Diversität zu sein.
2.4 Artenzahlen pro Gattung

Sind die Arten des Drakenberges eine Zufallsauswahl aus dem regionalen Artenpool oder gibt es eine spezifische Auswahl an Gattungen und Arten? Diese Frage scheint auf den ersten Blick eine eindeutige Antwort zu haben: natürlich! Schließlich haben auch Hautflügler habitatspezifische Anpassungen. Thermophile Arten, Parasitoide von Wirten der Krautschicht (Minierern oder Gallbildnern) und wirtsspezifische Parasitoide etwa von Zikaden oder Blattläusen sollten in dem offenen Biotop Wiese häufiger vertreten sein als etwa in



Abb. 2.4.1: Die Artenzahlen pro Gattung des Drakenbergs in Beziehung zur europäischen Zahl der Arten. Jeder Datenpunkt repräsentiert eine der auf der Wiese vorkommenden Gattungen. Die Regressionslinie entspricht der erwarteten Beziehung aufgrund einer Zufallsauswahl der Arten. Sie wurde anhand von 100 Zufallsproben von 475 Arten aus dem regionalen Pool ermittelt.

einem Wald oder einer Ackerlandschaft.

Die Ergebnisse des vorigen Kapitels jedoch lassen an dieser Hypothese gewisse Zweifel aufkommen. Die mehr oder weniger linearen Regressionen zwischen lokaler und regionaler Artenzahl der Parasitoide der einzelnen Wirtstaxa und -gilden scheinen eher auf eine Artenzusammensetzung hinzudeuten, die dem des Pools proportional ist. Allerdings mit der Einschränkung, dass artenreiche Taxa auf der Wiese unterrepräsentiert waren, unabhängig von der Biologie dieser Arten. Damit wären



Abb. 2.4.2: Nachgewiesene (SN) - erwartete (SE) Artenzahlen pro Gattung des Drakenbergs in Beziehung zur europäischen Zahl der Arten. Jeder Datenpunkt repräsentiert eine der auf der Wiese vorkommenden Gattungen. Die durchgezogenen Linien entsprechen den 99% Konfidenzintervallen, wie sie anhand von 100 Zufallsproben von 475 Arten aus dem europäischen Artenpool ermittelt wurden.

lokale Besonderheiten eher von untergeordneter Bedeutung. Es scheint also angebracht, lokale und regionale Artenzahlen genauer zu betrachten.

Zunächst einmal gilt es zu analysieren, ob nahe verwandte Arten auf der Wiese häufiger gemeinsam vorkamen als es aufgrund des Artenpools zu erwarten war. Ein solche Analyse setzt eine hinreichend genaue Kenntnis der phylogenetischen Beziehungen innerhalb der Hymenoptera voraus. Die Abb. 1.3.1 jedoch machte deutlich, wie wenig wir immer noch über die Phylogenese der Hymenopteren und die Verwandtschaftsbeziehungen selbst der Überfamilien wissen.

Eine Methode, auch ohne Kenntnis der phylogenetischen Beziehungen selektive Artenkombinationen zu ermit-



Abb. 2.4.3: Die Artenzahlen pro Gattung einer Zufallsauswahl von 475 Arten der europäischen Fauna in Beziehung zur europäischen Zahl der Arten. Jeder Datenpunkt repräsentiert eine Gattung. Die Regressionslinie entspricht der in Abb. 2.4.1.

teln besteht jedoch in dem Vergleich der Artenzahlen pro Gattungen (dem Arten pro Gattungs-Verhältnis; S / G Verhältnis) mit dem, wie er bei einer Zufallsauswahl aus dem Artenpool zu erwarten wäre. Diese Methode wurde von Elton (1946) und Williams (1947) in die Ökologie eingeführt, um lokale Besonderheiten in der Artenzusammensetzung und Konkurrenzeffekte zu identifizieren. Durch den Vergleich mit geeigneten Nullmodellen (Gotelli und Graves 1996) konnten die meisten neuere Arbeiten deutliche Abweichungen von dem durch das Nullmodell erwarteten S / G Verhältnis nachweisen, wobei lokale Gemeinschaften häufig erhöhte Werte aufweisen (Simberloff 1970, Gotelli und Graves 1996), das heißt, Arten derselben Gattungen kommen häufiger gemeinsam vor als dies per Zufall zu erwarten wäre.

Die Abb. 2.4.1 deutet für den Drakenberg ein ähnliches Muster an. Die Wiese enthielt mehr Arten pro Gattung als es per Zufall zu erwarten war. Tatsächlich war das mittlere S / G Verhältnis des Drakenbergs 2,42, das mittlere erwartete Verhältnis aus 1000 Zufallsproben von 475 Arten war dagegen nur 1,59 \pm 0,06 (Mittelwert \pm Standardabweichung). Allerdings muss betont werden, dass eine solche Abbildung na-



Abb. 2.4.4: Anteil der Gattung des Drakenbergs an den europäischen Gattungen mit 1, 2, 3-4, 5-8, etc Arten (schwarze Balken). Zum Vergleich sind die erwarteten Werte anhand einer Zufallsauswahl von 475 Arten aus dem europäischen Artenpool gegeben. Die Fehlerbalken sind Standardabweichungen der Erwartung und wurden mittels 20 Wiederholungen des Zufallsmodells ermittelt.

türlich nur die Gattungen enthält, die tatsächlich nachgewiesen wurden. Es fehlen also alle Gattungen, von denen keine Arten auf dem Drakenberg vorkamen. Damit ist die Abbildung sofort optisch zugunsten von Gattungen oberhalb der Regressionslinie verschoben. Das heißt, man muss die Abb. 2.4.1 mit solchen vergleichen, die aufgrund einer Zufallsauswahl aus dem europäischen Artenpool entstehen.

Eine solche zeigt die Abb. 2.4.3. Ihre Datenpunkte (Gattungen) liegen im Mittel näher an der Regressionslinie als die beobachteten. Die Summe der Residuen ist daher ein Maß, ob die Drakenberggattungen hinsichtlich ihrer Artenzahlen von der Erwartung einer Zufallsauswahl abweichen oder nicht. Die Residuensumme des Drakenbergs war 265,6, die mittlere Residuensumme der Zufallsgemeinschaften war dagegen nur 208,0 \pm 2,4. Mit anderen Worten, die Wiese hatte tatsächlich ein erhöhtes S / G Verhältnis.

Damit ergibt sich die Frage nach den Gründen. Welche Gattungen hatten auf der Wiese mehr Arten als erwartet? Dies sind alle Gattungen, die in Abb. 2.4.2 deutlich über dem 99% Konfidenzinterval liegen: *Phygadeuon* (Ichneumonidae, 15 Arten); *Aphanogmus* (Ceraphronidae, 13 Arten); *Basalys* (Diapriidae, 12 Arten); *Ceraphron* (Ceraphronidae, 11 Arten); *Exallonyx* (Proctotrupidae, 11 Arten); *Aprostocetus* (Eulophidae, 11 Arten); *Conostigmus* (Megaspilidae, 9 Arten); *Chorebus* (Braconidae, 8 Arten); *Gelis* (Ichneumonidae, 8 Arten); *Anaphes* (Mymaridae, 8 Arten); *Trimorus* (Scelionidae, 7 Arten); *Platygaster* (Platygastridae, 7 Arten) und *Aspilota* (Braconidae, 7 Arten). Es sind alles mittelgroße bis große Gattungen mit ganz verschiedener Biologie aus ganz unterschiedlichen Familien. Es lässt sich kein einheitliches Muster ausmachen.

Nach klassischer Interpretation deuten zu hohe S / G Verhältnisse an, dass nahe verwandte Arten ähnliche Habitat- und Ressourcenansprüche haben und deshalb häufiger gemeinsam vorkommen als per Zufall zu erwarten. Damit sollte auch Konkurrenz um gemeinsame limitierende Ressourcen, etwa Wirte, nur eine untergeordnete Rolle spielen.

Allerdings wurden die obigen Gattungen allesamt sehr früh, nämlich durch Systematiker des 18. und 19. Jahrhunderts errichtet. Und dies mag ein Erklärungsgrund sein. Neue Gattungen der europäischen Fauna werden meist in europäischen Randgebieten, Sonderstandorten oder isolierten Arealen beschrieben. Diese Gattungen sind natürlich allesamt artenarm. Gewöhnliche mitteleuropäische Habitate dagegen beherbergen die typische Fauna und ihr Anteil an Gattungen mit wenigstens einigen Arten sollte zumindest etwas höher sein als der von isolierten und Randgebieten. Ein Ausweg aus diesem Dilemma wäre es natürlich, als regionalen Artenpool nur die mitteleuropäische Fauna zu verwenden. Leider gibt es bisher keine vergleichbare Zusammenstellung der mitteleuropäischen Hymenopterenfauna.

Ich habe dieses Beispiel so ausführlich dargestellt, um zu zeigen, welche Fallstricke sich bei einer an sich simplen Analyse von Artenzahlen ergeben können.

2.5 Zur regionalen Verbreitung der Arten

Die Hymenopteren, besonders die Parasitoide, gehören zu den Arthropodentaxa, bei denen für die ganz überwiegende Mehrzahl der Arten keinerlei Angaben zur regionalen bis kontinentalen Verbreitung vorhanden sind. Viele Parasitoidarten sind sogar nur von Einzelfunden bekannt, so dass nicht einmal grobe Angaben über das Verbreitungsgebiet gemacht werden können. Ausnahmen von dieser Regel sind nur die Aculeaten (vergl. Schmid-Egger und Mandery 2005 sowie viele entsprechende Internet Seiten mit Verbreitungsangaben). Allerdings gibt es auch für sie nur wenige detaillierte regionale Verbreitungsatlasse mit zumindest halbquantitativen Abundanzangaben.

Diese Sachlage verunmöglicht jede eingehendere Analyse lokaler und regionaler Gemeinschaften und deren Strukturen, wie sie etwa für Schmetterlinge (Ulrich und Buszko 2003a, b, 2004, 2005) oder Laufkäfer (Den Boer 1981, Turin und Den Boer 1988, Kotze et al. 2003, Zalewski 2000, Ulrich und Zalewski in Vorb.) auf sehr differenzierter Ebene möglich sind.

Um trotzdem zumindest Hinweise auf Unterschiede in der regionalen Verbreitung, genauer in der Habitatspezifität zu erhalten, vergleiche ich im Folgenden die gemeinsamen Arten von Buchenwald und Drakenberg. Diese Arten sollten im Mittel weniger habitatspezifisch sein als die Arten, die in nur ei-

Parasitoide von	Gemeinsame Arten	Arten auf der Wiese	Arten im Buchenwald	Soerensen Index
Prädatoren	15	25	41	0.45
Parasitoiden	5	22	37	0.17
Eiern	6	47	45	0.13
Saprophagen	7	36	63	0.14
Minierern	6	47	55	0.12
Säftesaugern	2	30	33	0.06
Gallbildnern	4	35	68	0.08
Ektophytophagen	5	44	108	0.07
Mycetophagen	2	24	82	0.04
Gilde unbekannt	4	144	133	0.03
Summe	56	455	669	0.10

Tab. 2.5.1: Gemeinsame Arten und Soerensen Index der Parasitoide der einzelnen Parasitoidgilden.

nem der beiden Habitate vorkamen. Natürlich ist eine solche Analyse insofern mit Vorsicht zu interpretieren, da die hohe Zahl nicht determinierter Arten in beiden Habitaten natürlich Einfluss auf das Ergebnis haben kann.

Insgesamt waren 56 Arten beiden Habitaten gemeinsam (Ulrich 2004a). Damit ergibt der Soerensen Ähnlichkeitsindex einen Wert von 0,1 (Tab. 2.5.1). Die Werte dieses Indexes schwanken bei allen Gilden um diesen Wert, so dass keine deutlichen Unterschiede zwischen den Gilden auszumachen sind. Nur die Parasitoide von Räubern machen eine Ausnahme, da 15 der insgesamt 51 nachgewiesenen Arten in beiden Habitaten vorkamen. Es sind dies vor allem Staphylinidenparasitoide der Proctotrupidengattungen *Exallonyx* und *Phaneroserphus*. Von den insgesamt 11 Arten kamen *Exallonyx brevicornis*, *E. longicornis*, *E. microcerus*, *E. minor*, *E. quadriceps*, *E. subserratus*, *E. trichomus* und *Phaneroserphus calcar* (8 Arten) in beiden Habitaten vor. Es scheint, dass Proctotrupiden relativ habitatunspezifisch sind, ein

Parasitoide von	Gemeinsame Arten	Arten auf der Wiese	Arten im Buchenwald	Soerensen Index
Aphidina	0	13	16	0,00
Apocrita	5	23	46	0,14
Araneida	2	6	3	0,44
Blattaria	0	1	0	0,00
Cicadina	4	22	14	0,22
Coccina	0	7	5	0,00
Coleoptera	13	36	60	0,27
Diptera	19	155	262	0,09
Heteroptera	0	2	3	0,00
Lepidoptera	6	46	103	0,08
Planipennia	2	3	11	0,29
Symphyta	0	3	14	0,00
Thysanoptera	0	1	2	0,00
Psocoptera	0	0	1	0,00
Aleyrodina	0	0	3	0,00
Psyllina	0	0	1	0,00
Taxon unbekannt	5	137	125	0,04

Tab. 2.5.2: Gemeinsame Arten und Soerensen Index der Parasitoide der einzelnen Wirtstaxa.

Parasitoidtyp	Gemeinsame Arten	Arten auf dem Drakenberg	Arten im Bu- chenwald	Soerensen Index
Koinobionten	31	227	366	0.10
Idiobionten	24	178	225	0.12
?	1	50	78	0.02
Hibernation als	;			
Imago	16	31	48	0.41
Larve / Puppe	18	90	189	0.13
?	22	334	432	0.06
Stratum				
Boden	27	88	190	0.19
Krautschicht	21	186	50	0.18
?	8	180	180	0.04

Tab. 2.5.3: Gemeinsame Arten und Soerensen Index der Parasitoide einzelner Parasitoidtypen.

Befund der auch durch Nachweise dieser Arten aus anderen Habitaten gestützt wird (Weidemann 1965, Thiede 1977, Garbarczyk 1981, Townes und Townes 1981, Hilpert 1989, Johnson 1992). Eine geringe Habitatspezifität deutet bei Parasitoiden entweder auf einen weiten Wirtskreis hin oder aber auf Wirte, die ebenfalls eher Generalis-

Abb. 2.5.1: Mittlere Schlupfdichten der gemeinsamen Arten von Drakenberg und Buchenwald im Vergleich.



ten sind. Die Wirtsarten der Gattung *Exallonyx* sind nahezu unbekannt, so dass keine Entscheidung zwischen beiden Hypothesen getroffen werden kann.

Betrachtet man die gemeinsamen Arten der Parasitoide der einzelnen Wirtstaxa (Tab. 2.5.2), so wiederholt sich das obige Bild. Coleopterenparasitoide haben erhöhte Werte des Soerensen Index. Aber auch Spinnenparasitoide und Parasitoide von Zikaden kamen in beiden Habitaten häufiger gemeinsam vor als dies zu erwarten war.

Hinsichtlich des Stratums des Wirtsattacks und des Parasitoidtyps (koino- oder idiobiontisch) ergaben sich keine Unterschiede in Bezug auf die Zahl der gemeinsamen Arten.

Dagegen scheinen Arten, die als Imago überwintern, eher Habitatgeneralisten zu sein als solche, die den Winter als Larve oder Puppe verbringen. 16 Imaginalüberwinterer waren beiden Habitaten gemeinsam. Allerdings sind darunter wiederum die Arten der Gattung *Exallonyx* und *Phaneroserphus*. Zieht man diese Arten ab, verbleiben 8 gemeinsame Arten und es ergibt sich ein Soerensen Index von 0.26. Auch dieser ist noch deutlich höher als das Mittel und wir können die Hypothese aufstellen, dass Imaginalüberwinterer tatsächlich eher Habitatgeneralisten sind als Larvalüberwinterer.

Ein weiterer Punkt betrifft die Frage, ob Arten, die in einem Habitat hohe Dichten erreichten, auch in anderen Habitaten abundant waren, oder ob ihre lokalen Dichten voneinander unabhängig waren (Ulrich 2004a)? Nach vorherrschender Ansicht sollten entsprechend der häufig gefundenen positiven Dichte - Verbreitungsbeziehung (Blackburn und Gaston 2001, 2003, Gaston 1996, Gaston und Curnutt 1998) lokal häufige Arten regional häufiger auftreten als lokal seltene. Nach dieser Logik müssten also im Mittel Arten, die im Wald abundant waren dies auch auf der Wiese sein. Abb. 2.5.1 zeigt jedoch, dass dem nicht so war. Es gibt für die beiden Habitaten gemeinsamen Arten keine Korrelation der mittleren Dichten.

Dieses Resultat entspricht dem einer früheren Arbeit über die bodenlebenden Parasitoidarten beider Habitate (Ulrich 2004a).

Ein zweiter Punkt ist, dass die lokal häufigen Arten überproportional in der Gruppe der beiden Habitaten gemeinsamen Arten auftreten sollten. Um dies zu untersuchen, habe ich einen nichtparametrischen Weg gewählt und die Ränge der mittleren Dichten der gemeinsamen Arten für jedes der beiden Habitate in Bezug auf die gesamte Artenrangfolge untersucht. Nach obiger Hypothese müssten die Ränge der gemeinsamen Arten in nichtzufälliger Weise verteilt sein. Eine Kruskal-Wallis A-NOVA ergab für den Drakenberg keine signifikante Abweichung der Verteilung der gemeinsamen Arten von einer Zufallsverteilung (H (1;475) = 1,86; p = 0,17). Dagegen waren die gemeinsamen Arten im Buchenwald signifikant zu häufig (H (1;720) = 8,43; p = 0,004). Die vorhandenen Daten unterstützen die obige Hypothese also nur teilweise.

Wie viele gemeinsame Arten sind zwischen beiden Habitaten überhaupt zu erwarten? Sind 56 gemeinsame Arten viel oder wenig? Eine solche Frage lässt sich nur beantworten, wenn man den regionalen Artenpool mit berücksichtigt (Ulrich 1999a, b 2004a, 2005c).



Abb. 2.5.2: Wahrscheinlichkeitsfunktionen des Artenüberlapps der bodenlebenden Parasitoide unter der Annahme regionaler Artenpools von 500 (Niedersachsen), 800 (Mitteleuropa) und 1400 (Europa).

Unter den bodenlebenden Arten konnte ich auf der Wiese 52 Arten determinieren, im Wald 113. 26 dieser Arten waren beiden Habitaten gemeinsam. Um zu ermitteln, ob dies hohe oder niedrige Zahlen gemeinsamer Arten sind, bietet sich ein Zufallsmodell an. Wie groß muss der regionale Pool sein, dass bei einer zufälligen Auswahl von 113 (m) und 52 (l) Arten mindestens 26 (k) gemeinsam sind? Dies lässt sich mit der folgenden Formel berechnen, wobei n die Artenzahl des regionalen Pools ist (Connor und Simberloff 1978, Ulrich 2005c):

$$p_{k} = \frac{\binom{n}{k}\binom{n-k}{m-k}\binom{n-m}{l-k}}{\binom{n}{m}\binom{n}{l}}$$

Der Mittelwert ist $E(p_k) = ml/n$. Die Vari-

anz dieser Wahrscheinlichkeit ist



Damit ergibt sich für die bodenlebenden Arten eine Erwartung von n = 52*113/26 = 226 Arten bodenlebender Parasitoide im regionalen Artenpool. Dieser Wert bezieht sich natürlich auf die determinierten Arten. Da in beiden Habitaten 36 bzw. 52% der Arten determiniert werden konnten (Ulrich 2001a), müsste der regionale Pool bodenlebender Parasitoide demnach zwischen 434 und 628 Arten umfassen. Diese Schätzwerte sind sicherlich um eine Größenordnung zu niedrig. Ich konnte in beiden Habitaten mit einer Gesamtfläche von weniger als 5 ha zusammen bereits 248 Arten nachweisen. Selbst bei einer sehr flachen Arten-Arealkurve käme man für



Abb. 2.5.3: Wahrscheinlichkeitsfunktionen des Artenüberlapps der krautschichtlebenden Parasitoide unter der Annahme regionaler Artenpools von 500 (Niedersachsen), 1000 (Mitteleuropa) und 1500 (Europa).

10 km² bereits auf deutlich über 1000 Arten. Die Abb. 2.5.2 zeigt realistischere Abschätzungen und verdeutlicht graphisch, dass die beobachtete Zahl gemeinsamer Arten bodenlebender Parasitoide deutlich höher ist als per Zufall zu erwarten war.

Für die Bewohner der Krautschicht ist die Abschätzung etwas schwieriger, da viele Arten wohl nicht zwischen Kräutern und Bäumen unterscheiden. Insgesamt betrachtet ist die Unterscheidung etwas künstlich. Auf der Wiese gab es 193 Arten, die mit der Krautschicht verbunden waren, davon konnte ich 72 determinieren. Im Wald waren es 50 Arten von denen ich 45 bestimmen konnte. Damit müsste nach dem Zufallmodell der regionale Artenpool n = 72 * 45 / 22 = 147 determinierte und somit zwischen 280 und 410 Arten umfassen. Tatsächlich aber sind die regionalen Pools natürlich viel größer (Abb. 2.5.3).

Damit ergibt sich für die Krautschichtbewohner ein noch deutlicheres Abweichen von einer Zufallsauswahl als bei den bodenlendenden Arten. Ein Großteil der Arten des regionalen Pools ist offensichtlich in der Lage, beide Lebensräume zu besiedeln. Damit erscheinen die parasitoiden Hymenopteren als relativ wenig habitatspezifisch, ein Befund, der sich wiederum mit den Artenlisten anderer Untersuchungen deckt (Hilpert 1989, Hawkins 1993, Ulrich 2001a, 2004a).

2.6 Häufigkeit und Seltenheit

2.6.1 Schlupfdichten und Biomassen der Parasitoide

Hautflügler gehören in allen Habitaten der gemäßigten Breiten aber auch in den Tropen und Subtropen nicht nur zu den artenreichsten sondern auch zu den individuen- und biomassereichsten Taxa. In den warmen Klimaten sind es natürlich die Ameisen, die etwa im tropischen Südamerika etwa ein Drittel der Gesamtbiomasse aller Tierarten stellen (Hölldobler und Wilson 1990, 1994, Wilson 1992). Aber auch Parasitoidarten können sehr zahlreich vorkommen (Stork 1987, 1991, Stork et al. 1997, Horstmann et al. 1999).

In den gemäßigten Breiten sind die Hymenopteren nach den Dipteren regelmäßig die Gruppe der Makrofauna mit der höchsten Schlupfdichte (Thiede 1977, Funke 1983). Sie erreichen im allgemeinen jährliche Dichten von einigen Hundert bis einigen Tausend Tieren pro m² (Thiede 1977, Funke 1983, Hilpert 1989, Ulrich 1988, 1998a, 1999b, 2001a, Schmitt 2004). Dabei scheinen offene Habitate nicht nur artenreicher sondern auch individuenreicher zu sein als etwa Wälder (Ulrich 1999b, 2001a).

Der Drakenberg erwies sich als

Bestätigung dieser Regel. Die Hymenopteren schlüpften 1986 mit 1120 \pm 53 und 1988 mit 335 \pm 42 Individuen m²a⁻¹ (Tab. 2.6.1, 2.6.2). Unter den Familien waren in beiden Jahren die Braconiden, Ceraphroniden, Ichneumoniden, Mymariden und Platygastriden individuenreich. Sehr oft fingen sich natürlich auch Ameisen. Da diese mit Eklektoren nicht quantitativ erfasst werden, spiegeln die Werte in Tab. 2.6.1 nicht die wahren Dichten wieder. Sicherlich sind die Ameisen auf der Wiese die zahlenmäßig stärkste Gruppe.

Erstaunlich war die hohe Schlupfdichte der Ceraphroniden, einer Familie über deren Biologie so gut wie nichts bekannt ist (Gauld und Bolton 1988, Dessart 1988, 1993, Gilkeson et al. 1993, Ulrich 2001a). Sie schlüpften 1986 mit 238 \pm 59 Individuen m²a⁻¹ und 1988 mit 140 \pm 61 Individuen m²a⁻¹. Das waren 1986 21% und 1988 42% des jährlichen Gesamtschlupfes. Solche hohen Schlupfdichten sind vorher in keinem anderen Habitat beschrieben worden. Gleichzeitig wird deutlich, dass Ceraphroniden und die verwandten und fast gleichermaßen enigmatischen Me-

Tab. 2.6.1: Schlupfdichten (Ind. m⁻²*a⁻¹) und Standardabweichungen der Hymenopterenfamilien des Drakenberges 1986 und 1988. Die Gesamtdichte ist nicht die Summe der ersten und zweiten Generation, da einige Tiere nicht genau zugeordnet werden konnten.

Familie	Jahr	Dichte	StdAbw.	Dichte 2 Gen	StdAbw.	Gesamt-	StdAbw.
Andrenidae	1986	1.6	0.9	0	0	1.6	0.9
Aphelinidae	1986	38.7	7.7	17.7	3.8	60.7	11.1
Braconidae	1986	126.1	44	54.2	15.7	249.3	80.3
Ceraphronidae	1986	74 1	29	62,5	15.6	237.7	58.5
Charipidae	1986	7.7	3.2	3.7	2.2	17.9	7.9
Diapriidae	1986	48.7	21.8	30.6	12.5	108 7	41.4
Drvinidae	1986	6.5	3	0	0	6.5	3
Encyrtidae	1986	3.6	24	0.5	04	22.4	10.9
Eucoilidae	1986	26.1	8.2	1.6	13	30,1	92
Eulophidae	1986	53 5	193	103	20.4	174	41 7
Eunelmidae	1986	14	11	0	0	14	11
Eurytomidae	1986	17.5	4	35	18	23	5.9
Formicidae	1986	0	0	0	0	241 1	31.1
Ichneumonidae	1986	1813	563	13.2	47	244.6	80.4
Megachilidae	1986	0	0	0	-,,/ 0	1	0.5
Megaspilidae	1986	12.6	52	16.8	59	90.4	0,5 27 7
Mymaridae	1986	338.6	94.6	203.2	54.5	551.7	135.3
Platygasteridae	1986	396.2	82.2	203,2	54,5	702.8	115.5
Pompilidae	1986	1	02,2	290,5	0.5	702,8	115,5
Proctotrupidae	1980	1	0,0	2.2	0,5	ے 11 7	1,1
Ptoromolidao	1980	7,5	3,1 16	3,2	25	280.0	5,0
Sectionides	1980	40,4	10	203	17.0	209,9	20.1
Scenonidae	1980	0.4	10,1	99	17,9	194,2	29,1
Tonthradinidaa	1980	0,4	0,5	0	0	1,4	0,8
Temmidaa	1980	9,7	2,8	0	0	91	14,2
Trichagrammatidaa	1980	0	5,5	0	20	9,3	3,9
Andrenidee	1980	1,/	0,9	/	2,9	<u> </u>	3,4
Andrenidae	1988	0,5	0,5	0	0	0,3	0,5
Apnelinidae	1988	0,8	1,5	0,6	1,5	1,8	3,6
Brachygastridae	1988	0	0	0	0	0,3	0,4
Braconidae	1988	50,1	49,7	6,7	10,2	/3,/	84,3
Ceraphronidae	1988	105,6	48,9	29	14,5	139,9	60,5
Charipidae	1988	5,8	/,6	0	0	6,2	8,4
Diapriidae	1988	35,5	29,9	6,7	6,5	48	41,7
Dryinidae	1988	3,9	6	0	0	4,8	8,5
Encyrtidae	1988	6,1	7,3	5,1	6,7	19,2	30,3
Eucoilidae	1988	5	7,4	1,3	1,7	6,6	9,1
Eulophidae	1988	14,1	19,2	22,3	23,6	39	48,6
Eupelmidae	1988	0,3	0,5	0	0	0,4	0,9
Eurytomidae	1988	3,2	5,4	0	0	3,3	5,8
Formicidae	1988	15,4	39,9	0	0	46,3	65,4
Ichneumonidae	1988	15,6	21,5	6,5	11,9	34,7	56
Megaspilidae	1988	9,8	13,6	3,7	4,1	16,5	19
Mymaridae	1988	13,1	22,2	6	8,2	19,9	30,4
Platygasteridae	1988	42,7	30,5	17,9	13,9	62	39,8
Pompilidae	1988	3,8	3	0	0	3,9	3,4
Proctotrupidae	1988	1,2	2,3	1,4	2	2,5	3,6
Pteromalidae	1988	9,9	12,3	11,4	14,5	25	32,1
Scelionidae	1988	5,6	5,1	2,4	2,2	9,2	8,6
Tenthredinidae	1988	2,5	1	0	0	2,5	1
Torymidae	1988	0,3	0,5	0	0	1,3	1,8
Trichogrammatidae	1988	0	0	0,1	0,4	0,1	0,4

gaspiliden (mit Ausnahme der Hyperparasitoide der Gattung Dendroceus, Fergusson 1980) auf der Wiese deutlich höhere Schlupfdichten erreichten als in Wäldern. Im Göttinger Wald erreichten die Ceraphroniden im Mittel nur 5 Individuen m²a⁻¹ und die Megaspiliden 3,5 Individuen m²a⁻¹. Das sind in beiden Fällen weniger als 10% der Gesamtdichten. Aber auch im Wald gab es Spitzenzeiten, wo die kleinen, im Mittel weniger als 2 mm großen Ceraphronoidea fast 20% aller Hautflügler in den Kopfdosen der Eklektoren ausmachten. Da beide Familien auch sehr artenreich waren (37 Arten = 7,8% der Gesamtfauna), stellt sich um so mehr die Frage nach den Wirten dieser Arten. Sicherlich sind es (im wesentlichen) weder Minierer (Dipteren, Coleopteren und Lepidopteren) noch Pflanzensaftsauger (Blatt- oder Schildläuse und Zikaden). Diese Gruppen sind aufgrund ihrer ökonomischen Bedeutung und der vergleichsweise leichten Handhabung alle sehr gut untersucht. Deutlich weniger ist über gallbildende Arthropoden, vor allem Dipteren, bekannt. Allerdings gibt es für Ceraphroniden und Megaspiliden bisher keine Zuchten aus echten Gallbildnern (Alekseev 1978, Neerup-Buhl 1998, Ulrich 2001a). Doch wurden eini-

Abb. 2.6.2: Schlupfdichten (Ind.*m⁻²*a⁻¹) und Biomassen (mg*m⁻²*a⁻¹) der Parasitoide der einzelnen Wirtstaxa auf dem Drakenberg. Biomassen wurden anhand der mittleren Trockengewichte der Arten hochgerechnet.

Taxon	Untersuchungsjahr								
	1986					1988			
	Schlupf- dichte	StdAbw.	Biomas- se	StdAbw.	Schlupf- dichte	StdAbw.	Biomas- se	StdAbw.	
Arachnida	56	7	< 1	< 1	9	4	2	1	
Blattaria	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	
Heteroptera	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	
Aphidina	8	4	< 1	< 1	11	7	< 1	< 1	
Cicadina	163	12	3	1	13	9	1	1	
Coccina	28	4	1	1	1	2	< 1	< 1	
Thysanoptera	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	
Planipennia	< 1	< 1	< 1	< 1	1	1	< 1	< 1	
Coleoptera	78	10	8	1	11	4	2	1	
Symphyta	1	1	1	1	< 1	< 1	< 1	< 1	
Apocrita	14	2	4	1	6	4	1	1	
Diptera	445	44	25	2	138	27	18	4	
Lepidoptera	72	6	138	24	16	7	38	20	
Taxon unbekannt	255	22	14	1	127	29	7	3	
Summe	1120	53	194	24	335	42	69	20	

Abb. 2.6.3: Schlupfdichten (Ind.*m⁻²*a⁻¹) und Biomassen (mg*m⁻²*a⁻¹) der Parasitoide der einzelnen Wirtsgilden auf dem Drakenberg. Biomassen wurden anhand der mittleren Trockengewichte der Arten hochgerechnet.

Taxon				Untersuc	hungsjahr	,				
	1986					1988				
	Schlupf- dichte	StdAbw.	Biomas- se	StdAbw.	Schlupf- dichte	StdAbw.	Biomas- se	StdAbw.		
Minierer	200	20	9	1	24	13	1	1		
Gallbildner	324	44	9	1	49	17	1	1		
Ektophytophage	23	3	138	24	15	7	38	20		
Säftesauger	39	6	1	< 1	16	11	1	1		
Saprophage	30	4	1	< 1	31	12	2	1		
Mycetophage	26	5	3	1	35	10	11	4		
Räuber	16	2	5	1	10	4	3	2		
Eier	279	17	3	< 1	24	6	2	1		
Xylophage	2	1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1	< 1		
Parasitoide	14	2	4	1	6	4	1	1		
Gilde unbekannt	167	12	20	2	126	29	9	3		
Summe	1120	53	194	24	335	42	69	20		

ge Arten aus räuberischen oder mycetophagen Gallmückenlarven der Unterfamilie Lestremiinae gezogen (Pschorn-Walcher 1956, Oatman 1985). Vielleicht sollte man unter den Arten dieser Unterfamilie nach den Hauptwirten der Ceraphroniden (und der Megaspilidengattung Conostigmus?) suchen. In jedem Fall verdient die Gruppe trotz der geringen Körpergröße der meisten Arten und ihres eher unscheinbaren Äußeren (die meisten Arten sind gelb bis dunkelbraun) einer stärkeren Aufmerksamkeit als bisher. Die hohen Schlupfdichten lassen auf eine wichtigere Funktion in der Nahrungskette schließen als bisher angenommen.

Wenden wir uns dem Wirtstaxon der Parasitoide zu, so zeigt die Tab. 2.6.2, dass die Arten, die Dipteren befallen, fast die Hälfte der Gesamtdichte ausmachten. Es folgten die Parasitoide von Zikaden, Käfern, Schmetterlingen und Spinnen. Die Abfolge der Schlupfdichten spiegelt also nicht die Reihenfolge der potentiellen Wirtsarten wieder, da Käfer und wohl auch Schmetterlinge auf der Wiese sicher artenreicher sind als Spinnen. Die Abfolge der Schlupfdichten dürfte jedoch eher die Abfolge der Dichten der verfügbaren Wirte widerspiegeln. Darüber hinaus sind die meisten Spinnenparasitoide gregär, das heißt, mehrere bis viele Parasitoide entAbb. 2.6.4: Schlupfdichten (Ind.*m⁻²*a⁻¹) und Biomassen (mg*m⁻²*a⁻¹) der wichtigsten Parasitoidarten auf dem Drakenberg. Biomassen wurden anhand der mittleren Trockengewichte der Arten hochgerechnet.

Art	Jahr							
	19	986	1	988				
	Dichte	Biomasse	Dichte	Biomasse				
Aclastus gracilis	3 ± 3	2 ± 2	1 ± 1	< 1				
Anaphes sp.	21 ± 7	< 1	38 ± 12	< 1				
Arthrolytus sp.	97 ± 19	11 ± 2	< 1	< 1				
Baeus sp.	55 ± 7	< 1	4 ± 2	< 1				
Basalys nr. cymocles	11 ± 3	< 1	10 ± 10	< 1				
Basalys parva	4 ± 1	< 1	< 1	< 1				
Belyta depressa	3 ± 1	< 1	21 ± 5	1 ± 1				
Blacus ruficornis	3 ± 1	< 1	4 ± 2	< 1				
Callitula pyrrhogaster	22 ± 3	< 1	11 ± 13	< 1				
Ceraphron sp.	19 ± 2	1 ± 1	56 ± 16	2 ± 1				
Chasmodon apterus	3 ± 1	< 1	< 1	< 1				
Coelichneumon desinatorius	7 ± 2	61 ± 14	1 ± 1	10 ± 11				
Gonatocerus sp.	23 ± 4	< 1	< 1	< 1				
Litus cynipseus	14 ± 5	< 1	1 ± 1	< 1				
Ooctonus hemipterus	6 ± 1	< 1	< 1	< 1				
Ooctonus vulgatus	34 ± 4	< 1	2 ± 2	< 1				
Phygadeuon trichops	5 ± 1	3 ± 1	2 ± 2	1 ± 1				
Platygaster sp.	269 ± 41	8 ± 1	35 ± 15	1 ± 1				
Polynema fumipenne	15 ± 4	< 1	2 ± 2	< 1				
Synopeas sp.	35 ± 15	< 1	< 1	< 1				

wickeln sich in einem Wirtsindividuum (Fitton et al. 1987, Finch 2001).

Trotzdem ist die hohe Schlupfdichte von Arten, die Spinnen befallen, interessant (Tab. 2.6.2). Es handelt sich dabei um die Eiparasitoide *Baeus* sp., *Tromatobia ovivora, Zaglyptus varipes, Polyaulon paradoxus, Aclastus gracilis* und *A. solutus*. 1986 erreichten sie eine Dichte von 56 ± 7 Individuen m²a⁻¹, wovon die Scelionide *Baeus* sp. mit über 50 Individuen m²a⁻¹ den größten Anteil hatte. In Wäldern sind Spinnenparasitoide viel seltener und haben deutlich weniger als 5 Individuen m²a⁻¹ (Ulrich 1998a, 2001a). Allerdings deuten die Befunde von Horstmann (1970, 1985, mündl), Austin (1985), van Baarlen et al. (1994) und Finch (2001) darauf hin, dass Spinnenparasitoide der Familie Ichneumonidae auch in anderen offenen Habitaten sehr hohe Individuenzahlen erreichen können.

Die für den Ökologen wichtigste Einteilung ist die anhand der Wirtsgilde (Tab. 2.6.3). Danach waren auf der Wiese die Parasitoide von gallbildenden Arthropoden (fast ausschließlich Gallmücken sowie einige Eurytomiden und Curculioniden) am individuenreichsten. Aber auch Parasitoide von Minierern und die Eiparasitoide erreichten hohe Schlupfdichten. Erstaunt dagegen war ich über die relativ geringen Dichten der Parasitoide von säftesaugenden Hemipteren. Diese stellten in beiden Jahren weniger als 5% des Gesamtschlupfes.

Die häufigsten Parasitoidarten des Drakenbergs waren zwei Arten, die Gallmücken befallen (*Platygaster* sp. und *Arthrolytus* sp.). Dabei fällt die hohe Dichtefluktuation der letzteren Art auf, ein Phänomen, dass bei Parasitoiden von Gallbildnern häufig zu beobachten ist. Ebenfall häufig waren Eiparasitoide der Gattungen *Baeus*, *Anaphes*, *Gonatocerus*, *Litus* und *Ooctonus*.

Biomassen von Parasitoidarten eines Habitates wurden bisher nur von Thiede (1977), Funke (1983) und Ulrich (1998, 2001a) für Wälder untersucht. Der Drakenberg ist meines Wissens das einzige offene Habitat aus dem Biomassen von Parasitoiden berichtet wurden (Ulrich 1999b). Dieser Mangel an Arbeiten zeugt davon, wie wenig über die Produktion der parasitoiden Hymenopteren, also über deren Bedeutung im Energiehaushalt eines Habitates bekannt ist (Funke 1983, Schaefer 1990, 1991a, b, Schaefer und Scheu 1996). Diese Feststellung gilt natürlich nicht für die Ameisen und die Bestäuber (also im wesentlichen Bienen und Hummeln), für die eine Vielzahl von eingehenden Studien vorliegt (dazu genügt eine kurze Suche im Internet).

Parasitoide Hymenopteren sind vergleichsweise kleine Tiere. Entsprechend war ihre Gesamtbiomasse mit $194 \pm 24 \text{ mg}^{\text{m}^{-2} \text{*}} a^{-1}$ (1986) und 69 ± 20 mg^{*}m^{-2*}a⁻¹ (1988) relativ gering (Tab. 2.6.2 und Tab. 2.6.3). Zum Vergleich, die Dipteren erreichten in beiden Jahren mehr als 500 mg^{*}m^{-2*}a⁻¹ (Hövemeyer 1996). Von anderen Taxa liegen leider keine Vergleichswerte vor.

Dabei machen die Parasitoide ektophytophager Lepidopteren den größten Teil der Gesamtbiomasse der Hautflügler aus (Tab. 2.4.2 und Tab. 2.4.3). Sie erreichten 1986 eine Biomasse von 138 \pm 24 mg^{*}m^{-2*}a⁻¹ und 1988 38 \pm 20 mg^{*}m^{-2*}a⁻¹. Die Biomassen der anderen Gilden lag in beiden Untersuchungsjahren deutlich unter 20 mg^{*}m^{-2*}a⁻¹.

Allerdings muss dabei wiederum betont werden, dass dies Biomassen der Parasitoide sind. Die Ameisen und auch die Bienen und Hummeln fehlen, da diese mittels Schlupffallen nicht quantitativ erfasst werden. Die Gesamtbiomasse aller Hautflügler dürfte deutlich höher sein. Geht man von mittleren Trockengewichten einer Honigbiene oder einer Hummel zwischen 10 und über 100 mg und einer mittleren Dichte von einem bis wenigen Tieren pro m² aus, so ist sofort ersichtlich, dass Bienen und Hummeln einen Großteil der Hautflüglerbiomasse stellten. Zusammen mit den Ameisen und vielleicht den gemeinen Wespen (Vespidae) könnten die Hymenopteren sogar die Dipteren an Biomasse übertreffen.

Wie schon gesagt liegen keine Vergleichsbiomassen von Hymenopteren aus anderen offenen Habitaten der gemäßigten Breiten vor. Im Göttinger Wald erreichten sie zwischen 19 und 170 mg m⁻²a⁻¹, im Mittel 68 mg m⁻²a⁻¹ (Ulrich 2001a). Dies sind Werte, die etwas unter denen der Wiese rangieren, allerdings lassen sich aus nur zwei Untersuchungsjahren keine langjährigen Mittelwerte ableiten, wie sie für den Buchenwald existieren.

Aus den wenigen publizierten Artenlisten anderer Habitate (Tab. 1.1) lassen sich Biomassen hochrechnen, wenn man ähnliche Schlupfdichten wie auf der untersuchten Wiese annimmt. Da in anderen Publikationen der Anteil an großen Ichneumoniden und Braconiden denen der vorliegenden Arbeit etwa entspricht (und diese sind im wesentlichen für die Biomasse der Parasitoide verantwortlich), scheint die Drakenbergbiomasse wohl innerhalb des Rahmens zu liegen, der auch in anderen offenen Habitaten gilt.

2.6.2 Das Rätsel der Einzeltiere

Schauen wir uns die Abb. 2.6.2.1 an. Sie zeigt die Zahl der Arten des Drakenberges pro binärer Abundanzklasse. Es wird sofort deutlich, dass die überwiegende Mehrzahl der Arten (178 Arten = 37,5% aller Arten) nur mit einem einzigen Tier vertreten war. Dagegen ist die Zahl der Arten, von denen ich 2, 3 bis 4, 5 bis 8, 9 bis 16 etc. Individuen fing, viel gleichmäßiger verteilt. Mit anderen Worten, es gibt eine deutliche Abstufung zwischen den Einzeltieren und dem Rest. Gleichzeitig ist die Verteilung in Abb. 2.6.2.1 nicht U-förmig. Dass heißt, es gibt keine ausgeprägte Unterteilung in Kern- und Satellitenarten (Hanski 1982, 1999), wie sie für viele andere Taxa und Gilden nachgewiesen wurde (Hanski 1999, Magurran und Henderson 2003, Ulrich und Ollik 2004). So sind etwa im benachbarten Göttinger Wald die Hautflügler sehr deutlich in Kern- und Satellitenarten unterteilt, und dies sowohl in räumlicher als auch in zeitlicher Hinsicht (Ulrich und Ollik 2004)

Damit stellt sich sofort die Frage nach den Gründen für diese hohe Zahl an seltenen Arten (Seltenheit hier definiert durch das Auftreten mit nur einem einzigen Individuum).

Als erstes ist zu prüfen, ob Abb. 2.6.2.1 nicht ein Artefakt ist, hervorgerufen durch den gegebenen Probenumfang. Um dies zu prüfen, habe ich aus der Gesamtzahl an Tieren 20 Zufallsstichproben unterschiedlicher Größe genommen und die Zahl und den Prozentsatz der Einzeltiere gegen den Probenumfang aufgetragen (Abb. 2.6.2.2). Man sieht, das der Prozentsatz an Einzeltieren ab einem Probenumfang von etwa 20% erstaunlich konstant bleibt. Dieser Befund entspricht etwa dem des



Abb. 2.6.2.1: Zahl der Arten des Drakenbergs pro log₂ Abundanzklasse (Gesamtzahl der gefangenen Tiere).



Abb. 2.6.2.2: Zahl der Einzeltiere in Abhängigkeit von Probenumfang. Es wurden 20 Zufallsproben vom Umfang 0.01% bis 90% der Gesamtzahl an Tieren aus dem Gesamtmaterial genommen.

benachbarten Waldes, wo der Anteil der Einzeltiere (26%) über eine logarithmische Funktion mit der Probengröße abnahm, jedoch keine Schätzung der Gesamtartenzahl zuließ (Ulrich 2001a, g). Die logarithmische Regressionsgleichung in Abb. 2.6.2.2 ist der des Waldes sehr ähnlich. Der Anteil der Einzeltiere erreicht die Nulllinie erst bei einem Probenumfang von 442413 Tieren. Bei einer mittleren Dichte von maximal 500 Ind. m⁻²a⁻¹ müsste man also fast 900 m² vollständig abfangen. Nimmt man statt dessen eine Potenzfunktion, die sich bei höheren Probengrößen trotz der geringeren Varianzaufklärung deutlich besser anpasst (y = 1,13 x^{-0,13}; R² = 0.95), so fällt der Prozentsatz an Einzeltieren innerhalb jeglicher rationaler Probengrößen nicht unter 10%. Damit erweist sich der Probengrößen bereinigte Anteil an Einzeltieren als noch größer



Abb. 2.6.2.3: Anteile an Einzeltieren der einzelnen Wirtsgilden der Parasitoide des Drakenbergs Abb. 2.6.2.4: Anzahl der Einzeltiere pro Gilde im Verhältnis zur Erwartung entsprechend der Regressionsgleichung von Abb. 2.6.2.2.



als im benachbarten Buchenwald.

Lassen sich seltene Arten ökologisch charakterisieren? Die Abb. 2.6.2.3 macht deutlich, dass der Anteil der Einzeltiere überraschend einheitlich auf die einzelnen Wirtsgilden der Parasitoidarten verteilt sind. Die Parasitoide der Xylophagen wurden dabei nur der Vollständigkeit aufgenommen. Sie waren nur mit einer Art auf der Wiese vertreten. Den geringsten Anteil an Einzeltieren hatten die Parasitoide von Prädatoren und Säftesaugern, den höchsten die der Minierer und Ektophytophagen. Eindeutige Schlüsse lassen sich jedoch aus der Abbildung nicht ziehen.

Allerdings muss bei der Abbildung bedacht werden, dass die einzelnen Gilden mit unterschiedlichen Dichten vertreten waren und wie die Abb. 2.6.2.2 gezeigt hat, hängt der Anteil an Einzeltieren vom Probenumfang ab. Anhand dieser Abbildung lässt sich der Anteil der Einzeltiere auf eine einheitliche Probengröße standardisieren. Dies zeigt die Abb. 2.6.2.4. Nun ergeben sich deutlichere Unterschiede. Parasitoide



Abb. 2.6.2.5: Anzahl der Einzeltiere pro Wirtsgilde



Abb. 2.6.2.6: Anteile der Einzeltiere (A), der häufigen Arten (B) und der mittelabundanten Arten (C) des Drakenberges pro Parasitoidfamilie in Abhängigkeit von der Zahl der Arten in Europa. Als häufig wurden alle Arten mit mehr als 20 Tieren angesehen.

von Ektophytophagen, Gallbildnern, Minierern, Xylophagen und mit unbekannter Gildezugehörigkeit haben einen Anteil an Einzeltieren entsprechend der



Abb. 2.6.2.7: Mittlere Schlupfdichte (Ind. m²a⁻¹) der Arten des Drakenberges pro Parasitoidfamilie in Abhängigkeit von der Zahl der Arten in Europa.

Erwartung aufgrund des Nullmodels. Die Parasitoide von Prädatoren, Parasitoiden, Mycetophagen, Saprophagen und Säftesaugern dagegen erreichen nur weniger als 60% der Erwartung. Sie haben also einen deutlich geringeren Anteil an Einzeltieren.

Die Abb. 2.6.2.2 zeigte auch, dass der Anteil der Einzeltiere mit der Probengröße abnehmen sollte. Bei den tatsächlichen Gilden war dies jedoch gerade umgekehrt (Abb. 2.6.2.5). Der Anteil der Einzeltiere stieg mit der Zahl der Tiere pro Gilde. Dies ist konträr zum Muster des Buchenwaldes, wo der Anteil der Einzeltiere entsprechend der Nullmodellerwartung abnahm (Ulrich 2001a).

Insgesamt lässt sich aus diesen Befunden auf signifikante Unterschiede in den Strukturen der Hautflüglerge-

53

meinschaften der Drakenbergwiese und des Kalkbuchenwaldes schließen. Die Wiese wird in deutlich stärkerem Maße durch seltene Arten dominiert und es tritt keine gesonderte Gruppe von Kernarten mit hohen Abundanzen auf.

In einer aktuellen Arbeit (Ulrich 2005e) konnte ich für die Hymenopteren des Göttinger Kalkbuchenwaldes nachweisen, dass die aktuellen Schlupfdichten der Arten auch von der regionalen Diversität ihrer Familie abhängen. So hatten artenreiche Familien lokal höhere Anteile an Einzeltieren und geringere Anteile an häufigen Arten als regional artenarme Familien. Gleichzeitig war die mittlere Schlupfdichte der Arten positiv mit der regionalen Artenzahl korreliert.

Die Abb. 2.6.2.6 und 2.6.2.7 zeigen, dass dies auf der Drakenbergwiese nur bedingt der Fall war. Zwar gab es auch dort leichte Korrelationen der Anteile der Einzeltiere (Abb. 2.6.2.6 A) und der mittleren Schlupfdichte (Abb. 2.6.2.7) mit der regionalen Artenzahl pro Familie, alle Korrelationen in den Abbildungen sind jedoch statistisch nicht signifikant (p > 0,1). Wiederum ist es der extrem hohe Anteil an Einzeltieren in den Proben, der zu anderen ökologischen Mustern führt als auf der Wiese.

Ein letztes ökologisch - phylogenetisches Muster der Hautflügler des Kalkbuchenwaldes war eine deutliche Beziehung zwischen phylogenetischer Position (Entfernung eines Taxon von der Basis des Stammbaumes gemessen in der Anzahl der Verzweigungen) und der mittleren Abundanz und dem Anteil an Einzeltieren (Ulrich 2001a und unveröff.). Die Abb. 2.6.2.8 zeigt wiederum, dass auf der Drakenbergwiese



Abb. 2.6.2.8: Mittlere Schlupfdichte (A), Anteil Einzeltiere (B) und Anteil häufiger Arten in Abhängigkeit von der phylogenetischen Position innerhalb des Stammbaumes von Abb. 1.2.2. Jeder Punkt entspricht einer auf der Wiese nachgewiesenen Familie. Alle Familien innerhalb einer Überfamilie haben dieselbe Position.

solche Beziehungen fehlen. Es gibt keine signifikanten Korrelationen zwischen den verwendeten Dichtemaßen und der Position im Stammbaum. Mit anderen Worten es fehlen deutliche Spuren der phylogenetischen Geschichte in der aktuellen Gemeinschaftsstruktur, wie sie für andere Taxa auf lokaler (Ulrich 2001a, 2005e) und regionaler (Russel et al. 1998, Purvis et al. 2000a, b, Schwartz und Simberloff 2001) Ebene nachgewiesen wurden. Dies mag durch den relativ hohen jährlichen Artenaustausch und einer wenig stabilen Gemeinschaftsstruktur auf der Wiese bedingt sein.

Allerdings bedarf diese Aussage sicher weiterer Untersuchungen. Sie hat nämlich erhebliche theoretische Bedeutung. Das neutral Model von Stephen Hubbell (1997, 2001, 2005, Hubbell und Lake 2003) sagt nämlich genau solche ökologisch - phylogenetischen Beziehungen voraus (Ulrich 2004c). Danach sollten phylogenetisch ältere Taxa lokal höhere Dichten und weniger Einzeltiere haben. Gleichzeitig sollten ihre Arten regional weiter verbreitet sein. Bisher stehen kritische Tests dieser Vorhersagen noch aus. Um sie mit den vorliegenden Hymenopterendaten testen zu können, wären phylogenetisch besser abgesicherte Beziehungen nötig. Allerdings ließen sie sich auch anhand von Zufallsstammbäumen testen. Falls die beobachteten Relationen zwischen Dichte und phylogenetischer Position von denen eines Zufallsstammbaumes abweichen, kann man vermuten, dass die Phylogenese eines Taxons tatsächlich Einfluss auf die aktuelle Dichteverteilung hat. Allerdings lässt sich mit dieser Methode nicht auf die genauen Muster schließen.

3. Zur Phänologie der Hautflügler des Drakenberges

3.1 Zur Klassifizierung der Phänologietypen

Hautflügler der gemäßigten Breiten haben in aller Regel eine, zwei, oder gar drei Generationen pro Jahr. Arten mit mehrjährigen Zyklen trifft man bei einigen Bienen und Ameisen, sowie ganz wenigen Parasitoidarten. Im letzten Fall sind dies meist Arten mit so genannten Überliegern. Bei diesen Arten schlüpfen nicht alle Tiere, die den Winter als Ei, Larve, oder Puppe verbracht haben im Laufe der darauf folgenden Vegetationsperiode, sondern verbleiben ein weiteres Jahr im Larvalstadium, um sich erst im zweiten Jahr weiter zu entwickeln. Dies könnte eine Strategie zur Reduktion der Mortalität durch zyklischen Feinddruck oder ungünstige Umweltbedingungen sein. Überlieger trifft man bei Hautflüglern vor allem bei Parasitoiden von Gallbildnern (Ulrich 1985). Sie sind als Larve oder Puppe innerhalb der Galle vor Fressfeinden und Winterungseinflüssen geschützt.

Auf der Drakenbergwiese konnte ich aufgrund der zwei nicht zusammenhängenden Untersuchungsjahre zwei-



Abb. 3.1.1: Artenzahlen der Parasitoide der Drakenbergwiese aufgeschlüsselt nach dem Modus der Hibernation und der Zahl der Generationen pro Jahr (uni- oder polyvoltin).



Abb. 3.1.2: Artenzahlen der Parasitoide der Drakenbergwiese aufgeschlüsselt nach der Wirtsgilde und der Zahl der Generationen pro Jahr (uni- oder polyvoltin). Parasitoide exponierter (Exp.) und verborgener (Verb.) Ektophytophage und von Phytophagen mit unbekannter (unb.) Exposition.

jährige Entwicklungszyklen nicht untersuchen. Die nachfolgenden Abbildungen enthalten daher nur eine Klassifikation in uni- und bi- oder polyvoltine Arten, sowie in Arten die als Ei, als Imago oder als Larve/Puppe überwintern.

Unter den häufigen Arten hatten die Eiparasitoide *Litus cynipseus* und *Polynema fumipenne*, der Parasitoid von Minierern *Hemiptarsenus fulvicollis*, die Parasitoide von saprophagen Dipteren Kleidotoma psiloides, Basalys parva und Blacus humilis und die Parasitoide von räuberischen Käferlarven Blacus ruficornis und Phaneroserphus calcar sowie der Spinnenparasitoid Polyaulon paradoxus zwei oder mehr Generationen pro Jahr (Anhang A). Univoltin waren Trichopria aequata (Puparienparasitoid von saprophagen Dipteren) und *Cyrtogaster vulgaris* (Parasitoid von minierenden Dipterenlarven).

Die mittleren jährlichen Dichten der Arten mit einer oder mehrerer Generationen waren natürlich nicht gleich. Univoltine Arten erreichten im Mittel etwas niedrigere Abundanzen als bi- oder polyvoltine Arten. Eine Kruskal-Wallis Rang-ANOVA ergab einen Wert von H = 4,24 (p < 0,04).

Die Abb. 3.1.1 zeigt zunächst einmal, dass leider von der überwiegenden Mehrzahl der Parasitoidarten (251 Arten = 55%), weder die Zahl der Generationen noch die Art der Hibernation ermittelt werden konnte. Dies liegt vor allem an der zu geringen Zahl an Individuen, die sich von den meisten Arten fingen und an den fehlenden Kenntnissen über die Wirte. Insgesamt fehlen von 306 Arten (= 67%) Kenntnisse über die Zahl der Generationen und von 334 Arten (= 73%) Kenntnisse über die Hibernation. Diese Mangel an genauen Daten erschwert natürlich jede eingehende Analyse. Wir sind bei Verallgemeinerungen darauf angewiesen anzunehmen, dass die vorhandenen Daten in etwa eine repräsentative Auswahl der gesamten Parasitoidfauna darstellen.

Unter dieser Annahme lässt sich erstens vermuten, dass es auf der Wiese deutlich mehr polyvoltine als univoltine Arten gibt. Das Verhältnis von polyzu univoltinen Arten ist fast 5:1 und damit deutlich von dem verschieden, das ich im benachbarten Kalkbuchenwald nachweisen konnte (Abb. 3.1.1). Dort betrug dasselbe Verhältnis nur 1,5:1



Univoltine / Polyvoltine Arten

Abb. 3.1.3: Univoltine / polyvoltine Parasitoidarten des Drakenbergwiese (weiße Balken) und des Göttinger Kalkbuchenwaldes (graue Balken) aufgeschlüsselt nach der Wirtsgilde (Ulrich 1999j).

Damit stellt sich die Frage, ob diese Unterschiede auf Unterschiede in der Arten- oder Gildenzusammensetzung zurückzuführen sind oder ob univoltine Arten des Waldes auf einer Wiese zumindest bivoltin sind.

Wie bereits gesagt kamen von den Arten, die ich bis zur Art determinieren konnte, 56 im Wald und auf der Wiese vor (Anhang C). Davon konnte ich von 37 in beiden Fällen die Zahl der Generationen bestimmen. Vier dieser Arten waren auf der Wiese bivoltin und im Wald univoltin. Es waren dies *Exallonyx* minor (Proctotrupidae, Parasitoid von Staphylinidenlarven), Pimpla melanacris (Ichneumonidae, Parasitoid von Schmetterlingspuppen), Chorebus nerissa (Braconidae, Parasitoid von minerenden Dipteren) und Polynema fumipenne (Mymaridae, Eiparasitoid). Wie man sieht, stammen alle vier Arten aus verschiedenen Parasitoidgilden. Der umgekehrte Fall, dass eine Art auf der Wiese unvoltin und im Wald bivoltin war. kam nicht vor.

Es scheint also einen Trend zu Bioder Polyvoltinismus in dem offenen Habitat zu geben. Allerdings reichen 4 von 37 Fällen natürlich nicht aus, um die Verschiebungen von 1,5:1 zu 5:1 zu erklären. Offensichtlich spielt auch eine andere Artenzusammensetzung eine Rolle. Vor allem der hohe Anteil von bioder polyvoltinen Parasitoiden von Minierern, Gallbildnern und Säftesaugern scheint hierbei eine Rolle zu spielen (Ulrich 1999a, b).

Dies leitet zur nächsten Frage über, wie die Zahl der Generationen auf die einzelnen Wirtsgilden verteilt ist (Abb. 3.1.2)? Bei allen Gilden gibt es mehr poly- als univoltine Arten. Besonders ausgeprägt ist dies bei den Parasitoiden von Mycetophagen, den Hyperparasitoiden und den Eiparasitoiden. Den höchsten Anteil an Arten mit nur einer Generation pro Jahr gibt es dagegen bei den Parasitoiden von Gallbildnern.

Wiederum kann man dieses Muster mit dem des Buchenwaldes vergleichen (Abb. 3.1.3). Es zeigt sich, dass Unterschiede zwischen beiden Habitaten in der Zahl der Generationen vor allem bei Parasitoiden von phytophagen Wirten ausgeprägt sind sowie bei den Parasitoiden von Minierern, Gallbildnern, Ektophytophagen und Säftesaugern. Parasitoide von Myceto- und Saprophagen, sowie Räubern und Eiern dagegen haben in beiden Habitaten etwa gleiche Anteile an uni- und polyvoltinen Arten. Dies sind interessanterweise zur Mehrzahl Arten, die ihre Wirte am



Abb. 3.1.4: Artenzahlen der Parasitoide der Drakenbergwiese aufgeschlüsselt nach der Wirtsgilde und der Zahl der Arten der Überwinterung. Parasitoide exponierter (Exp.) und verborgener (Verb.) Ektophytophage und von Phytophagen mit unbekannter (unb.) Exposition.

oder im Boden finden (Ulrich 1988, 2004a). Eine Erklärung für dieses Phänomen mag daher in Unterschieden in der Ausprägung der Krautschicht liegen. Die Krautschicht des Waldes besteht zu einem großen Teil aus Frühlingsblühern (Dierschke und Song 1982, Grochla 1984). Ab Juli ist die Krautschicht dagegen nur schwach ausgeprägt. Auf der Drakenbergwiese dagegen ist die Krautschicht trotz der Mahd bis September vorhanden (Nauenburg 1980). Damit gibt es auch eine Nahrungsgrundlage für phytophage Insekten und deren Parasitoide. Ein weiterer Punkt ist, dass im Wald ein Großteil der Prarasitoidarten mit der Kronenschicht der Bäume verbunden ist (Ulrich 1987b, 1999j, 2001a). Diese Arten - vor allem Parasitoide von Gallbildnern - sind zu einem erheblichen Teil univoltin (Ulrich 2001a). Neben der Frage, wie viele und welche Arten ein oder zwei Generationen pro Jahr hatten, ist interessant, wer als Imago und wer als Larve oder Puppe überwinterte. Unter der Annahme, dass die Arten mit bekannter Hibernationsweise nicht ein allzu schiefes Bild



Abb. 3.1.5: Imaginal / Larval-Pupalüberwinterer der Drakenbergwiese (weiße Balken) und des Göttinger Kalkbuchenwaldes (graue Balken) aufgeschlüsselt nach der Wirtsgilde der tatsächlichen Relationen liefern, ergibt sich aus Abb. 3.1.1 ein deutliches Übergewicht an Larvalüberwinterern. Bei 31 Arten konnte ich ein Überwintern als Imago wahrscheinlich machen und bei 90 Arten ein Überwintern als Larve oder Puppe (Verhältnis Imago / Larve -Puppe: 1:3).

Unter den häufigen Arten überwinterten als Larve *Polynema fumipenne* und *Hemiptarsenus fulvicollis*. Imaginalüberwinterer waren *Trichopria aequata*, *Cyrtogaster vulgaris*, *Litus cynipseus*, *Blacus ruficornis*, *Kleidotoma psiloides* und *Phaneroserphus calcar*.

Diese Ungleichgewicht in der Aufzählung deutet schon auf ein erstaunliches Phänomen hin. Imaginalüberwinterer erreichten im Mittel höhere Schlupfdichten als Larvalüberwinterer. Eine Kruskal-Wallis Rang-ANOVA ergab einen Wert von H = 7,94 (p < 0,005). Der Grund für dieses Ungleichgewicht ist sicher darin zu suchen, dass Imaginalüberwinterer in der Mehrzahl bi- oder polyvoltin waren. Diese Arten erreichten, wie schon gesagt, im Mittel höhere Dichten als univoltine Arten.

Schlüsselt man die Art der Hibernation nach der Wirtsgilde auf (Abb. 3.1.4), so zeigt sich, dass unter den Arten, die als Imago überwintern, Parasitoide von Räubern und Eiparasitoide dominierten. Sie machten 2/3 aller Imaginalüberwinterer aus. Unter den Parasitoien von Gallbildnern und Minierern dagegen fanden sich nur sehr wenige Arten, die den Winter als Imago verbrachten. Der Grund ist sicher darin zu suchen, dass diese Arten in der Wirtsgalle oder Wirtsmine bereits ausreichend geschützt sind und daher aktiv keine Überwinterungsorte aufsuchen müssen.

Wiederum ist ein Vergleich mit dem Buchenwald interessant (Abb. 3.1.5). Es ergibt sich ein uneinheitlicheres Bild als bei der Zahl der Generationen. Parasitoide von Räubern und Eiparasitoide sind auf der Wiese eher Imaginalüberwinterer, während Arten, die Mycetophage und Ektophytophage befallen, dort häufiger als Larve überwintern.

Ein letzter Punkt betrifft eine Aufschlüsselung der Art der Hibernation anhand des Stratums des Wirtsangriffs. Es zeigt sich, dass bei den Arten, die mit dem Boden assoziiert sind, Imaginalüberwinterer dominierten. Dies waren vor allem Parasitoide der Proctotrupidengattung *Exallonyx* sowie die meisten Eiparasitoide. Krautschichtbewohner dagegen überwinterten zum größten Teil als Larve oder Puppe.



Abb. 3.1.6: Artenzahlen der Parasitoidarten der Drakenbergwiese aufgeschlüsselt nach dem Modus der Hibernation und dem Stratum des Wirtsangriffs.

3.2 Das jahreszeitliche Erscheinen der Arten

Die Arten einzelner Parasitoidgilden ähneln sich nicht nur in ihren Wirtskreisen. Sie haben oft auch ähnliche oder gar identische zeitliche Erscheinungsmuster (Ulrich 2001a). Auch die Mitglieder der Parasitoidgilden des Drakenberges zeichnen sich durch ein spezifisches Phänologiemuster aus (Abb. 3.2.1).

Die Parasitoide von saprophagen bodenlebenden Wirten waren durch drei klare Schlupfhöhepunkte gekennzeichnet. Diese lagen Ende Mai / Anfang Juni, im Juli und im September. Dem entsprach also eine Generationszeit von etwa 6 bis 8 Wochen. Die ausgeprägte



Abb. 3.2.1: Kombinierte Phänologien der Parasitoidarten der einzelnen Parasitoidgilden des Drakenberges zeigen gildencharakteristische Schlupfmuster. Weiße Bänder: Männchen, dunkle Bänder: Weibchen. Um jeder Art das gleiche Gewicht zu geben, wurden die einzelnen Schlupfdichten (1. oder 2. Hälfte eines Monats) jeweils durch die Gesamtdichte einer Art geteilt und aufaddiert.



Abb. 3.2.1: Fortsetzung.

Fangperiode der Weibchen im Herbst wurde durch die Weibchen einiger Arten hervorgerufen, die Überwinterungsorte suchten. Es waren dies vor allem Weibchen der Eucoilide *Kleidotoma psiloides* und der Diapriide *Basalys abrupta*. In den anderen Fällen gab es eine weitere Generation im Herbst. Die Diapriiden *Basalys parva* und *Lagynodes pallidus* hatten wenigstens eine Generation im Herbst. Univoltin waren dagegen die Diapriiden *Trichopria verticilleata* und *T*. aequata sowie auch die Braconide Alloea ?contracta. Sie brachten Generationen im Juli / August hervor. Im benachbarten Buchenwald konnte ich ganz ähnliche Jahresgänge feststellen (Ulrich 2001a)

Die Parasitoide von Mycetophagen glichen auf der Wiese ebenfalls denen im Wald. In beiden Fällen brachten fast alle Arten zwei oder gar drei Generationen pro Jahr hervor, obwohl dies aufgrund der wohl recht kurzen Larvalentwicklungszeit aus Abb. 3.2.1 nicht ersichtlich ist. Bivoltin waren auf der Wiese die Diapiiden *Belyta depressa* und *Synacra brachialis*.

Die meisten Parasitoide von Minierern hatten auf der Wiese je eine Generation im Mai / Juni und im August / September. Unter den häufigen Arten waren dies die Pteromaliden *Callitula pyrrhogaster*, *Trichomalopsis hemipterus* und *Meraporus graminicola* sowie die Eulophide *Hemiptarsenus* fulvicollis. Univoltin waren die Baconide *Chasmodon apterus* und die Pteromalide *Cyrtogaster vulgaris*.

Parasitoide von Gallbildnern waren sowohl univoltin als auch polyvoltin. Sie erschienen von Mai bis September mit einem deutlichen Schlupfmaximum im Juli. Univoltin war die Platygastride *Trichacis pisis*, bivoltin die Platygastride Leptacis tipulae. Damit weicht das Bild bei den Parasitoiden der Gallbildner deutlich von dem des Göttinger Buchenwaldes ab, wo die ganz überwiegende Mehrzahl der Arten nur eine Generation pro Jahr hatte.

Eiparasitoide und Parasitoide räuberischer Arthropoden hatten drei Schlupfmaxima im Mai/Juni, Juli und September. Im April wurden überwinternde Weibchen gefangen. Unter den Parasitoiden räuberischer Staphylinidenlarven waren die Proctotrupiden Exallonyx confusus, E. microcerus, E. subserratus und E. quadriceps bivoltin und Exallonyx brevicornis, E. minor, E. longicornis, E. nixoni, E. ligatus und E. trichomus univoltin. Eine solche Verteilung lässt auf eine gewisse ökologische Separation der Arten durch unterschiedliche Phänologien schließen, wie ich sie auch bei den besser studierten Exallonyx Arten des Buchenwaldes nachweisen konnte (Ulrich 1988).

Die Parasitoide ektophytophager Wirte zeigten ein sehr uneinheitliches Bild, was sicherlich dadurch bedingt ist, dass diese Gilde am wenigsten scharf umrissen ist. Jedoch deuten die vier Schlupfhöhepunkte darauf hin, dass es sich hierbei um eine relativ heterogene Gilde handelt.

Die Parasitoide von Säftesaugern

waren durchweg bivoltin und schlüpften entweder im Juni oder im August. Unter den häufigen Arten hatten die Braconide *Aphidius ?uzbekistanicus* und die Dryinide *Chelogynus ephippiger* zwei und die Braconide *Praon cf. volucre* und die Dryinide *Aphelopus serratus* eine Generation pro Jahr.

Hyperparasitoide waren ausschließlich bivoltin mit Generationen von Mai bis Ende September.

Nur sehr wenige Arten fingen sich außerhalb der Hauptschlupfperioden von Mai bis September und erschienen sehr früh oder sehr spät im Jahr. Von den determinierten Arten fanden sich mehrere Weibchen, die Winterguartiere suchten, im Dezember in den Fallen. Es waren dies Weibchen der Arten Aclastus gracilis, Phygadeuon trichops (Ichneumonidae), Basalys abrupta (Diapriidae), Blacus ruficornis (Braconidae), Callitula pyrrhogaster (Pteromalidae), Exallonyx brevicornis, E. confusus, , E. minor, E. quadriceps, Phaneroserphus calcar (Proctotrupidae) sowie Ooctonus hemipterus und O. vulgatus (Mymaridae). Callitula pyrrhogaster, ein Parasitoid minierender Dipterenlarven, scheint darüber hinaus eine Generation im Oktober hervorzubringen, worauf der Fang von 23 Männchen im Oktober und November hindeutet. Auch einige Parasitoide aus der Diapriidengattung Basalys (B nr. cymocles und B. depressa) sowie die Braconide Hormius similis und die Ichneumonide Theroscopus hemipterus schlüpften im Oktober.

Den Blattlausparasitoiden *Aphidius ?uzbekistanicus* konnte ich bereits Anfang April nachweisen. Ende April fingen sich Weibchen von *Blacus ruficornis* (Braconidae), *Exallonyx longicornis* (Proctotrupidae), *Litus cynipseus* (Mymaridae), *Pantoclis leviventris* und *Trichopria aequata* (Diapriidae) und *Phygadeuon trichops* (Ichneumonidae). Es dürfte sich in allen Fällen um Weibchen handeln, die ihre Überwinterungsorte verlassen hatten. Dagegen konnte ich im April von keiner Art Männchen nachweisen.

4. Morphologie und Ökologie

4.1 Zur Flugfähigkeit

Die Hymenopteren sind einer der Arthropodenordnungen, in denen ein nicht unerheblicher Teil der Arten kurzflügelig (brachypter) oder gar flügellos (apter) ist. Unter den ca. 17000 beschriebenen europäischen Hautflüglerarten gibt es etwa 400 bis 600 brachyptere und etwa 150 aptere Arten (Ulrich 1999g, 2001a).

Eine erste Frage, die es zu beant-

worten gilt, ist, wie man Kurzflügeligkeit definiert. In einer früheren Arbeit (Ulrich 1999f) habe ich gezeigt, dass die Flügelfläche der vollflügeligen Hymenopteren allometrisch mit dem Thoraxvolumen korreliert. Da eine Fläche A nach klassischer Geometrie dem Quadrat der zugeordneten Basislänge L proportional ist und ein Volumen V der dritten Potenz dieser Länge, erwartet man eine



Abb. 4.1.1: Flügelfläche der Hautflügler des Drakenbergs in Abhängigkeit vom Thoraxvolumen. ●: vollflügelige Arten, ▲: flügellose Arten, ○: kurzflügelige Arten. Die Pfeile weisen auf drei Typen der Kurzflügelligkeit hin, wie ich sie im Göttinger Buchenwald nachweisen konnte (Ulrich 1999f).

Korrelation zwischen A und V entsprechend

 $A \propto V^{\frac{2}{3}}$

Die Abb. 4.1.1 zeigt, dass diese Erwartung bei den Hymenopteren exakt erfüllt ist (Ulrich 1999f). Damit ergibt sich die Möglichkeit, Kurzflügeligkeit über Abweichungen von dieser Regressionsgeraden zu definieren. Ich habe Arten, die unterhalb der Regressionslinie y = $x^{0.68}$, also unterhalb der obigen Regressionslinie durch den Ursprung (1,1), als brachypter definiert.

Für den benachbarten Buchenwald konnte ich durch diese Methode drei deutlich getrennte Typen von kurzflügeligen Arten nachweisen. Darüber hinaus entsprachen auch die Kör-

Tab. 4.1.1: Artenzahlen der brachypteren (Typen A, B, C, in Abb. 4.1.1) und apteren Arten in Abhängigkeit von der Wirtsgilde und vom Stratum des Wirtsattacks.

Тур	Familie	Parasitoide von	Artenzahl	% der Ge- samt- fauna	Тур	Stratum	Artenzahl	% der Ge- samtf auna
Brachypter					Brachypter	•		
Тур А	Mymaridae	Eiern	5	1,7%	Туре А	Kraut-	5	1,7%
	Scelionidae	Eiern	1	0,3%		Boden	3	1,0%
	Diapriidae	Saprophagen	2	0,7%		Unbe-	3	1,0%
	Aphelinidae Eupelmidae	Säftesaugern Hyperparasitoide	1 • 1	0,3% 0,3%				
	Ceraphroni-	Unbekannt	1	0,3%				
Тур В	Scelionidae	Eiern	1	0,3%	Туре В	Kraut-	4	1,4%
	Charipidae	Hyperparasitoide	: 1	0,3%		Boden	1	0,3%
	Eulophidae	Minierern	1	0,3%		Unbe-	8	2,8%
	Pteromalidae Diapriidae Megaspilidae	e Minierern Mycetophagen e Unbekannt	2 1 2	0,7% 0,3% 0,7%				
	Ceraphroni-	Unbekannt	5	1,7%				
Тур С	Encyrtidae	Säftesaugern	1	0,3%	Туре С	Kraut-	1	0,3%
	Diapriidae	Saprophagen	2	0,7%		Boden	2	0,7%
Apter	Scelionidae	Eiern	1	0,3%	Apter	Kraut-	2	0,7%
	Mymaridae	Eiern	2	0,7%		Boden	2	0,7%
	Braconidae	Minierern	1	0,3%		Unbe-	6	2,1%
	Ichneumoni-	Räubern	1	0,3%				
	Ichneumoni-	Unbekannt	3	1,0%				
	Megaspilidae	Unbekannt	2	0,7%				
Gilde	Ν	Н	Mittle- rer FI	Standard fehler				
-----------------------	--------	--------------	-------------------	--------------------				
Eiparasitoide	32	1745,00	1,228	0,064				
Gallbildner	29	3203,00	1,591	0,067				
Hyperparasi- toide	15	1596,00	1,480	0,094				
Minierer	34	4098,00	1,577	0,062				
Mycetophage	18	1950,00	1,538	0,086				
Prädatoren	22	2619,00	1,615	0,077				
Säftesauger	20	1863,00	1,472	0,081				
Saprophage	24	3521,00	1,719	0,074				
Ektophy-	15	1350,00	1,514	0,094				
Taxon								
Coleoptera	25	2057,00	1,451	0,067				
Diptera	94	10229,0 0	1,637	0,035				
Lepidoptera	18	1426,00	1,513	0,083				
Cicadina	15	883,00	1,310	0,093				
Apocrita	16	1449,00	1,483	0,090				
Aphidina	10	1092,00	1,659	0,114				
Coccina	5	302,00	1,365	0,161				
Stratum								
Boden	62	6828,00	1,605	0,047				
Krautschicht	129	11508,0	1,513	0,032				
Zahl der Gene	eratio	nen						
1	20	1191,0	1,648	0,096				
2	74	3274,00	1,385	0,046				
Hibernation								
Imago	25	1202,00	1,555	0,068				
Larve	67	3076,00	1,594	0,043				
Parasitoidtyp								
Koinobiont	114	12045,0	1,624	0,030				
Idiobiont	75	5910,00	1,447	0,035				

pergrößen der apteren Arten diesen Typen. Die Abb. 4.1.1 jedoch zeigt, dass diese Typen auf der Wiese wesentlich schlechter definiert sind. Dies liegt auch an der vergleichsweise hohen Zahl an brachypteren und apteren Arten (Ulrich 1999f, 20001a).

Unter den determinierten Arten waren Polyaulon paradoxus, Chasmodon apterus und Lagynodes pallidus apter. An brachypteren Arten kamen Callitula pyrrhogaster, Basalys parva, Hemiptarsenus fulvicollis, Litus cynipseus, Macroneura vesicularis und Meraporus graminicola vor.

Auf der anderen Seite zeigt die Abbildung 4.1.1 ein anderes interessantes Phänomen. Es gibt keine Arten mit zu großen Flügeln. Dies ist sicherlich auf eine Art Optimierung zurückzuführen. Flügel, die größer sind, als zu einem optimalen Flug notwendig, wären energetisch ungünstig und sollten daher einem gewissen Selektionsdruck ausgesetzt sein.

Tab. 4.1.2: Kruskal-Wallis ANOVA des
Flügelindexes und mittlere Indexwerte
und deren Standardfehler der vollflügeligen Parasitoidarten in Abhängigkeit vom Wirtstaxon, von der Wirtsgilde,
vom Stratum des Wirtsattacks, von der Zahl der Generationen und der Art der
Hibernation und vom Parasitoidtyp.
Exakte Signifikanzwerte im Text. Verglichen wurden nur Gilden mit N > 5.

Tab. 4.1.3: Artenzahlen, Prozentsätze an der Gesamtfauna und Flügelindex FI der Hautflügler aufgeschlüsselt nach der Entwicklung der Flügel

Flugfähigkeit	Zahl der Arten	% der Gesamt- fauna	FI
Normal			
Boden	57	19,7%	1,69
Krautschicht	122	42,1%	1,59
Тур А	11	3,8%	0,70
Тур В	13	4,5%	0,39
Тур С	3	1,0%	0,52
Apter	10	3,4%	
Alle brachypteren oder apteren Arten	37	12,8%	

Eine Unterteilung der brachypteren und apteren Arten anhand der Wirtsgilde und des Stratums (Tab. 4.1.1) ergab eine relativ gleichmäßige Verteilung der Flügelreduktion unter den Wirtsgilden. Nur die Eiparasitoide scheinen einen leicht höheren Anteil an diesen Arten zu haben. Auch die Stratenverteilung der brachypteren und apteren Arten unterscheidet sich nicht signifikant von dem, was anhand einer Zufallsauswahl zu erwarten wäre (p(t) >



0,1).

Es gibt allerdings einen anderen Weg, Gildenunterschiede in der Flugfähigkeit abzuschätzen. Nimmt man die Regressionslinie in Abb. 4.1.1 als Standard, so hätte ein körpergrößenkorrigierter Flügel eine Fläche von

$$F_{corr} = \frac{F_{uncorr}}{2.5V^{0.68}}$$

Da Fläche ein Quadrat der Länge ist und Volumen proportional zur dritten Potenz, lässt sich daraus sofort ein Index zur Flügelentwicklung (FI) herleiten (Ulrich 1999f).

$$FI = \frac{F^{1/2}}{V^{1/3}}$$

Eine Analyse des Flügelindexes entspricht dann einer Analyse der Residuen von Abb. 4.1.1 auf einer logarithmischen Skala. Arten mit einem Flügelindex unter 1 sind dann brachy- oder apter. Diese waren in beiden Untersuchungsjahren 12,8% aller Arten (Tab.

Abb. 4.1.2: Abundanz (In transformierte Individuenzahlen) in Abhängigkeit vom Flügelindex. Eine arithmetische Funktion zweiter Ordnung war für den quadratischen Term nicht signifikant.

4.1.3). Wenden wir FI auf die einzelnen Parasitoidgilden mit mehr als 5 Arten an, ergeben sich über eine Kruskal-Wallis Rang ANOVA hochsignifikante (p < 0,001) Unterschiede zwischen den Gilden (Tab. 4.1.2). Eiparasitoide haben signifikant kleinere Flügel als andere Gilden. Im Mittel besaßen dagegen die Parasitoide räuberischer und saprophager Arthropodenlarven und -puppen die größten Flügel.

Signifikante Unterschiede im FI gab es auch bezüglich des Wirtstaxons. Parasitoide von Dipteren und Blattläusen hatten im Mittel signifikant größere Flügel als Parasitoide von Zikaden und Käfern.

Keine signifikanten Unterschiede bestanden hinsichtlich des Stratums und der Art der Hibernation. Dagegen hatten Parasitoidarten mit zwei oder mehreren Generationen pro Jahr sowie Idiobionten hochsignifikant kleinere Fügel als univoltine und koinobiontische Arten.

In einem weiteren Analyseschritt habe ich ein allgemeines lineares Model benutzt (eine Erweiterung der klassischen ANOVA, Statsoft 2005), um die Interaktionen der einzelnen Prädikatoren in Bezug auf den Flügelindex aufzudecken (Tab. 4.1.4). Danach sind nur Wirtsgilde und Parasitoidtyp signifikant.

Welchen Einfluss hat die Flügelgröße auf ökologische Variablen? Die Abb. 4.1.2 zeigt zunächst einmal, dass FI und Schlupfdichte nicht miteinander korreliert waren. Arten mit kleinen Flügeln hatten ähnliche Dichten wie Arten mit großen. Allerdings schlüpften die Arten mit unterschiedlicher Entwicklung der Flügel unterschiedlich (Tab. 4.1.5). Flügellose und brachyptere Arten hatten Mittel deutlich höhere Dichten als im vollflügelige Arten (Ulrich 1999f). Eine makroptere Art schlüpfte durchschnittlich mit 3,1 Tieren pro m², während kurzflügelige und flügellose Arten es auf mehr als das Doppelte brachten. Dies erstaunt, weil die eingesetzten Schlupffallen potenziell geringere Fangeffizienzen bei brachypteren und apteren Arten haben sollten. Entweder sind sie jedoch auch für brachyptere und aptere Arten quantitativ oder die Dichten dieser Arten sind noch höher als die hier ermittelten. Damit würden die Abundanzunterschiede zwischen makropteren und brachyund apteren Arten ebenfalls noch aus-

Tab. 4.1.4: Allgemeines lineares Modell Statistica 7.1) zur Analyse, welche Gilden den Flügelindex beeinflussen.

Parasitoidgilde	CHI ²	р
Wirtsgilde	4,034	0,045
Zahl der Generationen	2,054	0,152
Parasitoidtyp	7,739	0,005



Abb. 4.1.3: Geschlechterverhältnis aller Arten mit mehr als 20 Tieren in Abhängigkeit vom Flügelindex. Die mit offenen Quadraten gekennzeichneten Arten sind nicht in der Regression enthalten.

geprägter sein.

Damit kommen wir zu einem interessanten Muster, das auch bei anderen Arthropoden nachgewiesen wurde. Arten, mit einem reduzierten Migrationspotential, und das sind brachyptere und aptere Arten, erreichen oft lokal hö-

Tab. 4.1.5: Schlupfdichten (Ind. m⁻²a⁻¹) und mittlere Schlupfdichten pro Art der Parasitoide des Drakenberg.

Flugfähigkeit	Schlupf- dichte	% der - gesam- ten Dich- te	Mittlere Schlupf- dichte pro Art
Тур А	81	11,1%	6,2
ohne <i>Litus</i> cynipseus	73	10,0%	6,1
Тур В	45	6,2%	15,0
Тур С	1	0,1%	0,1
Apter	38	5,2%	1,0
Vollflügelig	563	77,3%	3,1

here Dichten und sind regional weiter verbreitet als Arten mit höherem Migrationspotential (also wohl die Mehrzahl der geflügelten Arten). Ein solches Muster wurde bei Lepidoperen (Hanski et al. 1993, Cowley et al. 2001) und Carabiden (Gutiérrez und Menéndez 1997, Gutiérrez et al. 2004, Ulrich und Zalewski unpubl.) nachgewiesen. Hinsichtlich der regionalen Verbreitung der brachypteren und apteren Arten lassen die vorliegenden Daten natürlich keine Rückschlüsse zu.

Einen Hinweis mag aber wiederum der Anteil gemeinsamer Arten von Drakenberg und Göttinger Wald geben. Von den 56 gemeinsamen Arten waren 4 brachypter oder apter (Litus cynipseus, Polyaulon paradoxus, Lagynodes pallidus und Basalys parva). Das sind 7% der gemeinsamen Arten und damit sogar weniger als der Anteil an brachypteren und apteren Arten in beiden Habitaten (12,8% auf der Wiese - und 5,9% im Wald). Diese Daten geben keinen Hinweis auf ein weiteres regionales Vorkommen der Arten mit geringerer Migrationsfähigkeit. Allerdings ist die obige Abschätzung natürlich kein echter Test und die Zahl der verglichenen Habitate ist viel zu gering, um fundierte Hypothesen zu entwickeln. Allerdings liegen, wie schon gesagt, aus anderen Habitaten keine vergleichbaren Daten vor.

Zum Abschluss dieses Kapitels sei noch ein Blick auf die Geschlechterverhältnisse geworfen, die bei Hymenopteren aufgrund der meist arrhenotoken (haplo-diploiden) Fortpflanzung starke Beachtung fanden (Hamilton 1967, Charnov 1982, King 1987).

Die Abb. 4.1.4 zeigt eine deutliche Tendenz zur Vergrößerung des Anteils der Männchen bei Arten mit größeren Flügeln. Aufgetragen ist das Geschlechterverhältnis (M / (M + W) aller Arten mit mehr als 20 Tieren auf der Wiese in Abhängigkeit vom Flügelindex. Es ergibt sich eine hochsignifikante positive Regression ($R^2 = 0,3$; p < 0,001), falls zwei stark abweichende Arten (*Hemipterus fulvicollis* und *Callitula pyrrhogaster*) aus der Regression eliminiert werden. Geschlechterverhältnisse und der Flügelindex mögen durch die Biomasse der Arten beeinflusst sein. Deshalb habe ich zusätzliche eine multiple Regression mit dem Geschlechterverhältnis als abhängiger und dem log-transformierten Körpergewicht und dem Flügelindex als Prädikatoren durchgeführt. Das Geschlechterverhältnis erwies sich als nur mit dem Flügelindex signifikant korreliert (beta = 0,59; p(t) = 0,0001).

Es scheint also, dass der Anteil der Männchen linear mit der Migrationsfähigkeit ansteigt. Dies entspricht Hamilton's (1967) klassischer Theorie der ,local mate competition', wonach Weibchen den Anteil der Männchen so regulieren sollten, dass ein optimaler reproduktiver Erfolg gewährleistet ist. Bei Arten mit verminderter Dispersionsfähigkeit sollte demnach eine begrenzte Anzahl an Männchen ausreichen, um die Weibchen eines lokalen Schlupfes zu befruchten. Bei höherer Migrationsfähigkeit dagegen lohnt es sich, in mehr Männchen zu investieren, die auch Weibchen aus anderen Arealen be-

4.2 Kompakter oder graziler Körperbau?

Die Ausprägung der Flügel und das Körpergewicht sind zwei Aspekte der Morphologie einer Art, die Einfluss auf ökologische Muster haben können Peters 1983, Brown 1995, Ulrich 1999f, 2001a). Aber auch die Gesamtgestalt des Körpers mag von Bedeutung sein (Ulrich 1999f).

Bei den Hymenopteren gibt es sehr verschiedene Körperformen, vor allem unter den Parasitoiden. Diese Unterschiede sind sicherlich als Anpassungen an ihre Wirte und an Habitatbedingungen zu verstehen. So gibt es etwa bei den Encyrtiden, dies sind vor allem Parasitoide von Schildläusen, sehr kompakte Arten mit ganz kurzen Bei-



Abb. 4.2.1: Hinterbeinlänge der Parasitoidarten des Drakenbergs in Abhängigkeit vom Thoraxvolumen.

nen, gedrungenen Körpern und vergleichsweise kurzen Antennen. Auf der anderen Seite existieren unter vielen nachtaktiven großen Ichneumoniden und Braconiden extrem lang gestreckte, grazile Arten mit sehr langen Beinen und Antennen. Leider gibt es nur sehr wenige Arbeiten, die sich mit den ökologischen Implikationen solcher Unterschiede im Aussehen beschäftigen (Ulrich 1999f). Deshalb will ich im Folgenden etwas eingehender die Körperform im Verhältnis zur Ökologie diskutieren, und zwar dies wiederum bei den Parasitoiden, da sie zum einen die Masse der Arten des Drakenberges stellen und zum anderen hinsichtlich der Gestalt am formenreichsten sind.

In einem ersten Schritt gilt es, ein Maß für die Gestalt zu finden. Kompaktheit oder Grazilität äußert sich vor allem in der Länge der Beine und des Körpers. Beide sind natürlich hochgradig miteinander korreliert (Abb. 4.2.1), wobei der Exponent der allometrischen Beziehung in Abb. 4.2.1 nicht signifikant vom theoretischen Wert von 0,33 verschieden ist. Ich habe deshalb die Länge des Hinterbeins als ein Maß für die Grazilität einer Art genommen. Nun



Abb. 4.2.2: Kompaktheit in Abhängigkeit vom Thoraxvolumen der Parasitoidarten.

muss ein solches Maß noch standardisiert werden. Dies geschieht entsprechend der Abb. 4.2.1 wie beim Flügelindex wiederum am einfachsten, indem man auf dieselbe Einheit reduziert und das Körpergewichts einschließt. Damit ergibt sich als Maß der Grazilität (oder Kompaktheit):

$$GI = \frac{L_{HB}}{V^{1/3}}$$

wobei L_{HB} die Länge des Hinterbeins ist und V das Thoraxolumen (Ulrich 1999f). Das bedeutet, je höher GI ist, desto graziler ist eine Art.

Ein so definiertes Grazilitätsmaß ist allerdings immer noch vom Thoraxvolumen und damit von der Körpergröße abhängig (Abb. 4.2.2). Dies scheint ein realer Effekt zu sein. Größere Arten scheinen relativ längere Körperanhänge zu haben als kleinere Arten.

Die Tab. 4.2.1 zeigt die mittleren

Tab. 4.2.1: Mittlere Grazilitätsindizes und deren Standardfehler in Abhängigkeit vom Wirtstaxon, von der Wirtsgilde, vom Stratum des Wirtsangriffs, von der Zahl der Generationen und der Art der Hibernation und vom Parasitoidtyp.

Gilde	N	Mittel- wert	Standard- fehler
Eiparasitoide	14	2,99	0,08
Gallbildner	29	2,65	0,09
Hyperparasito- ide	15	3,16	0,13
Minierer	19	2,93	0,09
Mycetophage	24	2,97	0,12
Prädatoren	18	3,41	0,11
Säftesauger	21	2,78	0,12
Saprophage	34	3,08	0,10
Ektophytopha-	35	3,56	0,13
Taxon			
Coleoptera	26	3,18	0,10
Diptera	107	2,95	0,05
Lepidoptera	19	3,28	0,12
Cicadina	14	2,95	0,13
Apocrita	16	3,12	0,16
Aphidina	10	2,83	0,16
Coccina	5	2,42	0,25
Stratum			
Boden	63	3,14	0,07
Krautschicht	131	2,91	0,05
Zahl der Genera	ationen		
1	20	3,18	0,11
2	74	2,90	0,05
Hibernation			
Imago	26	3,30	0,09
Larve	67	2,89	0,06
Parasitoidtyp			
Koinobiont	128	3,03	0,05
Idiobiont	91	3,05	0,05

GI Werte der einzelnen Parasitoidgilden der Drakenbergwiese. Entsprechend der Abb. 4.2.2 ergibt sich, dass die meist größeren Parasitoide von Ektophytophagen und Räubern meist graziler sind als die kleineren Parasitoide von Gallbildnern und die Eiparasitoide. Diese Größenabhängigkeit zeigt sich auch hinsichtlich des Parasitoidtaxons.

Tab. 4.2.2: Kovarianzanalyse der Grazilität in Abhängigkeit vom Wirtstaxon, von der Wirtsgilde, vom Stratum des Wirtsattacks, von der Zahl der Generationen, der Art der Hibernation und vom Parasitoidtyp. In-transformierte Thoraxvolumina dienten als Kovariate W.

Modell	SS	df	MS	F	р
Konstante	672,3	1	672,3	2801,6	0,000
log W Gilde Fehler	1,3 13,8 47,8	1 8 199	1,3 1,7 0,2	5,6 7,2	0,019 0,000
Konstante	346,9	1	346,9	1366,7	0,000
log W Taxon Fehler	0,6 4,4 47,7	1 6 188	0,6 0,7 0,3	2,2 2,9	0,142 0,010
Konstante	721,6	1	721,6	2696,1	0,000
log W Stratum Fehler	1,6 2,6 51,1	1 1 191	1,6 2,6 0,3	5,9 9,9	0,016 0,002
Konstante	275,8	1	275,8	1128,0	0,000
log W	1,2	1	1,2	5,0	0,027
Generationen	0,5	1	0,5	1,9	0,175
Fehler	26,7	109	0,2		
Konstante	467,7	1	467,7	2129,6	0,000
log W	0,8	1	0,8	3,5	0,066
Hibernation	3,9	1	3,9	17,8	0,000
Fehler	19,8	90	0,2		
Konstante	445,3	1	445,3	1518,4	0,000
log W Typ	0,1 1,0	1 1	0,1 0,1	0,1 0,1	0,927 0,745
Fehler	65,4	223	0,3		

Parasitoide kleinerer Aphidina und Coccina erwiesen sich als kompakter (das heißt streng genommen, sie hatten relativ kürzerer Hinterbeine) als die Parasitoide der meist größeren Coleoptera und Lepidoptera.

Arten, die als Imago überwinterten, zeigten sich ebenfalls als im Mittel graziler als solche, die den Winter als Larve oder Puppe verbrachten. Auch hier scheint der Größeneffekt wieder eine Rolle zu spielen (siehe Kap. 7).

Um den Größeneffekt zu eliminieren, habe ich eine Kovarianzanalyse (allgemeines lineares Modell, Statsoft 2005) durchgeführt mit dem logtransformierten Thoraxvolumen als Kovariat (Tab. 4.2.2). Dieses Kovariat erwies sich bei der Wirtsgilde, dem Stratum und der Zahl der Generationen als signifikant. Nichtsdestoweniger verblieben hochsignifikante Unterschiede in Bezug auf GI. Die Parasitoide von Gallbildnern und Säftesaugern sowie die Eiparastoide erwiesen sich als hochsignifikant kompakter als die übrigen Gilden.

Auch die Parasitoide mit Wirten in der Krautschicht sowie die Arten, die als Imago überwinterten, hatten relativ kürzere Hinterbeine.

Diese Ergebnisse zeigen, dass es nicht allein die Körpergröße ist, die die

gesamte Körpergestalt über bekannte allometrische Wachstumsgesetze (Calder 1984, Schmidt-Nielsen 1984) bestimmt. Die vorliegenden Ergebnisse lassen vermuten, dass auch verschiedene Umwelt- und Selektionsbedingungen ihre Spuren in der Körpergestalt hinterlassen. Dies ist letztendlich gesehen natürlich eine recht triviale Feststellung. Natürlich haben sich alle Arten mehr oder weniger an ihre Umwelt und die Parasitoide speziell an ihre Wirte angepasst. Allerdings ist es interessant, dass sich morphologische Unterschiede über recht simple Indikatoren auf Gemeinschaftsebene einfach nachweisen lassen.

Ein letzter Punkt betrifft das Ver-

hältnis von Flügelindex und Grazilitätsmaß. Die Abb. 4.2.3 zeigt dazu ein interessantes Phänomen. In der Summe sind Grazilität und Flügelindex nur schwach miteinander korreliert. Trennt man jedoch makroptere und brachyptere / aptere Arten, so ergeben sich gegenläufige Muster. Bei vollflügeligen Arten sind beide signifikant (p < 0.0001) positiv miteinander korreliert. Bei den brachypteren und apteren Arten dagegen dreht sich dieses Verhältnis um (p < 0,0001). Mit anderen Worten, Arten mit einer Tendenz zur Flügelreduktion werden graziler, makroptere Arten dagegen werden mit abnehmender Flügelgröße kompakter.



Abb. 4.2.3: Flügelindex in Relation zur Kompaktheit. Die mit offenen Quadraten gekennzeichneten Arten sind brachypter oder apter, schwarze Punkte kennzeichnen die vollflügeligen Arten. Beide Regressionen sind mit p < 0,0001 signifikant.

4.3 Ein Wort zur Länge des Legebohrers

Ein letztes morphologisch interessantes Maß ist die Länge des Legebohrers. Dies betrifft wiederum vor allem die parasitoiden Arten. Natürlich spiegelt die Bohrerlänge bei diesen Arten die Erreichbarkeit der Wirte wieder. Parasitoide von Gallbildnern, Minierern oder verborgenen Wirtsarten sollten längere Bohrer haben als solche, die frei zugängliche Wirte attakieren. Darüber hinaus hängt die Bohrerlänge auch von der Körpergröße ab (Abb. 4.3.1). Diese Korrelation ist aber erstaunlich schwach, wenn auch hochsignifikant, ausgeprägt ($R^2 = 0.32$, p < 0.0001).

Die Abb. 4.3.1 enthält nur Daten von 192 Parasitoidarten. Der Grund, dass nicht alle Parasitoide vermessen



Abb. 4.3.1: Bohrerlänge [mm] der Parasitoidarten des Drakenbergs in Relation zum Thoraxvolmen [mm³].

wurden, liegt darin, dass die Bohrerlänge häufig sehr schwer zu bestimmen ist. Bei den meisten Familien ist dieser nicht exponiert sondern vollständig im Gaster verborgen. Dabei ist die Gasterlänge nur ein sehr ungenaues Maß für den Ovipositor, da dieser etwa bei den Scelioniden oder Platygasteriden im Gaster eingerollt ist. Zur Bestimmung der Ovipositorlänge muss man also die Tiere sezieren, was bei Arten, die nur mit einem Exemplar repräsentiert waren, unverhältnismäßig erschien.

In Abb. 4.3.1 ist der Exponent 0.29 wiederum nicht signifikant von 0,33 verschieden (p > 0,05), so dass wiederum der Quotient aus Bohrerlänge L und Thoraxvolumen $V^{1/3}$ als körpergrößenkorrigiertes Maß des Bohrers herangezogen werden kann.

$$BI = \frac{L}{V^{1/3}}$$

Ein Kovarianzanalyse wie im vorhergehenden Kapitel zeigte nun (Tab. 4.3.1), dass eine so korrigierte Bohrerlänge offensichtlich nur wenig zwischen den Gilden und zwischen den Straten variierte (p = 0,56). Dagegen hatte der Parasitoidtyp einen erheblichen Einfluss. Idiobionten hatten signifikant längere Bohrer (BI = $1,71 \pm 0,06$) als Koinobionten (BI = $1,19 \pm 0,05$). Dies widerspricht auf den ersten Blick der Erwartung. Idiobionten sind in der Mehrzahl Ektoparasitoide und man würde erwarten, dass sie kürzere Bohrer benötigen als die meist endoparasitoiden Koinobionten. Allerdings sind die Typen ungleich über die Parasitoidgilden verteilt. Idiobionten neigen zu verborgenen Wirten, um ihre exponierten Larven besser zu schützen.

Die Tab. 4.3.2 zeigt, dass bei den meisten Gilden koinobiontische Arten überwiegen. Natürlich sind Eiparasitoi-

Tab. 4.3.1: Kovarianzanalyse des Bohrerindex in Abhängigkeit vom Wirtstaxon, von der Wirtsgilde, vom Stratum des Wirtsattacks und vom Parasitoidtyp. Intransformierte Thoraxvolumina dienten als Kovariate W.

Modell	SS	df	MS	F	р
Konstante	29,7	1	29,7	138	0,000
log W	9,3	1	9,3	43,6	0,000
Gilde	3,4	8	0,4	1,9	0,056
Fehler	26,3	123	0,2		
Konstante	21,7	1	21,7	104	0,000
log W	23,8	1	23,8	114	0,000
Taxon	3,5	6	0,6	2,8	0,013
Fehler	24,9	120	0,2		
Konstante	43,3	1	43,3	188	0,000
log W	27,7	1	27,7	120	0,000
Stratum	0,2	1	0,2	0,9	0,347
Fehler	28,3	123	0,2		
Konstante	60,5	1	60,5	284	0,000
log W	26,5	1	26,5	123,5	0,000
Тур	2,4	1	2,4	11,1	0,001
Fehler	30,7	143	0,2		

Tab. 4.3.2: Artenzahlen von Koino- und Idiobiontischen Parasitoiden in Relation zur Wirtsgilde.

Parasitoide von	Idiobion-	Koinobion-
Xylophagen	1	0
Ektophytophagen	9	23
Saprophagen	21	15
Säftesaugern	5	17
Prädatoren	5	20
Mycetophagen	1	23
Minierern	6	27
Hyperparasitoiden	11	10
Gallbildnern	0	33
Eiparasitoiden	47	0
?	55	28

de Idiobionten, aber auch die meisten Parasitoide von Saprophagen gehören diesem Typ an, da sie überwiegend Puparien befallen.

Die Wirtsgilde mag also mindestens zum Teil die Unterschiede beim Parasitoidtyp erklären. Der hohe Signifikanzwert zeigt aber, das der Typ allein ebenfalls deutlich die Länge des Ovipositors mitbestimmt. Leider war in diesem Fall keine komplexere MANCOVA möglich, da kein komplettes ANOVA Modell vorhanden ist. Eine MANCOVA unter Einschluss nur der Gilden, bei denen sowohl Idio- als auch Koinobionten vorhanden waren, ergab mit Wirtsgilde und Typ als Prädikatoren und Intransformiertem Thoraxvolumen als Kovariat keinen signifikanten Einfluss des Parasitoidtyps auf die Bohrerlänge (F = 0,09, p = 0,75).

4.4 Lässt sich die Biologie durch die Morphologie Vorhersagen?

Die deutlichen Korrelationen der morphologischen und biologischen Daten in den vorherigen Abschnitten lässt die Frage aufkommen, ob es korrelative Beziehungen zwischen den morphologischen Merkmalen und ökologischen Parametern gibt und ob sich die Ökologie vorhersagen lässt? Für die Hautflügler des Buchenwaldes konnte ich mittels einer Diskriminanzanalyse einen Satz von Regressionsgleichungen erstellen, die für die Wirtsgilde hochsignifikant war, für die anderen gemessenen ökologischen Parameter jedoch keine befriedigenden Ergebnisse lieferte (Ulrich 2001a). Die Tab. 4.4.1 zeigt, dass dieser Befund nur zum Teil für die Hymenopteren des Drakenberges gilt. Signifikante Diskriminanzgleichungen ergaben sich nur für einige Wirtsgilden, jedoch nicht für das Wirtsstratum, die Zahl der Generationen, die Art der Hibernation und den Parasitoidtyp. Zur Vorhersage der Wirtsgilde jedoch waren alle Diskriminanzfunktionen ungeeignet.

Wir können daraus wiederum schließen, dass es auch für die Hautflügler der Drakenbergwiese nicht möglich ist, ökologische Merkmale aus morphologischen abzuleiten. ,The ghost of competition past' (Strong 1986) reicht wiederum weit in die Vergangenheit.

Gilde	Signifikanz- wert	Stratum	Signifikanz- wert
Eiparasitoide	0,18	Boden	0,33
Gallbildner	0,05	Krautschicht	0,67
Hyperparasitoide	0,09	Zahl der Generationen	
Minierer	0,21	1	0,17
Mycetophage	0,08	2	0,83
Säftesauger	0,08	Hibernation	
Saprophage	0,08	Imago	0,65
Ektophytophage	0,11	Larve	0,35
		Parasitoidtyp	
		Koinobiont	0,53
		Idiobiont	0,47

Tab. 4.4.1: Signifikanzwerte einer Diskriminanzanalyse mit Thoraxvolumen, Flügelindex, Kompaktheit und Bohrerindex als Prädikatoren.

5. Strukturen der Gemeinschaften

5.1 Einige allgemeine Bemerkungen

Die Analyse der Dominanzstruktur von Tiergemeinschaften hat in der Ökologie eine lange Tradition (Motomura 1932, Fisher et al. 1943, Tokeshi 1993, 1999, Hubbell 2001, Magurran 1988, 2003). Dominanzordnungen dienten zur Abschätzung von Konkurrenzstärken (Tokeshi 1996, 1999, Magurran 2003), vermeintlichen Störungen von Gleichgewichtszuständen (May 1975, Ugland und Gray 1982, Frontier 1985, Nummelin 1998, Fesl 2002) und zur Bestimmung der Diversität (Ulrich 2001e, h, i, Magurran 2003).

Ein grundsätzliches Problem bei all diesen Untersuchungen war und ist, wie eine Lebensgemeinschaft zu definieren ist. Sind es alle zu einem Zeitpunkt in einem ökologischen System vorkommenden Arten? Sind es alle Arten, die potenziell dort vorkommen könnten? Sind es nur die Arten, die das System in signifikanter Weise beeinflussen? Und weiter, wie begrenzt man ein solches ökologisches System? Gehören etwa zu ihm ein ganzer Wald oder nur bestimmte räumlich begrenzte Kompartimente? Wie sollen Migrationseffekte behandelt werden? Metagemeinschaften, die durch permanente Migrationen strukturiert werden, sind sicher räumlich schlecht definiert und die einzelnen Habitate formen sicherlich keine separaten Gemeinschaften.

Auch in zeitlicher Hinsicht gibt es Probleme bei der Definition einer Gemeinschaft. Gehören etwa nur potenziell interagierende Arten zu einer echten Lebensgemeinschaft (also solche, die zum gleichen Zeitpunkt im selben System sich befinden)? Danach wären unterschiedliche Generationen derselben Art zu verschiedenen Gemeinschaften zu zählen. Oder kann man einfach die innerhalb eines gewissen Zeitabschnittes in selben Habitat vorkommenden Arten als eine Gemeinschaft auffassen?

Die klassische Ökologie hat sich mit der Frage, wie eine Lebensgemeinschaft zu definieren ist, erstaunlich wenig befasst (Tokeshi 1999, Magurran 2003). Insbesondere die meisten Modelle relativer Abundanzen benutzen einen sehr diffusen Gemeinschaftsbegriff und definieren die Objekte ihrer Modelle sehr allgemein als "irgendwie" um Ressourcen konkurrierende Arten (Tokeshi 1993, 1999, Magurran 2003).

Wie genau eine solche Konkurrenz aussehen soll und ob die Konkurrenzstärke einheitlich und konstant ist, wird nicht weiter diskutiert. Typische Beispiele für ein solches Vorgehen sind die nischenorientierten Modelle von Motomura (1932), MacArthur (1957, 1960), Sugihara (1980) und Tokeshi (1990, 1996). Aber auch die eher stochastisch orientierten Modelle, wie die Lognormal Verteilung (Preston 1962, 1980), die Logserie (Fisher et al. 1943) oder verschiedene allometrische Vereilungen, die auf einer fraktalen räumlichen Verteilung der Arten basieren (Frontier 1985, Harte et al. 1999, Moulliot et al. 2000) benutzen keinem klar definierten Gemeinschaftsbegriff. Einzig die neutralen Modelle von Hubbell (1997, 2001), Bell (2000, 2001, 2002), Solé et al. (1999, 2000) und McKane et al. (2000) benutzen klar definierte Begriffe und leiten lokale Gemeinschaften als zeitlich und räumlich definierte Einheiten von Individuen ab, die aktuell miteinander leben und konkurrieren. Allerdings fehlt diesen Modellen ein direkter Bezug auf Arten. Ihre evolutiven Einheiten sind phylogenetische Linien. Dies erschwert die Anwendung in der Praxis (Harte 2003, Nee und Stone 2003, Kneitel und Chase 2004, Ulrich 2004c).

Diese Sachlage erschwert die Anwendung von Modellen über Dominanzordnungen (Abundanz - Rangordnungsmodelle) insbesondere bei artenreichen "Gemeinschaften" von Arthropoden. Bei diesen ist es praktisch unmöglich, komplette Artenlisten und Dichten zu erarbeiten, zum einen aufgrund der starken Dichtefluktuationen, zum anderen aufgrund des hohen zeitlichen Artenumsatzes (,species turnover'). Das bedeutet z B., dass Artenlisten, die in mehrjährigen Untersuchungsprogrammen erarbeitet wurden, immer zu einem größeren Prozentsatz neu immigrierte Arten enthalten. Damit wird die Zahl der Arten trotz eines begrenztes Areals kontinuierlich mit der Untersuchungsdauer steigen und den Eindruck einer sehr großen Gesamtartenzahl vermitteln, obwohl die jährlichen Artenzahlen deutlich niedriger sein mögen. De facto bestimmt man mit solchen Programmen eher den regionalen Artenpool als die lokale Gemeinschaft.

Die zeitlichen und räumlichen Dichtefluktuationen von Arthropoden gehorchen fast immer Taylors Potenzgesetz, welches besagt, dass die zeitliche und räumliche Variabilität der aus der Statistik bekannten proportionalen Skalierung entspricht (Taylor 1961, Taylor et al. 1980, McArdle et al. 1990)

$\sigma^2 = a\mu^2$

Daraus lässt sich sehr schnell ableiten, dass Arthropodengemeinschaften einen sehr hohen Artenumsatz aufgrund von hohen lokalen Aussterbewahrscheinlichkeiten und entsprechenden Rekolonisationen haben.

Foley (1994, 1997) leitete für einen ,random walk' aus Taylors Potenzgesetz die Wahrscheinlichkeit eines lokalen Aussterbens ab. Ein ,random walk' ist ein zeitlicher (oder räumlicher) Prozess, bei dem die nächste Etappe N_{t+1} nur von dem aktuellen Stand N_t und einer Zufallvariable abhängt. Am einfachsten lässt sich ein solcher Prozess durch folgendes Modell beschreiben

$N_{t+1} = N_t + norm(0, r)$

wobei norm(0,r) eine normalverteilte Zufallsvariable mit dem Mittelwert 0 und der Standardabweichung r ist.

Dichtefluktuationen von Arthropoden lassen sich oft durch solch einen ,blinden' Zufallsprozess beschrieben. Die Dichten der folgenden Generationen sind damit nicht durch biologische Prozesse reguliert. Zusammen mit Taylors Potenzregel bedeutet dies auch, dass zukünftige Dichten praktisch nicht vorhersagbar sind. Die mittlere Überlebenszeit einer Art beträgt aufgrund dieses Modells (Foley 1994)

$$T_E(n_0) = \frac{2n_0}{\operatorname{var}_R}(k - \frac{n_0}{2})$$

Dabei ist n_0 die log-transformierte Zahl an Tieren zur Zeit t_0 , k die ebenfalls logtransformierte maximale Individuenzahl (die Kapazitätsgrenze in den Lotka-Volterra Modellen) und var_R die Varianz der log-transformierten Wachstumsraten der Population. Diese lässt sich aus den jährlichen Populationsdichten mittels

$$N_t = r N_{t-1}$$

schätzen. Die obere Dichtegrenze K ist natürlich bei fast allen Arten unbekannt. Nun ergibt sich die jährliche Aussterbewahrscheinlichkeit P(t) über einen Poisson Prozess durch:

$$P(t) = 1 - e^{-\frac{t}{T_E(n_0)}}$$

Betrachten wir nun den günstigsten Fall und nehmen $n_0 = k$ und setzen Taylors Potenzregel in die Funktion für $T_E(n_0)$ ein. Dazu benötigen wir die Regel, dass logarithmisch transformierte Werte, die Taylors Gesetz gehorchen, eine konstante Varianz besitzen.

$$\sigma^{2} \equiv \frac{\sum (x_{i} = \mu)^{2}}{n} \ll \mu^{2} \equiv \left(\frac{\sum x_{i}}{n}\right)^{2}$$

$$\downarrow$$

$$\sigma^{2}[\ln(x_{i})] \equiv \frac{\sum (\ln x_{i} = \frac{\sum \ln x_{i}}{n})^{2}}{n} \equiv const$$

Es ergibt sich

$$T_E(n_0) = \frac{k^2}{\operatorname{varr}_k} = \frac{k^2}{c}$$

Damit wird

$$P(t) \equiv 1 - e^{-\frac{\epsilon t}{k^2}}$$

Diese Aussterbewahrscheinlichkeiten sind natürlich über die eingesetzten Individuenzahlen flächenabhängig. Je größer die betrachtete Fläche, auf der eine Art vorkommt, desto geringer wird die berechnete Wahrscheinlichkeit lokaler Extinktion. Diese Flächenabhängigkeit wird über die Kapazität eingeführt. Nehmen wir als k mittlere maximale Dichten zwischen 1 und 10000 Tieren ha⁻⁻¹ ergeben sich Werte von c zwischen 1 und etwa 10 und somit minimale jährliche Aussterbewahrscheinlichkeiten von P(1) = 0.63 bis P(10000)= 0,001 mit einem geometrischen Mittel von P(9,21) = 0,11.

Diese Werte sind trotz der groben Abschätzung überraschend realistisch. Den Boer (1981, 1985) fand Aussterbewahrscheinlichkeiten von Laufkäfern in den Niederlanden von 2 bis 10%. Harrison (1991) und Harrison et al. (1988) und Foley (1994) ermittelten für Scheckenfalter lokale Extinktionswahrscheinlichkeiten von einigen Prozent und für Hymenopteren konnte ich im Buchenwald Extinktionswahrscheinlichkeiten von bis zu 15% wahrscheinlich machen (Ulrich 2001f). Bei solch hohen Artenaustauschraten und damit verbundenen Neukolonisationen ist es natürlich sehr schwer, eine Tiergemeinschaft in zeitlicher Hinsicht zu definieren.

Ein dritter Punkt, der eine Definition einer Gemeinschaft erschwert, betrifft die Notwendigkeit, auch den räumlichen Artenaustausch, also Arten-Arealbeziehungen, mit einzubeziehen. Der räumliche Artenaustausch wird in aller Regel am besten über eine Potenzfunktion beschrieben (Rosenzweig 1995, Lomolino 2000)

$S = S_0 A^z$

In einer aktuellen Arbeit (Ulrich unveröffentl.) konnte ich zeigen, das man die zeitliche und die räumliche Variabilität entsprechend Prestons (1962) Hypothese mittels zweier Potenzfunktionen verbinden kann. Dem entspricht die Erfahrung, dass räumliche und zeitliche Variabilität einander äquivalent sind (Rosenzweig 1995, Adler and Lauenroth 2003, White 2004). Daraus erhält man eine allgemeine Arten - Areal - Zeit - Beziehung (Ulrich unveröff.)

$S = S_0 A^z t^y$

Diese Funktion beschreibt letztendlich die Gesamtzahl einer Gemeinschaft eines Areals A innerhalb einer Zeitspanne Δt von $t_0 = 1$ bis t mittels dreier Parameter, der Artendichte S₀ und der Exponenten z und y. Betrachtet man eine zeitlich punktuelle Artenzahl ist t = 1 und Δt = 0 und die obige Funktion reduziert sich zu einer gewöhnlichen Arten - Arealkurve. Betrachtet man noch ein Standardareal wird A = 1 und wir erhalten die Artendichte S₀.

Ich habe die Aussterbewahrscheinlichkeiten und die Arten - Areal -Zeit - Beziehung so ausführlich diskutiert, weil sie den Schlüssel zu einer praktikablen Definition einer Gemeinschaft liefern. Eine Gemeinschaft müsste aus Arten (oder allgemeiner ökologisch relevanten Einheiten) bestehen, die zeitlich und räumlich miteinander in Beziehung stehen. Das heißt, ihre lokalen Aussterbewahrscheinlichkeiten sollten begrenzt sein und sie sollten sich räumlich überlappen. Was heißt das? Arten mit hohen Aussterbewahrscheinlichkeiten kommen innerhalb eines Areals zeitlich gesehen nur sporadisch vor. Bei einer sehr geringen Aussterbewahrscheinlichkeit dagegen sind es zeitlich eher persistente Arten. Für solchen Arten ist der Exponent y der Arten - Areal - Zeit - Beziehung niedrig. Er sollte deutlich unter 0,1 liegen. Dasselbe gilt (entsprechend der Äquivalenz von Raum und Zeit) für die räumliche Verbreitung der Arten. Kommen dieselben Arten in unterschiedlichen Teilarealen desselben Habitats gemeinsam vor, so ist ihre Arten-Arealbeziehung sehr flach und der Exponent z ist nahe 0.

Mit anderen Worten, eine Gemeinschaft, die sinnvollerweise mittels einer Analyse der Dominanzordnung untersucht werden kann, sollte sich aus räumlich und zeitlich persistenten Arten zusammensetzen. Räumlich und zeitlich variable Arten dagegen sollten nicht miteinbezogen werden und mittels anderer Modelle beschrieben werden. Da dies vor allem Arten mit hohem Migrationspotenzial sind, bieten sich für sie Metapopulationsmodelle (Hanski 1999) und neutrale Modelle (Bell 2001, Hubbell 2001) an.

Fast alle klassischen Analysen der Gemeinschaftsstruktur beruhten auf Artenlisten und assoziierten Abundanzen und betrachteten alle Arten eines Taxons oder einer Gilde als Ganzes. Folgt man der obigen Argumentation, so benötigt man zur Analyse neben den Abundanzen noch zusätzliche Informationen über die räumliche und zeitliche Persistenz einer Art. Darüber hinaus bedarf es noch eines Kriteriums, ab wann eine Art als persistent zu werten ist.

Ein solches Kriterium könnte die klassische Beobachtung liefern, das in einem Netzwerk von Habitaten, in denen Arten als Metapopulationen existieren und die gemeinsam eine Metagemeinschaft bilden, eine Gruppe von Arten in den meisten Habitaten vorkommt (die Gruppe der Kernarten), während andere Arten nur sporadisch vorkommen (die Satellitenarten) (Hanski 1982). Ein solches Kernarten - Satellitenarten Muster wurde für viele Metagemeinschaften nachgewiesen (Hanski 1982, 1999) und existiert auch bei den Hymenopteren des Göttinger Waldes (Ulrich und Ollik 2004). Magurran und Henderson (2003) und Ulrich und Ollik (2004) erweiterten dieses Konzept in zeitlicher Hinsicht und bestätigten damit noch einmal die zeitliche und räumliche Äquivalenz ökologischer Muster.

Die letzten Arbeiten zeigten auch, dass sich Kernarten hinsichtlich ihrer Dominanz - Artenrangverteilung und damit auch hinsichtlich ihrer Diversitätsmuster von den Satellitenarten unterscheiden. In einer Reihe von aktuellen Arbeiten (Ulrich und Zalewski in Vorb.) konnten wir auch zeigen, dass beide Gruppen sich hinsichtlich der Muster ihrer Koexistenz (aggregiert oder segregiert) und der Verschachtelung (nestedness) ihrer räumlichen Verteilung unterscheiden. Auch ihre Arten -Arealkurven und körpergrößenabhängige Verteilungen scheinen zu differieren.

Im Folgenden will ich versuchen, dieses Konzept auf die Hymenopteren des Drakenberges anzuwenden.

5.2 Die Aggregation

Die räumliche Variabilität der Hautflügler des Drakenberges entsprach im Jahre 1986 einer Potenzfunktion mit einer Steigung von 1,38, also weniger als durch Taylors Potenzregel vorhergesagt wird (Abb. 5.2.1). Allerdings muss eingeschränkt werden, dass es sich um die Summe aller Tiere eines Jahres handelt, so dass über die Durchschnittsbildungen, die tatsächlichen Varianzen eher unterschätzt wurden.



Abb. 5.2.1: Räumliche Varianz in Abhängigkeit von der Schlupfdichte der Hymenopteren der Drakenbergwiese 1986. Die Varianz wurde anhand der Fänge der 12 Eklektoren ermittelt. Die Abb. enthält nur Arten mit einer mittleren Dichte über 1 Ind. m⁻² a⁻¹, da bei Arten mit einer geringeren Dichte Taylors Potenzregel aufgrund der Umkehr des Verhältnisses von Varianz und Mittelwert verletzt sein sollte (Gaston und McArdle 1993, McArdle und Gaston 1995, Ulrich 2001f). Aus Abb. 5.2.1 kann man auch auf die mittlere Aggregation der Arten schließen. Ein häufig benutztes Maß der Aggregation ist der Index von Lloyd (1967). Ich habe ihn in der Form

$$CV^2 \equiv \frac{\sigma^2 - \overline{\mu}}{\mu^2} + 1$$

benutzt, wobei σ^2 und μ Varianz und Mittelwert der Probe bedeuten (McArdle et al. 1990, Leps 1993, Gaston und McArdle 1993, McArdle und Gaston 1995, Thomas 1996). Indexwerte um 1 deuten auf eine zufällige Dispersion hin.

Die Abb. 5.2.2 zeigt die mittleren Werte des Lloyd-Indexes für die Wirtsgilden. Wir sehen, dass die über alle Arten gemittelten Werte nicht wesentlich von 1 verschiedenen sind. Mit anderen Worten, im Mittel nähern sich die räumlichen Verteilungen der Arten einer Gilde einer Zufallsverteilung an. Dieser Befund widerspricht dem des benachbarten Buchenwaldes, wo es ganz ausgeprägte gildenspezifische Aggregationsmuster gab. Im Wald kamen vor allem Eiparasitoide und Parasitoide von saprophagen Insekten hoch aggregiert vor.

Natürlich enthält die Abb. 5.2.2 über alle Arten gemittelte Werte. Das





heißt, die einzelnen Arten können durchaus aggregiert sein und über den Portefolioeffekt (Tilmann 1999a, b, Tilman et al. 1997) könnten sich diese zu einer Zufallsverteilung ausgleichen.

Die Abb. 5.2.3 zeigt jedoch ein überraschendes Phänomen. Die überwiegende Zahl der Arten war nicht signifikant aggregiert und hatte Indexwerte zwischen 0.8 und 1.2. Wiederum ist dieser Befund konträr zu dem aus dem benachbarten Buchenwald, wo die ganz überwiegende Zahl der Arten signifikant aggregiert vorkam (Ulrich 2001a). Ganz



Abb. 5.2.3: Lloyd Index aller Hymenopterenarten (außer Ameisen) mit einer mittleren Dichte von mehr als 2 Ind. m⁻² a^{-1} in Abhängigkeit von der Schlupfdichte.

offensichtlich sind die Wirte der Parasitoidarten ebenfalls nicht oder nur schwach aggregiert.

Für den Wald konnte ich eine ausgeprägte kleinräumige Heterogenität feststellen (Ulrich 2001a, 2004a), was sicherlich zu einem Teil die aggregierte räumliche Verteilung der meisten Arten erklärt. Ich vermute daher, dass die Wiese kleinräumig wesentlich homogener ist als der Wald und daher keine oder zumindest nur schwache Wirtsaggregate (,patches') enthält.

Die geringe Aggregation der Arten bedingt auch, dass der Grad der Aggregation nicht wie im Buchenwald negativ mit der Körpergröße korreliert war. Es gab dementsprechend auch keine signifikanten Unterschiede hinsichtlich der Aggregation zwischen Imaginal- und Larvalüberwinterern sowie zwischen Idio- und Koinobionten.

88

5.3 Dominanz-Rangordnungen

Die Diskussion zu Anfang dieses Kapitels zeigte, wie schwer es ist, lokale Gemeinschaften von Arthropoden mit einem hohen Migrationspotential zu definieren. Dies erschwert insbesondere die Anwendung von Modellen zur Dominanz - Rangordnung, die, wie bereits gesagt, traditionell zur Analyse der Diversität (Magurran 1988, 2003), von Konkurrenzbeziehungen (Ugland und Gray 1982) oder Störungen eines angenommenen ökologischen Gleichgewichtes, insbesondere anthropogen bedingten (Nummelin 1998, Ulrich 2001h, i, Ulrich und Ollik 2004), verwendet wurden.

Die Abb. 5.3.1 zeigt zunächst einmal typische Whittakerplots (Whittaker 1972) der Dominanz - Artenrangordnungen der einzelnen Parasitoidgilden mit mehr als 30 Arten des Drakenberges. Mit Ausnahme der Parasitoide von Säftesaugern, Räubern und der Eiparasitoide, deren Verteilungen am besten mittels einer logarithmischen Verteilung beschrieben werden können, folgen alle Gilden Potenzfunktionen. Dies ist ein typisches Bild für artenreiche Gemeinschaften, bei denen entweder ein großer Teil der Arten nicht erfasst wurde (Preston 1962, May 1975) oder die Gemeinschaft in starkem Maße durch Migration geprägt wird (Hubbell 2001, Ulrich und Ollik 2004).

Fast alle nischenorientierten Modelle nehmen an, das Verteilungen wie in Abb. 5.3.1 nur den oberen Teil der tatsächlichen Verteilung widerspiegeln, da die meisten Arten hinter der berühmten 'veil line' (Preston 1962) verborgen sind. Nach dieser Annahme sollten Dominanz - Rangordnungen auch eine untere Biegung aufweisen und damit (in Preston Darstellungen) symmetrischen oder gedrehten Lognormalverteilungen entsprechen (May 1975, Sugihara 1980, Tokeshi 1993, 1996).

Allerdings sind Belege für solche Muster äußerst rar (Ulrich und Ollik 2003). Es scheint eher, dass klassische Modelle auf artenreiche und/oder zeitlich oder räumlich variable Gemeinschaften nicht unmittelbar anwendbar sind. Nischenmodelle basieren auf interagierenden und miteinander konkurrierenden Arten, die hinreichend lange sowohl räumlich als auch zeitlich koexistierten.

Mit anderen Worten, ich vermute, dass Muster wie in Abb. 5.3.1 die tat-



Abb. 5.3.1: Dominanz - Artenrang-Beziehungen der Parasitoidgilden des Drakenberges mit mehr als 30 Arten. Dichte bezieht sich auf alle gefangenen Tiere pro Art auf 11 m² untersuchter Fläche. Fits beziehen sich jeweils auf Potenzfunktionen (gebogene Linien) und auf Exponentialfunktionen (geometrische Serien, gerade Linien).

sächlichen Verhältnisse widerspiegeln und es bei artenreichen Gemeinschaften wie den Hymenopteren, keine untere Biegung und damit auch keine fixe Artenzahl gibt, die als Basis für Analysen der Diversität dienen könnten. Dafür erlauben sie eine Reihe andere Rückschlüsse.

Erstens lassen sich aus ihnen viel genauer als über die Fänge der einzel-

nen Fallen die lokalen Arten-Areal-Beziehungen (Kollektorkurven) ableiten. Die Dichte einer Art gibt an, wie viele Tiere wir pro Areal im Mittel erwarten. Ist die Dichte kleiner als 1, ist sie ein Maß, welches Areal wir im Mittel absuchen müssen, um ein Tier einer Art, also die Art selbst, zu finden. Die Dichte ist also proportional zum Kehrwert des Areals. Falls die Dominanz - Artenrang-

90

kurve einer Potenzfunktion folgt (Arrhenius 1921) ergibt sich also

$$D = c \frac{1}{A} = D_0 S^{-\frac{1}{z}}$$
$$\downarrow$$
$$S = \left(\frac{D_0}{c}\right)^z A^z = S_0 A^z$$

Diese Ableitung beruht natürlich auf der stillschweigenden Annahme, dass es sich in jedem Fall um eine Zufallsauswahl von Arten aus dem lokalen Pool handelt und dass alle Arten räumlich zufällig verteilt sind. Die Ergebnisse des vorherigen Kapitels lassen eine solche Annahme gerechtfertigt erscheinen.

Damit ergibt sich zunächst einmal, dass die lokalen Arten-Arealbeziehungen Potenzfunktionen gehorchen sollten. Dies ist keine triviale Feststellung, da z. B. für viele lokale und regionale Pflanzengemeinschaften häufig logarithmische Beziehungen gefunden wurden, die in einer sehr viel geringeren Artenzahl münden (Gleason 1922, Williamson 1988 und mündl.).

Die Tab. 5.3.1 zeigt die Exponenten der Fits von Potenzfunktionen zu den Verteilungen von Abb. 5.3.1. Es ergeben sich sehr hohe Exponenten z der lokalen Arten-Areal Beziehungen von mehr als 0.5 und diese sind den beobachteten (Tab. 2.2.3) überraschend ähnlich. Dass die erwartete Steigung von 0.72 für alle Parasitoide niedriger ist als die Schätzung von z = 0.57 aufgrund der Eklektorfänge, wird vermutlich durch die hohe Zahl an Arten mit gleichen Dichterängen verursacht, die den Exponenten 1/z etwas erniedrigt. Der unmögliche Wert von 1.82 für die Ektophytophagen ist natürlich durch einen schlechten Fit der Potenzfunktion und die extrem hohe Zahl an Arten mit gleichen Rängen bedingt.

Insgesamt aber zeigt der Vergleich, das unser Zufallsmodell gute Schätzwerte von z liefert. Dies zeigt auch, dass wir es zumindest für beschränkte Areale mit einert echten Zufallsauswahl von Arten aus einem Pool räumlich zufällig verteilter Arten zu tun haben.

Tab. 5.3.1: Steigungen der Dominanz -Artenrangbeziehungen der Parasitoidgilden in Abb. 5.3.1 mit Standardfehlern und den daraus abgeleiteten Steigungen z der entsprechenden Arten - Arealkurve. z beob. bezieht sich auf die beobachteten Kurven anhand von 12 Eklektoren 1986 (Tab. 2.2.3).

Parasitoide von	1/z	ST. Fehler	z	z be- ob.
Saprophagen	1,47	0,05	0,68	0,67
Säftesaugern	1,53	0,08	0,65	-
Prädatoren	1,17	0,05	0,85	-
Mycetophagen	1,77	0,07	0,56	0,67
Minierern	1,65	0,04	0,61	0,64
Gallbildnern	1,76	0,06	0,57	0,57
Ektophytophagen	0,55	0,02	1,82	0,68
Eiern	1,82	0,08	0,55	0,55
Alle Parasitoide	1,39	0,01	0,72	0,57

Das führt wiederum zu dem allgemeinen Ergebnis, dass die Zahl neuer Arten pro Areal extrem hoch ist. Zum Vergleich, die entsprechenden Steigungen im benachbarten Buchenwald lagen mit Ausnahme der Hyperparasitoide zwischen 0.3 und 0.4.

Ein zweiter Punkt, der sich aus Abb. 5.3.1 ergibt, ist, dass es über die Dominanz-Rangordnungen nicht möglich ist, die Gesamtzahl der Arten zu schätzen. In einer früheren Arbeit (Ulrich und Ollik 2005) hatten wir anhand einer umfangreichen Datenbank über Dominanz-Rangordnungen zeigen können, dass die ganz überwiegende Mehrzahl an Tier- und Pflanzengemeinschaften ab den subdominanten Arten eher geometrischen Verteilungen folgt und damit hineichend genaue Extrapolationen auf ein bestimmtes Gesamtareal zulassen. Für die Hautflügler der Drakenbergwiese gilt dies nur eingeschränkt. Wiederum ist dies ein Beleg dafür, wie artenreich die Wiese selbst innerhalb eines Jahres (die jährliche Artenzahl) ist.

Drittens, Magurran und Henderson (2003) folgerten in Anlehnung an die klassische Arbeit von Fisher et al. (1943), dass Gemeinschaften, die durch einen hohen lokalen zeitlichen und/oder räumlichen Artenaustausch geprägt sind, einer Log-Serie folgen sollten. Dies gilt nach Abb. 5.3.1 für die Hymenopteren des Drakenberges in nur sehr eingeschränktem Maße. Dieses Ergebnis entspricht unserem Befund (Ulrich und Ollik 2005), dass sich solche Gemeinschaften viel besser durch Potenzfunktionen beschreiben lassen.

Potenzfunktionen gelten allgemein als Indiz dafür, das die sie generierenden Prozesse fraktaler Natur sind (Burrough 1983, Hastings und Sugihara 1993, Berntson und Stoll 1997, Kunin 1998, Eghball et al. 1999, Kampicher 1999, Haskell et al. 2002), obwohl auch eine Reihe anderer Modelle beschrieben wurden, die solche Potenzfunktionen generieren (Kozłowski und Weiner 1997, Carlson und Doyle 1999, 2000). Mit anderen Worten, Immigration und lokales Aussterben von Arten wären unter dieser Hypothese selbstähnliche Prozesse bei verschiedenen Ebenen lokaler Dichten.

Leider gibt es bisher kein Modell, aus dem sich Extinktionswahrscheinlichkeiten und Immigrationsraten anhand der Dominanz - Artenrangbeziehungen ableiten ließen. Nichtsdestoweniger verspricht ein solcher Ansatz eine Erweiterung unseres Methodenspektrums zur Schätzung lokaler Aussterbewahrscheinlichkeiten (Pelletier 1999, Ritchie und Olff 1999, Olff et al. 2002).

Viertens, die unterschiedlichen Steigungen der Funktionen in Abb. 5.3.1 und die mit ihnen assoziierten Steigungen der Arten - Arealkurven lassen Rückschlüsse auf die Gesamtdiversität der einzelnen Gilden zu (Diversität ist als ein dynamisches Maß verstanden, das nicht die punktuelle Artenzahl und deren Abundanzen benutzt, sondern auch den jährlichen Artenaustausch berücksichtigt). Danach hatten die Parasitoide von Saprophagen, Prädatoren und Ektophytophagen die höchste Diversität. Die Zahl ihrer Arten stieg am schnellsten mit wachsendem Areal an. Unter der Hypothese, dass räumlicher und zeitlicher Artenaustausch äquivalent sind, lässt sich auch vermuten, dass der zeitliche Artenumsatz, also das dynamische Gleichgewicht von lokaler Extinktion und Immigration bei den einzelnen Gilden unterschiedlich war. Wiederum sollten Parasitoide von Saprophagen, Prädatoren und Ektophytophagen die höchsten Artenaustauschraten gehabt haben.

Fünftens, logarithmische Dominanz - Rangordnungsbeziehungen bedeuten, dass in jede logarithmische Abundanzklasse gleich viele Arten fallen. Mit anderen Worten es gibt bei solchen Gemeinschaften keine deutlichen Kern-



Abb. 5.3.2: Zahl der Arten des Drakenberges in Abhängigkeit von der log₂ Abundanzklasse. Die Abhängigkeit folgt einer Potenzfunktion mit einer Steigung von -0.79.

und Satellitenarten, die über ihre jährlichen Schlupfdichten definiert wären. Da, wie wir gesehen haben, die räumlichen Verteilungen der Arten in aller Regel mehr oder weniger zufällig waren (Poisson Verteilungen folgten) müssen wir auch schließen, dass dieser Befund auch für das räumliche Auftreten der Arten gilt. Dass heißt, es gab auf der Wiese wahrscheinlich keine bimodale Arten - Verbreitungsverteilung (abundance - range size relationship), wie sie bei vielen Gruppen auf lokaler Ebene nachgewiesen wurde (Hanski 1982, 1999, Gibson et al. 1999, Novotny und Drozd 2001). Im Falle von Potenzfunktionen dagegen ergibt sich automatisch eine deutlich ausgeprägte Gruppe von Satellitenarten, es fehlt jedoch eine markante Gruppe der Kernarten.

93

Eine solche Beziehung zeigt die Abb. 5.3.2. Die Zahl der Arten pro log₂ Abundanzklasse nahm auf dem Drakenberg entsprechend einer Potenzfunktion ab. Falls die Dominanz - Rangordnungsbeziehung einer Lognormalverteilung folgen sollte, wäre der Modus der Funktion noch weit jenseits der 'veil line' (Preston 1962).

Zum Vergleich, im Buchenwald folgte die Dominanz - Rangordnung der mittelabundnanten und seltenen Arten sehr deutlich einer Logarithmischen Serie. Damit gab es eine Gruppe von Kernarten mit hoher Abundanz, jedoch keine deutliche Gruppe der Satellitenarten (Ulrich 2001a). Erst nach der Aufspaltung in zeitliche Kern- und Satellitenarten (Ulrich und Ollik 2005) folgten die ersteren einer Potenzfunktion. Daraus schließe ich wiederum auf deutliche Unterschiede in der zeitlichen und räumlichen Dynamik beider Gemeinschaften.

Über die Existenz zeitlich definierter Gruppen von Kern- und Satellitenarten lässt sich aufgrund von nur zwei Untersuchungsjahren aber auch nach den obigen Analysen natürlich nichts definitives sagen. Allerdings lässt das Vorherrschen von Potenzfunktionen eine solche Gruppierung für den Drakenberg als fraglich erscheinen. Falls sich das oben skizzierte allgemeine Arten - Areal - Zeit - Modell bestätigen sollte, wären bimodale Arten - Zeit Verteilungen nur unter spezifischen Parameterwerten zu erwarten. Allerdings fehlen bisher dazu eingehende Simulationen und Beobachtungen.

Ein letzter Punkt hinsichtlich der Abb. 5.3.1 betrifft die Anwendung klassischer Modelle zur Dominanzabstufung in Tier- und auch Pflanzengemeinschaften. Meine Daten des Drakenberges und zum großen Teil auch die des Buchenwaldes geben wenig Hinweise auf die Anwendbarkeit etwa der Nischenverteilungsmodelle von Tokeshi (1990, 1993, 1996) oder des 'sequential breakage' Modells von Sugihara (1980). Ich konnte für keine der Gilden Hinweise für untere Biegungen der Dominanz - Artenrangkurven finden, wie sie von diesen Modellen vorhergesagt werden. Sie beruhen offensichtlich allzu sehr auf der Annahme geschlossener Gemeinschaften interagierender Arten (Sugihara 1980, Tokeshi 1993). Sie versagen bei Gemeinschaften mit hoher zeitlicher Dynamik und entsprechendem Artenaustausch (Ulrich unveröff.). Da dies bei vielen Arthropodengemeinschaften der Fall sein sollte, stellt sich die Frage, wie sinnvoll die Anwendung dieser Modelle überhaupt ist.



Abb. 5.3.1.1: Dominanz - Artenrang-Beziehungen der Parasitoidgilden des Drakenberges mit mehr als 30 Arten auf der Basis der Biomassen der einzelnen Arten. Biomasse bezieht sich auf das Produkt der gefangenen Tiere pro Art auf 11 m² untersuchter Fläche mit dem Körpergewicht dieser Art in mg.

5.3.1 Dominanz-Rangordnungen auf der Basis von Biomassen

Klassische Nischenmodelle vom ,sequential breakage' Typ beziehen sich auf die Ressourcennutzung der einzelnen Arten. Betrachtet man nun Gemeinschaften mit Arten von unterschiedlichem Körpergewicht, so mag es besser erscheinen, anstatt der Dichte die Biomasse als Maßstab zu nehmen, da sie wohl eher die Gesamtmenge an genutzten Ressourcen (in der Regel Nahrung) bzw. an Energie widerspiegelt. Es wird deshalb gelegentlich argumentiert, dass Dominanz - Artenrangkurven besser über Biomassen zu analysieren wären (Tokeshi 1993)(Abb. 5.3.1.1). Eine Berechnung der Dominanz - Artenrangkurven über Biomassen resultiert anstatt in Potenzfunktionen in S-förmigen Lognormal-Verteilungen. Dies ist in fast theoretischer Reinheit bei der Kurve für alle Arten zu sehen.

Bei den parasitoiden Hymenopteren ist ein solches Vorgehen insofern bedenklich, da sie ja ganze Individuen mit häufig sehr unterschiedlichem Gewicht konsumieren (Ulrich 1999c, Brose et al. 2005) also ökologisch betrachtet unabhängig von der Körpergröße einander äquivalent sind.

Es gibt allerdings auch ein statistisches Gegenargument, welches aus Abb. 5.3.1.2 zu entnehmen ist. Der Grund liegt im zentralen Grenzwertsatz der Statistik: Eine Linearkombination unabhängiger Variablen resultiert in ei-



Abb. 5.3.1.2: Die Multiplikation zweier Zufallszahlen ran, von denen eine einer Potenzfunktion mit negativem Exponenten, gehorcht, resultiert in einer Lognormalverteilung sehr ähnlich denen in Abb. 5.3.1.1.

ner Normalverteilung, bei einem multiplikativen Prozess ergibt sich eine Lognormalverteilung (Abb. 5.3.1.2). Dies hatte bereits May (1975) als Argument für das Vorherrschen von solchen Verteilungen in geschlossenen Gemeinschaften angeführt. In unserem Fall sind Abundanz und Gewicht, die als Produkt die Gesamtbiomasse ergeben, über eine Potenzfunktion mit negativer Steigung miteinander verbunden (siehe unten). Ihr Produkt resultiert bei einer Vielzahl voneinander unabhängiger Arten in genau so einer Lognormalverteilung, wie sie die Abb. 5.3.1.2 darstellt.

Aus dieser Verteilung lässt sich also weder auf eine begrenzte Artenzahl schließen noch auf Konkurrenz um begrenzte Ressourcen als strukturierender Faktor.

Allerdings eignet sich die Biomassenverteilung vielleicht eher als generelles Nullmodell als die Abundanzverteilung, da sie über den Grenzwertsatz der Statistik generell S-förmig sein sollte. Deutliche Abweichungen von dieser Form sollten auf strukturierende Faktoren hinweisen. Sinnvoll wäre also eine Analyse der Residuen von der theoretischen Erwartung.

6. Krautschicht und Boden als Lebensräume der Parasitoide

6.1 Ein Überblick

Auf einer Wiese suchen Parasitoide ihre Wirte entweder am oder gar im Boden oder in der Krautschicht. Allerdings ist diese Unterscheidung natürlich nicht immer ganz scharf. Es gibt einen fließenden Übergang. Dennoch kann man die Mehrzahl der Arten gut einem der beiden Straten als Hauptort der Wirtssuche zuschreiben, um dann zu untersuchen, wie die Parasitoide diese



Abb. 6.1.1: Artenzahlen der Parasitoidarten der Drakenbergwiese aufgeschlüsselt nach der Wirtsgilde und dem Stratum des Wirtsangriffs. Parasitoide exponierter (Exp.) und verborgener (Verb.) Ektophytophage und von Phytophagen mit unbekannter (unb.) Exposition.



Abb. 6.1.2: Artenzahlen der Parasitoidarten der Drakenbergwiese aufgeschlüsselt nach dem Wirtstaxon und dem Stratum des Wirtsangriffs.



Abb. 6.1.3: Artenzahlen der Parasitoidarten der Drakenbergwiese aufgeschlüsselt nach dem Stadium des Wirtes und dem Stratum des Wirtsangriffs.



beiden Straten unter sich aufgeteilt haben.

Die Zahl der Arten und ihre Schlupfdichten waren nicht gleichmäßig zwischen den beiden Straten verteilt. Parasitoide, die mit Phytophagen verbunden sind, finden ihre Wirte natürlich ganz überwiegend in der Krautschicht (Ab. 6.1.1). Dies gilt vor allem für Parasitoide von Minierern, Gallbildnern und Säftesaugern, sowie auch für die meisten Hyperparasitoide. Diese Ausschließlichkeit bedeutet, dass Parasitoide von Puparien oder von Altlarven, die bereits im Boden sich zur Verpuppung bereit machen, weitgehend fehlten. Ein solches Muster konnte ich bereits im benachbarten Wald (Ulrich 2001a) nachweisen. Einen höheren Anteil an bodenlebenden Arten gab es dagegen



bei den Eiparasitoiden und den Parasitoiden ektophytophager Larven. Ausschließlich mit dem Boden assoziiert sind natürlich die Parasitoide von saprophagen und mycetophagen Dipterenlarven und -puparien. Insgesamt ähnelt dieses Bild sehr stark dem des Waldes, wo ich fast identische Anteile bodenlebender Arten bei den einzelnen Parasitoidgilden festgestellt habe.

Auch bei der Gesamtzahl der Arten gab es nur geringe Unterschiede. Im Wald waren 38% der Arten, die einem der drei Hauptstraten des Waldes (Boden, Krautschicht, Kronenregion) zugeordnet werden konnten, mit dem Boden assoziiert, auf der Wiese sind es 32% (Abb. 6.1.1). Allerdings war im Wald die weit überwiegende Zahl an Parasitoiden, die phytophage Wirte ha-

99

ben, mit der Kronenregion verbunden. Nur 10% aller Arten suchten in der Krautschicht ihre Wirte. Auf der Wiese fehlt natürlich eine Kronenschicht und so sind alle Parasitoide phytophager Wirte mit der Krautschicht assoziiert (68%).

Allerdings wird in beiden Fällen eine genaue Analyse natürlich durch die hohe Anzahl von Arten (auf der Wiese 139 Arten), für die ich nicht feststellen konnte, in welchem Stratum sie ihre Wirte finden, erschwert.

Die phänologischen Unterschiede der Arten der einzelner Wirtsfamilien erkennt man auch bei einer taxonomischen Gliederung (Abb. 6.1.2). Es ergibt sich, dass sich die Parasitoide von Coleopteren und Dipteren etwa gleichmäßig auf beide Straten aufteilten, während bei allen anderen Taxa die Krautschicht dominierte.

Interessanter als Gruppierungen anhand der Wirte, ist ein Vergleich der Straten hinsichtlich des Stadiums des Wirtsangriffs (Abb. 6.1.3). Wir sehen, dass Larven- und Eiparasitoide ganz überwiegend in der Krautschicht angreifen, während Parasitoide von Altlarven oder Puppen dies am oder im Boden tun.

Diese Unterschiede bedingen zum Teil auch die Unterschiede in der Stratenaufteilung von koino- und idiobiontischen Parasitoiden (Abb. 6.1.4). Idiobionten waren etwa gleichmäßig zwischen beiden Straten verteilt, während in der Krautschicht Koinobionten dominierten. Koinobionten sind fast ausschließlich Endoparasitoide, während unter den Idiobionten neben den Puparien- und reinen Eiparasitoiden Ektoparasitoide dominieren. Lassen wir beide Gruppen beiseite, so verbleiben in der Krautschicht 9 und am Boden 2 (Verhältnis 4,5:1) meist ektoparasitische Arten im Gegensatz zu 89 bzw. 19 meist endoparasitische Koinobionten (Verhältnis 4,68:1). Damit scheint sich der Anteil an Ektoparasitoiden am Boden nicht von dem in der Krautschicht zu unterscheiden.

6.2 Schlupfdichten und Biomassen

Neben den Artenzahlen sind auch die Schlupfdichten und Biomassen der Parasitoide nicht gleichmäßig zwischen den Straten der Wiese verteilt (Tab. 6.2.1). Insgesamt erreichten die Parasitoide in der Krautschicht im Mittel 754 \pm 16 Ind. m⁻²a⁻¹ und eine Biomasse von 96 \pm 24 mg Trockengewicht m⁻²a⁻¹. Am Boden waren es im Mittel 263 ± 11 Ind. m⁻²a⁻¹ und eine Biomasse von 90 ± 32 mg Trockengewicht m⁻²a⁻¹. Die sehr ähnlichen Biomassen im Vergleich zu den deutlich höheren Schlupfdichten in der Krautschicht deuten darauf hin, dass bodenlebende Parasitoide im Mittel deutlich größer waren als solche in

Tab. 6.2.1: Schlupfdichten (Ind. m⁻²a⁻¹) und Biomassen (mg Trockengewicht m⁻²a⁻¹) der Parasitoidgilden des Drakenberges aufgeschlüsselt nach dem Stratum des Parasitoidangriffs.

Parasitoide von	Stratum	Schlupfdichte	ST.Fehler	Biomasse	ST.Fehler
Saprophagen	Krautschicht	0,00	0,00	0,00	0,00
	Boden	52,43	5,92	3,76	1,73
	?	0,00	0,00	0,00	
Säftesaugern	Krautschicht	64,02	6,17	2,81	2,55
	Boden	0,00	0,00	0,00	0,00
	?	0,00	0,00	0,00	0,00
Prädatoren	Krautschicht	8,35	2,13	4,19	0,61
	Boden	11,60	2,75	2,80	0,88
	?	0,30	0,71	0,53	0,44
Mycetophagen	Krautschicht	80,38	5,88	13,16	15,13
	Boden	0,00	0,00	0,00	0,00
	?	0,00	0,00	0,00	0,00
Minierern	Krautschicht	143,67	6,94	9,70	1,79
	Boden	0,00	0,00	0,00	0,00
	?	0,00	0,00	0,00	0,00
Gallbildnern	Krautschicht	215,38	7,63	6,22	18,33
	Boden	0,00	0,00	0,00	0,00
	?	0,00	0,00	0,00	0,00
Ektophytophagen	Krautschicht	41,92	8,77	37,48	20,78
	Boden	7,95	2,41	66,71	27,84
	?	5,82	3,49	23,31	8,81
Eiern	Krautschicht	248,04	7,64	3,62	1,49
	Boden	19,10	2,99	0,41	0,33
	?	22,65	3,84	0,51	0,20
Hyperparasitoiden	Krautschicht	12,04	2,93	0,50	0,15
	Boden	0,30	0,77	0,04	0,05
	?	5,13	2,13	3,73	0,55



Abb. 6.2.1: Schlupfdichten (Ind. m⁻²a⁻¹) der Parasitoide in Abhängigkeit vom Körpergewicht (mg) für Parasitoide in der Krautschicht (A) und am Boden (B).

der Krautschicht. Dies bestätigt eine ANOVA jedoch nicht. Das mittlere Gewicht der Arten am Boden betrug $0.55 \pm$ 1,85 mg, das der Arten der Krautschicht war 0,49 ± 1.48 mg (p(F) > 0,1). Damit bleibt als Erklärung nur, dass Dichte und Gewicht bei den beiden Parasitoidgilden gegenläufige Tendenzen hatten. Dies war tatsächlich der Fall (Abb. 6.2.1). Bei den Parasitoiden in der Krautschicht ergab sich die typische (vergl. Kap. 7) negative Beziehung zwischen Schlupfdichte und Gewicht (Abb. 6.2.1 A). Bei den Parasitoiden am Boden jedoch gab es keine signifikante Beziehung zwischen Dichte und Gewicht (Abb. 6.2.1 B). Das heißt, dass größere Arten im Verhältnis mehr zur Gesamtbiomasse beitrugen als kleine, während dieser Effekt bei den Parasitoiden in der Krautschicht deutlich schwächer ausgeprägt war. Dies erklärt die Unterschiede in der Biomasse zwischen den Straten.

7. Körpergrößenabhängige ökologische Verteilungen

7.1. Metabolismus und Ökologie

Die Tatsache, dass Arten mit unterschiedlicher Körpergröße sich auch hinsichtlich ihrer Ökologie unterscheiden, ist seit Aristoteles Zeiten bekannt und eher trivial. Doch erst in den letzten Jahren ist es gelungen, die verwirrende Vielzahl der körpergrößenabhängigen ökologischen Verteilungen in ein einheitliches Schema zu ordnen und sie in eine explanative Theorie einzugliedern. Diese ist unter dem Namen "metabolische Theorie" bekannt geworden (West et al. 1997, 1999, 2001, 2003, Brown und West 1999, Enquist et al. 1998, 2001, Gillooly et al. 2001, 2002, 2005, Allen et al. 2002, Belgrano et al. 2002, Brown 2004, Whitfield 2004, West und Brown 2005). Die Theorie ist unter den Ökologen auf teils enthusiastische Zustimmung (Kaspari 2004, Marquet et al. 2004), teils auf herbe Kritik gestoßen (Clarke 2004, Cyr und Walker 2004, Kozłowski und Konarczewski 2004, Sterner 2004).

Im wesentlichen beruht sie auf fünf Grundannahmen, die allesamt diskussionswürdig sind. Erstens wird vorausgesetzt, dass alle lebenden Organismen einen selbstähnlichen (selfsimilar) Körperbau besitzen, also durch eine fraktale Geometrie beschrieben werden können (Mandelbrot 1983). Diese Frakalität müsste besonders bei allen Netzen von Leitungsbahnen, sowie Nervennetzen ausgeprägt sein (West et al. 1997, 2001, West und Brown 2005). Ein selbstähnlicher Bau bedeutet, dass die Beziehungen zwischen wichtigen Variablen, die morphologische und physiologische Prozesse beschreiben, durch Potenzfunktionen vom Typ y = ax^b beschrieben werden können. Die Anwendung solcher Potenzfunktionen hat in der Morphologie (Peters 1983, Schmidt-Nielsen 1984), Physiologie (Kleiber 1932) und Ökologie (Arrhenius 1921, MacArthur und Wilson 1963, Brown 1995) eine lange Tradition, beruht aber nicht in allen Fällen auf einer Selbstähnlichkeit der beteiligten Strukturen. Auch Optimierungsprozesse können Potenzfunktionen generieren (Carlson und Doyle 1999, 2000, Kozłowski und Weiner 1997, Büssenschütt und Pahl-Wostl 2002, Wu et al. 2002) und daher fraktale Strukturen bilden.

Die zweite wichtige Grundvoraus-

setzung beinhaltet, dass alle Organismen hinsichtlich ihres Energieumsatzes optimiert sind. Genauer gesagt, das Verhältnis von metabolisch aktiver innerer Körperoberfläche A zum gesamten Körpervolumen V wird als maximal vorausgesetzt (dA / dV = 0). Damit wird die metabolische Theorie zu einer explizit evolutiven Theorie, die heutige ökologische Muster ganz eng mit der evolutiven Geschichte verbindet.

Aus diesen beiden Voraussetzungen ergibt sich relativ leicht, dass das Verhältnis von Stoffumsatz M (metabolischer Aktivität oder Energieumsatz) zu Körpergewicht W der seit langem empirisch bekannten Regel Max Kleibers (1932) folgen muss (West et al. 2001, Brown 2004, West und Brown 2005)

$M \propto W^{3/4}$

Allerdings hängt M auch noch von zwei anderen Variablen ab. Damit sind wir bei der dritten wichtigen Grundvoraussetzung, dass der Energieumsatz aller Organismen im wesentlichen von drei Variablen abhängt, dem Körpergewicht W, der Verfügbarkeit limitierender Ressourcen R und der Temperatur T. Diese sind nach der vierten Voraussetzung durch die Grundgleichung der metabolischen Theorie miteinander multiplikativ verbunden

$M \propto f(R)f(W)f(T)$

Die fünfte und letzte Grundvoraussetzung betrifft den Temperaturterm dieser Gleichung. Die klassische Chemie fand empirisch, dass die Reaktionsgeschwindigkeit katalytischer Reaktionen exponentiell mit der Temperatur ansteigt. Dies ist als Arrhenius Gleichung bekannt und wird über folgende Gleichung beschrieben

$$k \propto e^{-\frac{E}{RT}}$$

wobei R die allgemeine Gaskonstante ist (R = 8.314 Jmol⁻¹K⁻¹) und E die Aktivierungsenergie der betreffenden Reaktion.

Die metabolische Theorie betrachtet einen Mittelwert für alle Reaktionen, der in lebenden Organismen als etwa gleich angesehen wird. Gillooly et al. (2001, 2002) fanden eine in etwa konstante Aktivierungsenergie von 61 kJmol⁻¹. Damit ergibt sich

 $M \propto f(R) W^{\frac{3}{4}} e^{\frac{-61000}{8,314T}} = f(R) W^{\frac{3}{4}} e^{\frac{-7337}{T}}$ Oder allgemein

$$M \propto f(R)W^{\frac{3}{4}}e^{\frac{-E}{RT}}$$

Aus dieser Funktion lassen sich sofort einige wichtige ökologische Abhängigkeiten ableiten. Diese sollen in den folgenden Kapiteln anhand der entsprechenden Verteilungen der Draken-
7.2. Schlupfdichte und Körpergewicht

Eine erste wichtige Relation betrifft die zwischen Dichte und Gewicht. Betrachten wir das Produkt NM aus individuellem Energieumsatz und der Gesamtzahl an Individuen eines Areals N. Im Gleichgewicht (dN / dt = 0) und unter der Annahme, dass alle Arten etwa gleiche Ressourcenanteile nutzen (Savage et al. 2004b), sollte NM konstant sein (NM = c). Damit ergibt sich

$$N_{Gleichg} = \frac{c}{[R]W^{3/4}e^{-E_a/RT}}$$
$$\propto [R]W^{-3/4}e^{E_a/RT}$$

Betrachtet man eine Gemeinschaft mit konstantem Ressourcenangebot und poikilotherme Organismen wie die Hymenopteren bei konstanter Umgebungstemperatur, so ergibt sich, dass die Gesamtzahl der Individuen, also auch die Dichte, zur Potenz -3/4 mit dem Körpergewicht korrelieren sollte (Damuth 1981, 1987, Brown 1995, 2004, Allen et al. 2002, vergl. jedoch Cyr und Walker 2004). Dabei ist zu beachteten, dass es sich bei diesem N um die Gleichgewichtsdichte handelt. Diese kann mit einiger Vorsicht mit der langfristigen Kapazität eines Lebensraumes gleichgesetzt werden (Brown 2004). Wichtig ist auch, dass diese letzteren



Abb. 7.2.1: Die Dichte - Gewichtsrelation der Hymenopteren des Drakenberges. Dichten in Ind. $m^{-2} a^{-1}$, Gewichte in mg.



Abb. 7.2.2: Die Dichte - Gewichtsrelation der Hymenopteren des Drakenbergs mit einer RMA Regression (fette Linie). Die Steigung ist $z = -0.72 \pm 0.03$. Die schmalere Linie zeigt eine Regression mit derselben Steigung die in etwa die gewichtsspezifische obere Dichtegrenze markiert. Dichten in Ind. m⁻² a⁻¹, Gewichte in mg.

Überlegungen Gemeinschaften betrachten, die dieselben Ressourcen nutzen und damit derselben trophischen Ebene angehören (Brown 2004). Dies kann bei den Parasitoiden als erfüllt angesehen werden.

Die meisten Freilanddaten, auch die des Drakenberges, beziehen sich dagegen auf Punktdichten, die in aller Regel nicht mit diesen Gleichgewichtsdaten übereinstimmen. Damit werden viele der Dichte - Gewichtsverteilungen eine hohe Streuung aufweisen mit der Folge, dass die von diesen Verteilungen abgeleiteten Steigungen aufgrund von Jensens Gesetz (Ruel und Ayres 1999) in der Regel zu niedrig sind.

Ein weiteres Problem bei solchen Regressionen auf logarithmischen Achsen ist, dass die Spannweite der Gewichte hinreichend groß sein muss. Die Literaturbeispiele, die in guter Übereinstimmung mit der obigen Theorie sind (vergl. Brown 2004 für eine Übersicht), umspannten mehr als 6 dekadische Größenklassen. Die kleinste Hymenoptere des Drakenberges, der Eiparasitoid *Oligosita* TD1 (Trichogrammatidae), wiegt im Mittel 8,2 10⁻⁴ mg. Die größte Hymenoptere dagegen, die Ichneumonide *Diphyus palliatorius* wiegt 16 mg (große aculeate Hymenopteren, wie die Hummeln oder die Wildbienen sind in der folgenden Betrachtung nicht mit einbezogen, da sie nicht quantitativ erfasst wurden). Das heißt, die Hautflügler des Drakenberges spannten über 4 dekadische Größenklassen. Dies erscheint wenig, um eine gute Anpassung oder aber eine Abweichung von der metabolischen Theorie zu ergeben.

Die Abb. 7.2.1 zeigt, wie stark die Streuung der Schlupfdichten pro Gewichtslasse bei den Hymenopteren der Drakenbergwiese war. Trotzdem ergeben sich einige Folgerungen.

Trotz der niedrigen Varianzaufklärung gab es eine signifikant negative Korrelation zwischen Schlupfdichte und Gewicht ($R^2 = 0.06$, P < 0.0001). Größere Arten erreichten im Mittel niedrigere Schlupfdichten als kleinere.

Die Steigung von -0,18 erscheint deutlich niedriger als der theoretische Wert von z = -0,75. Allerdings sind wir hier wieder bei einem kritischen statistischen Punkt, der die Verwendung der Modell I kleinsten Quadrate betrifft. In unserem Fall sind auch die Gewichte mit einem erheblichen Fehler belastet und wir haben nur eine niedrige Varianzaufklärung. Damit erscheint wiederum eine Modell II Hauptaxenkorrelation (reduced major axis, RMA) sinnvoller. Dieser Punkt betrifft fast alle bisher publizierten Arbeiten zu Dichte - Gewichtsverteilungen und meiner Meinung nach lassen sich ein Großteil der deutlichen

Tab. 7.2.1: Arten, die in Abb. 7.2.2 deutlich über der oberen Dichtegrenze lagen. Dichten in Ind. $m^{-2} a^{-1}$.

Art	Familie	Dichte	Parasitoide von	Hibernation	
Platygaster TD 2	Platygasteridae	157	Gallbildnern	Larve	
Exallonyx subserratus	Proctotrupidae	37	Räubern	Imago	
Encyrtidae TD6	Encyrtidae	44	?	?	
Ceraphron TD3	Ceraphronidae	20	?	?	
Belyta depressa	Diapriidae	8,73	Mycetophagen	Larve	
Gryon TD1	Scelionidae	8	Eiern	Larve	
Trichacis TD1	Platygasteridae	8	Gallbildnern	Larve	
Allotropa TD1	Platygasteridae	3,9	Gallbildnern	Larve	
Pachyprotasis rapae	Tenthredinidae	2,45	Phytophag	Larve	
Vulgichneumon suavis	Ichneumonidae	1,5	Ektophytophagen	?	
Diplazon laetatorius	Ichneumonidae	1,45	Räubern	Imago	
Lissonota TD2	Ichneumonidae	1,25	Ektophytophagen	Larve	
Pimpla melanacrias	Ichneumonidae	1,25	Ektophytophagen	?	
Alomya debellator	Ichneumonidae	0,8	Ektophytophagen	?	
Diphyus palliatorius	Ichneumonidae	0,5	Ektophytophagen	Imago	

Abweichungen von den theoretischen Werten, die von verschiedenen Autoren berichtet wurden (Dodds et al. 2001, White und Seymour 2003, Savage et al. 2004b), durch eine fehlerhafte Wahl der Regressionstechnik erklären. Benutzen wir eine RMA wird $z_{RMA} = z / |r|$. In unserem Fall erhalten wir z = -0.175/0.244 =0.72 (Abb. 7.2.2). Dieser Wert unterscheidet sich statistisch gesehen nicht von dem von der metabolischen Theorie vorhergesagten Wert von -0.75.

Schauen wir uns die Abb. 7.2.1 bzw. 7.2.2 noch einmal an, sehen wir noch ein Muster. Die Datenpunkte sind nicht zufällig über den Plot verteilt, sie konzentrieren sich im unteren linken Teil der Graphik. Es scheint eine obere gewichtsabhängige Dichtegrenze zu geben. Dies ist typisch für viele solcher Dichte - Gewichtsverteilungen und es gibt eine umfangreiche Literatur, die versucht, die spezifische Gestalt der Verteilung zu erklären (Lawton 1989, 1990, Blackburn et al. 1992, Currie 1993 Gaston 1993a, Scharf et al. 1998, Ulrich 1999d, e). Inzwischen scheint klar, dass es sich um ein statistisches Artefakt aufgrund ungleicher Artenzahlen pro Gewichtsklasse handelt (Gaston 1993, Ulrich 1999e).

Kein statistisches Artefakt sind jedoch die oberen Dichtegrenzen, die durch solche Verteilungen markiert werden. Für die Hautflügler des Buchenwaldes konnte ich eindeutig nachweisen, dass Arten, die in einem der Untersuchungsjahre Dichten oberhalb der dort markierten Grenze hatten, im darauf folgenden Jahr einen Einbruch der Population erlitten oder gar lokal ganz verschwanden (Ulrich 1999d, 2001a).

Die Tab. 7.2.1 zeigt die Arten, die auf dem Drakenberg oberhalb der Dichtegrenze lagen. Es sind dies hauptsächlich Parasitoide von Gallbildnern und von Ektophytophagen. Unter den Familien dominieren die Platygastriden und Ichneumoniden. Damit wiederholt sich das Muster, welches ich auch schon im Buchenwald feststellen konnte (Ulrich 1999d). Arten, die dort zu hohe Dichten hatten, zeichneten sich durch sehr starke Dichtefluktuationen aus. Man darf ein solches Muster auch für den Drakenberg vermuten.

Dichte-Gewichtsverteilungen werden häufig zur Reduktion der Varianz mittels Dichte- und Gewichtsklassen dargestellt (Abb. 6.2.3). Die Hautflügler lassen sich in 15 log₂ Gewichtsklassen einteilen. Es ergibt sich sowohl bei Verwendung geometrischer als auch arithmetischer Mittelwerte keine deutliche Potenzfunktion, wie von der Theorie gefordert. Dagegen sehen wir eine eher



Abb. 7.2.3: Die Dichte - Gewichtsrelationen der Hymenopteren des Drakenberges. Geometrische (A) und arithmetische (B) Mittelwerte der Dichten und Gewichte in \log_2 Gewichtsklassen. Dichten in Ind. m⁻² a⁻¹, Gewichte in mg.



Abb. 7.2.4: Die Dichte - Gewichtsrelationen der Hymenopteren des Drakenberges. Geometrische (A, C) und arithmetische (B, D) Mittelwerte der Dichten und Gewichte in \log_2 Gewichtsklassen für Koinobionten (A, B) und Idiobionten (C, D). Dichten in Ind. m⁻² a⁻¹, Gewichte in mg.

109

wellenförmige Gestalt, weil die größeren Arten deutlich höhere Dichten erreichten als die mittelgroßen Arten.

Bei logarithmischen Skalen ist die Verwendung des geometrischen Mittels angezeigt, das dem arithmetischen Mittel der logarithmisierten Werte entspricht. Dadurch ergibt sich das überraschende Ergebnis, dass bei einer Klasseneinteilung die mittlere Schlupfdichte unabhängig vom Gewicht und in etwa konstant war (Abb. 7.2.3) oder zumindest einem komplizierteren Muster folgte, als dies durch eine einfache lineare Funktion zu beschreiben wäre.

Als nächstes stellt sich die Frage, ob sich die Dichte - Gewichtsverteilungen in Bezug auf die Ökologie der Arten unterscheiden? Idiobionten und Koinobionten sind bei den Parasitoiden zwei recht deutlich unterschiedene Lebensformen. Dies sollte sich auch in der gesamten Ressourcennutzung widerspiegeln. Nach der metabolischen Theorie ist die Dichte - Gewichtsverteilung ein Ausdruck dieser Ressourcennutzung.

Es zeigt sich tatsächlich, dass koino- und idiobiontische Parasitoide sich in ihren Dichte - Gewichtsverteilungen unterschieden (Abb. 7.2.4). Bei den Koinobionten waren Dichte und Gewicht mehr oder weniger unabhängig, während sich bei den Idiobionten die typische negative Beziehung zwischen beiden Variablen ergab. Auch sieht man die typische dreieckige Gestalt, die viele solche Verteilungen kennzeichnet.

Wo liegen die Gründe für diese Unterschiede zwischen Koino- und Idiobionten? Idiobionten sind alle echten Eiparasitoide, (also nicht die Arten, die zwar Eier attackieren, aber erst die Larvenstadien der Wirte abwarten, bis sie ihre eigene Larvalentwicklung beginnen. Zu diesem Typ von Ei-Larvalparasitoiden gehören vor allem die Platygasteriden), die Mehrzahl der Hyperparasitoide sowie fast alle Puppen- und Puparienparasitoide. Koinobionten dagegen sind die meisten Parasitoide endophytophager Insekten, also etwa Minierer und Gallbildner. Die obigen Unterschiede in den Dichte - Gewichtsver-

Tab. 7.2.1: Artenzahlen, Korrelationskoeffizienten und Signifikanzwerte dieser Koeffizienten für die Gilden in Abb. 7.2.5 basierend auf In-transformierten Daten.

Parasitoide von	S	r	p(t)
Saprophagen	32	-0,12	n.s.
Säftesaugern	27	-0,15	n.s.
Prädatoren	25	-0,15	n.s.
Mycetophagen	23	-0,19	n.s.
Minierern	45	-0,29	0,06
Hyperparasitoiden	22	-0,5	0,02
Gallbildnern	32	-0,24	n.s.
Ektophytophagen	41	-0,1	n.s.
Eiern	45	-0,34	0,02



Abb. 7.2.5: Die Dichte - Gewichtsrelationen der wichtigen Hymenopterengilden des Drakenberges. Dichten in Ind. $m^{-2} a^{-1}$, Gewichte in mg.



Abb. 7.2.6: Die Dichte - Gewichtsrelationen der mit der Krautschicht oder mit dem Boden assoziierten Hymenopteren des Drakenberges. Dichten sind geometrische Mittelwerte der Schlupfdichten in Ind. m⁻² a⁻¹, Gewichte in mg.

111

teilungen sollten also auch bei den entsprechenden Verteilungen der einzelnen Parasitoidgilden manifest sein.

Dem war tatsächlich so (Abb. 7.2.5). Signifikant negative Regressionen zwischen Dichte und Gewicht gab es bei den Parasitoiden von Minierern sowie den Ei- und Hyperparasitoiden. Es lassen sich jedoch keine eindeutigen Unterschiede zwischen den Gilden mit überwiegend koino- und idiobiontischen Arten ausmachen. Offensichtlich sind die Unterschiede in Abb. 7.2.4 nicht nur ein Effekt der Gildenzugehörigkeit.

Deshalb betrachten wir zuletzt noch das Stratum des Wirtsangriffs (Abb. 7.2.6). Diese Sortierung ergibt plötzlich für beide Straten hochsignifikante negative Korrelationen zwischen der mittleren Schlupfdichte (geometrischer Mittelwert der einzelnen Dichten) und der Gewichtsklasse. Die Model I Steigungen von -0,43 (Krautschicht) und -0,19 (Boden) ergeben RMA Model II Steigungen von -0,43 / $\sqrt{0,90} = -0,45$ (Krautschicht) und -0.19 / $\sqrt{0.56}$ = -0.25 (Boden). Beide Steigungen unterscheiden sich signifikant voneinander (p < 0,03). Die Abundanzverteilung ist also am Boden deutlich gleichmäßiger.

Nehmen wir nun entsprechend der Theorie an, dass die eigentlichen Dichte - Gewichtsverteilungen für beide Straten gleich sind, so ergibt sich, dass das Ressourcenangebot entsprechend der Grundgleichung

$M \propto f(R)f(W)f(T)$

allometrisch mit der Körpergröße verbunden sein muss. Für den Boden erhalten wir aus -0.25 = x - 0.75

$R \propto W^{0,5}$

Für die Krautschicht ergibt sich entsprechend aus -0,45 = x - 0.75

$R \propto W^{0,3}$

Mit anderen Worten, wir erwarten, dass für Parasitoide das Ressourcenangebot (die Zahl der verfügbaren Wirte) mit wachsender Körpergröße steigt. Am Boden sollte diese Steigung ausgeprägter sein als in der Krautschicht. Ein erhöhtes Ressourcenangebot könnte entweder an einer wachsenden Zahl an Wirtsindividuen oder an höheren Parasitisierungsraten liegen. Meines Wissens liegen dazu bisher keine vergleichbaren Untersuchungen vor und die begrenzten Daten des Drakenberges erlauben keinen Test der obigen Hypothesen.

7.3. Energieäquivalenz?

Aus der Basisformel der metabolischen Theorie sowie der vermuteten Dichte - Gewichtsbeziehung ergibt sich sofort eine andere grundlegende Hypothese, die besagt, dass die gesamte Energienutzung (Metabolismus) innerhalb eines ökologischen Systems unabhängig von der Körpergröße und konstant sein sollte.

$$M = M_0 W^{3/4} e^{-\frac{E_a}{RT}}$$
 und

$$N_{Gleichg} = N_0 W^{-3/4} e^{E_a/RT}$$

Multiplizieren wir beide Gleichungen miteinander ergibt sich

$$N_{\text{Gleichg}}M = M_0 W^{3/4} e^{\frac{E_a}{RT}} M_0 W^{3/4} e^{\frac{E_a}{RT}} = \text{const}$$

Das Produkt NM ist der gesamte Stoffumsatz einer Population von der Größe N, die sich im Gleichgewicht befindet. Nach der metabolischen Theorie sollte diese Dichte der dynamischen Kapazität des betreffenden Lebensraumes entsprechen. Der Stoffumsatz sollte also unabhängig von der Körpergröße der Art sein.

Diese Hypothese wurde als erstes von Sheldon et al. (1972) für aquatische Lebensräume und von Damuth (1981, 1987) aufgrund seiner Untersuchungen an afrikanischen Säugetieren aufgestellt und im Folgenden mehrfach bestätigt (Charnov et al. 2001, Allen et al. 2002, Carbone und Gittleman 2002, Brown 2004). Allerdings liegen insbesondere für Arthropoden auch widersprechende Ergebnisse vor (Strayer 1986, Maurer und Brown 1988, Stork und Blackburn 1993) und die Kompilationen von Currie und Fritz (1993) und Hendriks (1999) lassen unabhängig vom Taxon auf einen Anstieg der gesamten Energienutzung bei oberen Größenklassen schließen.

Eine andere Beziehung, die man strikt von der obigen unterscheiden muss, betrifft das einfache Produkt von



Abb. 7.3.1: Die Biomasse - Gewichtsrelationen der Hymenopteren des Drakenbergs. Biomasse in mg m⁻² a⁻¹, Gewichte in mg.

aktueller Dichte und Körpergewicht. Nach der Beziehung zwischen Stoffumsatz und Dichte ergibt sich bei konstanter Temperatur

 $WN_{Gleichg} = N_0 W^{-3/4} W = N_0 W^{1/4}$

Das Produkt WN_{Gleichg} entspricht der Gesamtbiomasse einer Population. Diese Gesamtbiomasse sollte also nach der metabolischen Theorie allometrisch mit dem Gewicht der Art steigen, wobei der entsprechende Exponent 1/4 sein sollte. Auch die Hautflügler des Göttinger Buchenwaldes zeigen einen Anstieg der Gesamtbiomasse mit wachsender Körpergröße (Ulrich 1999d, e, 2001a).

Damit spekuliert die Theorie auch, dass mittlere Biomasse B und Gleichgewichtsstoffumsatz bei konstanter Temperatur nicht linear proportional sind. Es ergibt sich

 $N_{Gleichg}M = N_0W^{1/4}W^{-1}M_0W^{3/4}$ $= M_0BW^{-1/4}$

Der Quotient aus Gesamtstoffumsatz und aktueller Biomasse sollte also über eine Potenzfunktion mit dem Exponenten -1/4 mit dem Körpergewicht korreliert sein. Das heißt auch, dass die Gleichgewichtsdichte sich aus der aktuellen Biomasse mittels der Beziehung

$$N_{Gleichg} = \frac{M_0}{M} B W^{-1/4}$$

ergeben sollte.

Die Abb. 6.3.1 zeigt zunächst einmal, dass die Biomasse NW der Arten tatsächlich mit dem Gewicht zunahm und dass diese Relation sich mittels einer Potenzfunktion beschreiben lässt. Allerdings ist der Exponent z = 0.8 deutlich höher als von der Theorie gefordert. Dies nimmt insofern nicht wunder, da wir bei den Dichten N überwiegend nahe bei der minimalen Dichten N = 1 Tier liegen und wir demnach in diesen Fällen die einfache Relation NW = W (N = 1) mit der Steigung z = 1 betrachten. Es ist also notwendig, die gesamte Gemeinschaft, also auch die nicht erfassten Arten mit N < 1, mit einzubeziehen.

Trotzdem ergibt sich ein interessanter Effekt, der vielleicht typisch für viele größere Arthropodengemeinschaften sein könnte. Die mittlere Biomasse (geometrisches Mittel der einzelnen Biomassen) skaliert sehr eng allometrisch mit dem Gewicht mit einem Exponenten z > 0,75 (Abb. 7.3.2. und 7.3.3). Dieser Wert ist wiederum deutlich höher als der theoretische von 0.25.

Die Gesamtbiomasse pro Gewichtsklasse nahm bei Betrachtung aller Hymenopteren allometrisch mit der Gewichtsklasse zu (Abb. 7.3.2). Allerdings zeigte das vorige Kapitel, dass wir engere ökologische Gilden, vor allem die Stratenzugehörigkeit, betrachten



Abb. 7.3.2: Die Biomasse - Gewichtsklassenrelationen der Hymenopteren des Drakenbergs. Biomasse in mg m⁻² a⁻¹, Gewichte in mg. Mittlere Biomasse ist das geometrische Mittel der einzelnen Biomassen pro Gewichtsklasse. Gesamtbiomasse ist die Summe der einzelnen Biomassen der Arten pro Klasse.



Abb. 7.3.3: Die Biomasse - Gewichtsklassenrelationen der Hymenopteren des Drakenbergs sortiert nach dem Stratum. Biomassen und Gewichte wie in Abb. 7.3.2.

115





Abb. 7.3.4: Die Stoffumsatz - Gewichtsklassenrelationen der Hymenopteren des Drakenbergs. Stoffumsatz bezieht sich auf die Summe aller einzelnen Arten pro Gewichtsklasse. Alle Arten sowie Arten anhand des Stratums des Wirtsangriffs getrennt. Gewichte in mg.

müssen. Separieren wir also die Hymenopteren wiederum nach dem Stratum des Wirtsangriffs (Abb. 7.3.3), ergibt sich ein deutlicher Anstieg der Gesamtbiomasse pro Gewichtsklasse in den ersten 4 bis 5 Klassen. In den oberen 8 bis 9 Klassen (durch das Nichteinbeziehen der Arten unbekannter Stratenzugehörigkeit enthält die Abbildung weniger Klassen als Abb. 7.3.2) ist der Anstieg der Gesamtbiomasse dagegen abgeschwächt.

Nehmen wir die Gültigkeit der obigen Funktionen an, so müsste der Stoffumsatz proportional zum Quotienten aus Biomasse und W^{1/4} sein. Damit können wir den Gesamtstoffumsatz aller Arten einer Gewichtsklasse schätzen (Abb. 7.3.4). Für alle Arten ergibt sich ein starker Anstieg des Stoffumsatzes bis zur vierten Gewichtsklasse. Danach jedoch ist er überraschend konstant. Teilt man die Arten wiederum anhand des Stratum ein, zeigt sich für die Arten der Krautschicht eine Konstanz und bei den bodenlebenden Arten ein eher uneinheitliches Bild bei größeren Arten. Die Hymenopteren der Drakenbergwie-



se folgen also der Damuthschen (1981) und Brownschen (2004) Energieäquivalenzregel nur zum Teil.

Wiederum ergibt sich also ein nicht eindeutiges Bild. Zum Teil widersprechen die Daten der Theorie, zum Teil sind sie mit dieser in Einklang. Dafür gibt es mehrere Gründe. Zum einen enthält die obige Analyse wie schon gesagt nur die nachgewiesenen Arten. Aufgrund der negativen Dichte - Gewichtsverteilung sollten die fehlenden Arten häufiger große Arten sein. Da die Dichte - Gewichtsrelation (Abb. 7.2.6) eine flachere Steigung hat als die Biomasse - Gewichtsverteilung (Abb. 7.3.2), sollten die nicht erfassten größeren Arten überproportional die Gesamtbiomassen beeinflussen und damit eher der Energieäquivalenzregel entgegenwirken.

Allerdings müssen wir uns noch einmal die Vorraussetzungen der ganzen Theorie vor Augen halten. Wir betrachten Gemeinschaften, die einer konstanten Umgebungstemperatur ausgesetzt sind und einem einheitlichen Energie- oder Ressourcenzufluss R unterliegen. Während die erste Voraussetzung bei poikilothermen Arthropoden wohl als erfüllt angesehen werden kann, ist dies für das Ressourcenangebot nicht der Fall. Bereits im vorigen Kapitel hatten wir spekuliert, dass Ressourcenangebot und Körpergröße allometrisch miteinander verbunden sind. Leider liegen zum Ressourcenterm der Basisgleichung der metabolischen Theorie die wenigsten theoretischen Überlegungen vor (obwohl die fraktalen Modelle von Ritchie und Olff (1999) und Haskell et al. (2002) ebenfalls Potenzfunktionen zwischen Ressourcenangebot und Körpergewicht implizieren) und wir können vor allem bei Parasitoiden kaum von einem konstanten Angebot ausgehen. Dieser Punkt macht die gesamte Theorie auf lokaler Ebene in hohem Maße unangreifbar.

Man muss also zwischen einem qualitativen und einem quantitativen Aspekt der Theorie unterscheiden. Auf quantitativer Ebene entsprechen die vorliegenden Ergebnisse der Theorie wenig.

7.4. Generationszeit und Körpergröße

Ein weiterer Aspekt der metabolischen Theorie, der sich mit den Daten der Drakenberghymenopteren testen lässt, betrifft die Generationszeit. Betrachten wir den gewichtsspezifischen Stoffumsatz M / W

$$M/W = M_0 W^{3/4}/W = M_0 W^{-1/4}$$

Dieser kann nach Brown (2004) mit der Produktion eines Organismus gleichgesetzt werden und sollte damit der Reproduktionsrate proportional sein. Das heißt

$$r = r_0 W^{-1/4}$$

Der Kehrwert von r ist ein Maß der Generationsdauer (Gillooly et al. 2002).

$$t = 1 / r = t_0 W^{1/4}$$

Beide Regeln sind schon seit längerem als Fenchels (1974) und Calders (1984) Regeln empirisch bekannt. Sie ergeben sich zwanglos aus der Basisgleichung der metabolischen Theorie (West und Brown 2005).

Die Generationsdauer sollte also wiederum allometrisch mit dem Gewicht über einen Exponenten von 0.25 verbunden sein. Direkt lässt sich diese

Tab. 7.4.1: Mittlere Gewichte und deren Standardfehler der uni- und bi- oder polyvoltinen Parasitoidarten des Drakenberges.

Тур	S	Mittleres Gewicht	Standard- fehler
Univoltin	30	1,16	0,34
Bivoltin	123	0,31	0,17

Vorhersage mit den Hymenopterendaten nicht überprüfen. Indirekt allerdings bedeutet dies, dass univoltine Arten im Schnitt etwas größer sein sollten als polyvoltine mit ihren kürzeren Generationszeiten. Dies war tatsächlich so. Arten mit nur einer Generation wogen im Mittel 1.16 mg, Arten mit zwei oder mehreren Generation pro Jahr dagegen nur 0.31 mg (Tab. 7.4.1). Der Unterschied ist hochsignifikant (Z(U) = 3,25, p = 0,001).

Der Grund ist, dass die Eiparasitoide und auch die überwiegend kleinen Parasitoide von Minierern fast ausschließlich bi- oder polyvoltin waren (Abb. 3.1.2). Dagegen war der Anteil univoltiner Arten unter den größeren Parasitoiden von Ektopytophagen, Saprophagen und auch den Räubern

7.5. Artenzahl und Metabolismus

Die metabolische Theorie sagt in ihrer ursprünglichen Form nichts über die Diversität einer Gemeinschaft aus. Keine ihrer Funktionen enthält de Zahl der Arten als abhängige Variable. Dennoch lässt sich zumindest mittelbar auch auf erwartete Artenzahlen pro Gewichtsklasse und diversitätsabhängige Muster schließen (Marquet et al. 2004). Die Gleichgewichtsdichte einer Art sollte entsprechend

 $N_{Gleichg} \propto R(W) N_0 W^{-3/4} e^{E_a/RT}$

und der Stoffumsatz entsprechend

 $M \propto W^{3/4} e^{-E_a/RT}$

skalieren. Damit lässt sich die Gleichge-



Tab. 7.5.1: Artenzahl der Parasitoidgilden des Drakenberges in Abhängigkeit vom mittleren Gewicht (log-transformierte Gewichte). Das offene Quadrat kennzeichnet die Parasitoide von Ektophytophagen, eine sehr heterogene Sammelgruppe. Unter Ausschluss dieser Gilde ergibt sich eine hochsignifikante Regression (p < 0,01).

wichtsdichte ausdrücken als

$$N_{Gleichg} \propto rac{R(W)}{M}$$

Bei konstantem Ressourcenangebot sollten also Arten mit geringerem Stoffumsatz höhere Dichten erreichen (Marquet et al. 2004). Dies gilt auch für Gemeinschaften innerhalb von Gewichtsklassen. Für Gemeinschaften gilt jedoch auch im Allgemeinen eine Individuen - Artenzahlrelation der Form S \propto N^z. Damit sollte die Beziehung zwischen Artenzahl und Stoffumsatz folgender Funktion gehorchen

$S \propto R(W)M^{-1/z} \equiv R(W)W^{\frac{-3}{4z}}$

Eine ähnliche Beziehung wurde bereits von Wright (1983) und Currie (1991) und Currie und Fritz (1993) postuliert.

Für unsere Hymenopteren bedeutet diese Hypothese, dass bei konstantem Ressourcenangebot Gilden kleinerer Arten eine höhere Diversität aufweisen sollten. Dies war tatsächlich der Fall (Abb. 7.5.1). Die Gilden kleinerer Arten, wie die Eiparasitoide, die Parasitoide von Säftesaugern oder von Minierern waren diverser als die der Mycetophagen, Räuber oder der verborgenen Ektophyptophagen. Eine Ausnahme bildet die Sammelgruppe der Parasitoide von Ektophytophagen, wobei diese keiner spezifischeren Fraßgilde zugeordnet werden konnten. Die Gilde beinhaltet Arten sehr unterschiedlicher Körpergröße und weicht deutlich vom allgemeinen Muster ab.

Die Abb. 7.5.1 mag überraschen, da doch gewöhnlich Artenzahlen - Körpergrößenverteilungen angenähert normalverteilt sind, wie im nächsten Kapitel beschrieben. Der Punkt ist, dass die obigen Gleichungen eine einheitliche Ressource annehmen, die für die einzelnen Gewichtsklassen als annähernd konstant angesehen wird. Dies mag für einzelnen Parasitoidgilden in etwa gelten. Trotzdem erstaunt es, dass trotz der sehr groben Annäherung an die Voraussetzungen des Modells, sich ein Ergebnis entsprechend der metabolischen Theorie ergibt.

Allerdings müsste ein echter Test deutlich besser umrissene Gilden benutzen. Dies erscheint bei Hymenopteren aufgrund der geringen Kenntnisse über die Wirtskreise der einzelnen Arten schwer möglich. Nichtsdestoweniger gibt das grobe Ergebnis von Abb. 7.5.1 Anlass, genauere Tests der Artenzahl -Stoffumsatz Beziehung zu unternehmen. Solche Test fehlen bisher (Marquet et al. 2004).

8. Evolutive Aspekte der Körpergröße

8.1. Zur Einführung

In den vorigen Kapiteln diente die Körpergröße, genauer das Gewicht, als Basisvariable für eine Reihe ökologischer Verteilungen. Nun wollen wir die Größe, genauer ihre Verteilung innerhalb der Gemeinschaften der Hautflügler des Drakenberges untersuchen.

Solche Untersuchungen über die Körpergrößenverteilungen in Tier- und auch in Pflanzengemeinschaften haben eine lange Tradition in der Ökologie (Peters 1983, Calder 1984, Schmidt-Nielsen 1984, Gotelli and Graves 1996). Die Körpergröße diente als Maß der Ressourcennutzung (Holling 1992) oder als Äquivalent der ökologischen Nische (Hutchinson 1959) und wurde benutzt, um Konkurrenzbeziehungen (Brown und Nicoletto 1991), Nahrungsnetze (Cohen et al. 2003), evolutionäre Trends (Orme et al. 2002, Smith et al. 2004), Dispersion (Etienne und Olff 2004) und vor allem Artenbildung und Extinktion zu studieren (Dial und Marzluff 1988, Maurer et al. 1992, Allen et al. 1999, Knouft und Page 2003).

Unser gegenwärtiges Wissen über Körpergrößenverteilungen in ökologischen Gemeinschaften basiert hauptsächlich auf Untersuchungen an Wirbeltieren (Peters 1983, Calder 1984. Schmidt-Nielsen 1984, Brown 1995, Kozłowski und Gawelczyk 2002, Smith et al. 2002) und pelagischen Größenverteilungen (Havlicek und Carpenter 2001). Dagegen ist über Verteilungen bei lokalen und regionalen Gemeinschaften von Nichtwirbeltieren erstaunlich wenig bekannt. Dies gilt sowohl für tropische (Schoener und Janzen 1968, Basset und Kitching 1991, Agosta und Janzen 2005) als auch für gemäßigte Habitate (Gunnarsson 1990, Novotny und Kindlman 1996).

Darüber hinaus betreffen von den mehr als 300 publizierten Größenverteilungen (Loder 1997) beinahe alle lokale Verteilungen. Vergleiche von lokalen und regionalen Verteilungen fehlen dagegen fast ganz (Fenchel 1993, Novotny und Kindlman 1996, Poulin und Morand 1997). Eine Ausnahme bildet die fast unbekannte und in russisch geschriebene Arbeit von Chislenko (1981), der regionale Verteilungen fast aller Insektenordnungen für die ihm zugänglichen Arten berechnete. Die einzige regionale Analyse der Größenverteilung bei Hautflüglern publizierten Gomez und Espadaler (2000) und Espadaler und Gomez (2002).

Aufgrund dieses Mangels an Daten sollen im Folgenden die Größenverteilungen der Hymenopteren des Drakenberges eingehend analysiert und mit einer regionalen Verteilung verglichen werden. Die letztere bildet die Verteilung der europäischen Hymenopteren, die ich innerhalb des bereits bei der Behandlung der Artenzahlen des Drakenberges genannten Datenbankprojektes (Ulrich in Vorb.) zusammengetragen habe. In dieser Datenbank sind Körpergrößen (Längen) von insgesamt 12601 Arten enthalten, die somit einen einigermaßen repräsentativen Querschnitt der europäischen Hautflügler darstellen.

Aufgrund der bisherigen Studien lassen sich fünf Hypothesen über Körpergrößenverteilungen machen:

Erstens sollte die Verteilung von Artenzahl - log Gewicht (Artenzahl - log Körperlänge) unimodel und mehr oder minder rechtsgedreht sein (Dial und Marzluff 1988, Brown 1995, Novotny und Kindlman 1996, Gaston und Blackburn 2000, Kozłowski und Gawelczyk 2002, Smith et al. 2004). Das heißt, es gibt viel mehr kleine als große Arten.

Zweitens ist zumindest bei Wirbeltiere die Schiefe dieser Verteilung von der taxonomischen Stufe und auch von der geographischen Lage der betrachteten Gemeinschaft abhängig (Brown und Nicoletto 1991, Kozłowski und Gawelczyk 2002). So fanden etwa Bakker und Kelt (2000), dass bei Säugetieren die Verteilung der Körpergrößen in kleineren Arealen symmetrischer wird.

Drittens deuten alle Befunde darauf hin, dass Körpergrößenverteilungen unimodal sind und dass der Modus bei mittleren Größen liegt ((Dial und Marzluff 1988, Novotny und Kindlmann 1996, Kozłowski und Gawelczyk 2002, Smith et al. 2004). Es wurden dazu eine Reihe von Modellen entwickelt, die eine solche Unimodalität erklären sollen (McKinney 1990, Maurer et al. 1992, Brown et al. 1993, Kozłowski 1996, Kozłowski and Weiner 1997, Kozłowski and Gawelczyk 2002). Dagegen argumentieren Havlicek und Carpenter (2001) und Cumming und Havlicek (2002) für multimodale Verteilungen im Einklang mit Hollings (1992) "Texturhypothese".

Unimodale Größenverteilungen widersprechen auf fraktaler Geometrie basierenden theoretischen Überlegungen, wonach die unteren Größenklassen die artenreichsten sein sollten (Morse et al. 1985, May 1978, 1986, Gaston und Blackburn 2000). Allerdings fehlen wiederum von den meisten hyperdiversen Taxa wie den Nematoda, Acarina, Coleoptera, Diptera oder Hymenoptera entsprechende Daten und Neubeschreibungen betreffen überwiegend kleine Arten (May 1978, Gaston et al. 2001).

Letztens scheint die Körpergröße innerhalb einzelner Taxa relativ konstant zu sein (Smith et al. 2004). Das heißt, man kann mit Vorsicht von einer taxonspezifischen Körpergröße sprechen, wie dies bereits Haldane (1928) für Säugetiere vermutete.

Wie bereits gesagt ist über lokale und regionale Verteilungen von Körpergrößen bei Hymenopteren sehr wenig bekannt. Nur Espadaler und Gomez (2002) und Chislenko (1981) berechneten Arten - Gewichtsverteilungen und fanden keine ausgeprägte Schiefe, wie sie fast durchweg in Studien über Wirbeltiere berichtet wurden und auf dieser Basis als charakteristisch für Tiergemeinschaften angenommen werden (Kozłowski und Gawelczyk 2002).

8.2. Arten - Gewichtsverteilungen

Arten-Gewichtsverteilungen (kurz AGV) spielen in der Diskussion über die Richtung der Evolution hinsichtlich von Ressourcennutzung und Einnischung eine zentrale Rolle (Brown 1995, Gaston und Blackburn 2000, Kozłowski und Gawelczyk 2002, Smith et al. 2004). Traditionell werden sie mittels Histogrammen dargestellt, bei denen die Zahl der Arten als Funktion der Größenklasse gezeigt wird. Histogramme jedoch haben den Nachteil, das die Wahl der Klassengröße und die Behandlung von Arten auf Klassengrenzen das Ergebnis stark beeinflussen können. Deshalb werden AGVs in neuerer Zeit häufig mittels des stetigen Äquivalents der diskreten Histogramverteilung, der Kerneldichte dargestellt (Havlicek und Carpenter 2001 und Cumming und Havlicek 2002). Ich habe für die nachfolgenden Analysen einen normalverteilten Schätzer der Kerneldichte f_h eines Taxons mit S Arten benutzt

$$f_h(\mu) = \frac{1}{Sh\sqrt{2\pi}} \sum_{i=1}^{S} Exp\left(-\frac{1}{2}\left(\frac{x_i - \mu}{h}\right)^2\right)$$

Tab. 8.2.1: Artenzahlen, Gewichtsspannen (In-transformiert) und Kerneldichteschätzungen (Zahl der Modi, Gewicht beim Modus, Schiefe und Standardfehler der Schiefe) für Kerneldichten der einzelnen Parasitoidgilden und aller Hymenopteren. *: signifikant von 0 verschieden bei p (t) < 0,01.

Parasitoide von	S	Ausgangsdaten			Kernel Dichten				
		In Mini- males Gewicht	In Maxi- males Gewicht	In Mittle- res Ge- wicht	Varianz	Anzahl Modi	Höchster Modus	Schiefe	Std, Fehler der Schiefe
Eiern	47	-14,014	-6,364	-11,350	2,645	1	-11,492	0,983*	0,357
Ektophytophagen	42	-10,269	-4,129	-6,707	1,967	1	-6,704	-0,295	0,378
Gallbildnern	35	-12,232	-9,400	-10,553	0,385	1	-10,582	-0,318	0,414
Minie-	47	-11,121	-6,444	-9,433	0,854	1	-9,579	0,553	0,357
Mycetophagen	23	-10,557	-6,079	-9,041	1,067	1	-8,949	0,524	0,511
Parasitoiden	22	-11,554	-5,760	-9,108	2,519	2	-7,849	0,050	0,522
Prädatorenn	25	-10,129	-6,337	-8,290	0,876	2	-8,711	0,006	0,490
Säftesaugern	29	-12,063	-7,726	-10,211	1,569	1	-10,488	0,208	0,455
Saprophagen	36	-12,637	-7,802	-10,150	1,347	1	-10,209	0,081	0,408
Alle	450	-14,014	-4,129	-9,452	3,278	1	-10,1683	0,340*	0,115

Die Bandweite h war in allen Fällen mittelgrob entsprechend der Vorgabe von Silvermann (1986)

 $h = 1.06S^{-0.2} \min(\sigma_x; range/5, 36)$ Die Schrittweite μ war in allen Fällen h / 5. S bezieht sich auf die Zahl der Arten.

Anhand dieser Analyse ergab sich, dass die AGV der Hymenopteren des Drakenberges unimodal war (Tab. 8.2.1 und Abb. 8.2.1) mit einer leichten positiven Schiefe ($\gamma = 0.34 \pm 0.115$, p(t) = 0.003).

Dieses Ergebnis kann mit den entsprechenden Kerneldichten der europäischen Hymenopteren (Abb. 8.2.2) verglichen werden, wie sie sich aus der bereits mehrfach erwähnten Datenbank für Europa ergeben (Ulrich in Vorb.). Die europäischen Hautflügler sind demnach deutlich zweigipfelig verteilt, was der groben Unterscheidung in die beiden artenreichen Unterordnungen Aculeata und Parasitica entspricht. Die Aculeata waren auf dem Drakenberg im Verhältnis zur Gesamtfauna deutlich unterrepräsentiert, womit sich die nur eingipfelige Verteilung erklärt. Darüber hinaus hat die Verteilung der europäischen Hymenopteren keine signifikante Schiefe ($\gamma = -0.04$, n.s.).

Zweitens liegt der untere Modus der europäischen Arten bei In W = -1,66 (= 0,19 mg), während der der Wiese bei -3,25 (= 0,038mg) lag. Damit ist das Modusgewicht des Drakenberges fast 5 mal kleiner als das der europäischen Fauna. Dies bedeutet, dass es auf der Wiese eine selektive Artenauswahl kleinerer Arten gegeben hat. Dies sind vor allem Parasitoide von Minierern und Gallbildnern sowie Eiparasitoide.

Bei den einzelnen Parasitoidgilden





Abb. 8.2.1: Kerneldichten der Hymenopteren des Drakenberges. Gewicht in mg.

Abb. 8.2.2: Kerneldichten der europäischen Hymenopteren. Gewicht in mg.



Abb. 8.2.3: Kerneldichten der einzelnen Parasitoidgilden des Drakenberges.

jedoch ergab sich ein uneinheitliches Bild (Tab. 8.2.1, Abb. 8.2.3). Es gab keinen deutlichen Trend zu rechtsgedrehten Verteilungen. Nur bei den Eiparasitoiden ergab sich eine signifikant positive Schiefe ($\gamma = 0.98$, (p(t) < 0.01) Schiefe und Artenzahl waren nicht miteinander korreliert. Mit anderen Worten, artenreiche Gilden zeigten keinen signifikanten Trend zu einer positiveren Schiefe und damit zu einer Überzahl an kleinen Arten.

Analysen auf Gattungsebene (Abb. 8.2.4 und folgende, Daten in An-

hang D) für alle Gattungen mit mindestens 5 Arten, ergaben für keine der Gattungen der Drakenbergwiese eine signifikante Schiefe. Schiefewerte pendeln zufällig um den Nullpunkt.

Nach gängiger Meinung ist die AGV Schiefe abhängig vom taxonomischen Niveau. Höhere Niveaus sollten eine ausgeprägtere Schiefe und damit eine deutlichere Überzahl an kleinen Arten haben (Kozłowski und Gawelczyk 2002). Die Abb. 8.2.1, 8.2.3 und 8.2.4 scheinen dieser Hypothese zu folgen. Die mittlere Schiefe der Gattungen war

126



Abb. 8.2.4: AGV Schiefe der einzelnen Hymenopterengattungen mit mindestens 5 Arten in Abhängigkeit von der Artenzahl. Die durchgezogenen Linien geben die 95% Konfidenzintervalle der Schiefe an.

-0,08 (vergl. Anhang D), die der Gilden 0,20 und die aller Arten 0,34. Wiederum lässt sich ein solcher Trend nicht bei den europäischen Hautflüglern feststellen, wo die Schiefe sich als unabhängig vom taxonomischen Niveau erwies (Ulrich in Vorb.).

Als letztes habe ich untersucht, ob die Schiefe vom Gewicht selbst und von der Spannweite des Gewichts innerhalb



Abb. 8.2.5: AGV Schiefe der einzelnen Hymenopterengattungen mit mindestens 5 Arten in Abhängigkeit vom Modusgewicht.

einer Gattung abhängt (Abb. 8.2.5 und 8.2.6). Solch eine Abhängigkeit sollte existieren, wenn die AGV von oberen oder unteren Grenzen der Körpergröße beeinflusst wird. Dies ist der Kerngedanke des Diffusionsmodells von Mc-Kinney (1990). Danach sollten rechtsgedrehte AGVs entstehen, wenn ein zufälliger Speziationsprozess nahe einer unteren Gewichtsgrenze abläuft. Bei einer oberen Grenze dagegen ergäbe sich eine Linksschiefe. Damit sollte die Schiefe auch eine Funktion der mittleren Körpergröße innerhalb eines Taxons sein. Bei den Hautflüglern eines Habitats spielen Artbildungen natürlich keine Rolle. Allerdings ist dieses Modell genauso anwendbar, wenn man statt Speziation eine Zufallsauswahl von Arten aus einem regionalen Pool betrachtet, wobei diese Auswahl wiederum mit oberen oder unteren Gewichtsgrenzen



Abb. 8.2.6: AGV Schiefe der einzelnen Hymenopterengattungen mit mindestens 5 Arten in Abhängigkeit von der Gewichtsspanne innerhalb einer Gattung.

verbunden ist. Die Abb. 8.2.5 dagegen zeigt, dass Schiefe und Gewicht bei den Hymenopterengattungen der Wiese nicht korreliert waren.

Dagegen gab es eine leichte wenn auch statistisch nicht signifikante (p(t) > 0,1) Korrelation mit der Spannweite des Gewichts (W_{max} / W_{min}) (Abb. 8.2.6). Gattungen, die über einen weiteren Bereich an Gewichten spannen, hatten eine leichte Tendenz zu einer negativen Schiefe.

Dies führt zu der nächsten Frage, ob die Spannweite an Gewichten innerhalb einer Gattung mit der Artenzahl verknüpft ist? Wenn ein Taxon eine für sie charakteristische Körpergröße hat, sollten Spannweite und Artenzahl nur lose korreliert sein. Eine hohe Korrelation beider Variablen spräche eher für ein freies Ausdehnen im gesamten Größenraum. Eng damit verbunden sind die Beziehungen zwischen der Varianz der Körpergröße und deren Mittelwert. Einer charakteristischen Größe entspräche ein Poisson Prozess mit einer Varianz, die proportional zum Mittelwert wächst, einer freien Ausdehnung entspräche ein proportionaler Reskalierungsprozess entsprechend Taylors Potenzregel ($\sigma^2 \propto \mu^2$). Die Abb. 8.2.7 zeigt, dass Artenzahl und Spannweite der Hymenopteren des Drakenberges



Abb. 8.2.7: Artenzahl der einzelnen Hymenopterengattungen mit mindestens 5 Arten in Abhängigkeit von der Gewichtsspanne innerhalb einer Gattung.

schwach, aber signifikant miteinander korrelierten (R² = 0,30, p < 0,01). Dagegen waren Varianz und Mittelwert unkorreliert (R² = 0,01), was eher einem Poisson Prozess entspricht. Beide Muster widersprechen wiederum dem der gesamten europäischen Fauna. Dort fand ich eine deutliche Korrelation zwischen Varianz und Mittelwert entsprechend Taylors Potenzregel ($\sigma^2 \propto \mu^{1.81}$) (Ulrich in Vorb.).

Auch dieser Befund spricht wiederum für eine selektive Auswahl an Arten auf der Wiese. Die Auswahl erfolgte in der Weise, dass die Bandbreite pro Gattung im Verhältnis zum mittleren Gewicht der Gattungen in etwa konstant war (ein Poisson Prozess). Eine solche Selektion kann zu einer geringeren Überlappung der Gewichte der einzelnen Gattungen und damit nach klassischer Theorie zu einer Konkurrenzvermeidung führen. Dies geschieht allerdings nur, wenn auch die mittleren Gewichte der Gattungen bestimmte Regelmäßigkeiten aufweisen. Deshalb möchte ich im nächsten Kapitel noch die Gewichtsverteilungen innerhalb der Parasitoidgilden diskutieren.

Als letzter Punkt dieses Kapitels sei die Frage erörtert, ob die Zahl der Arten pro Taxon vom mittleren Körpergewicht dieses Taxons abhängt. Eine solche Abhängigkeit ist mehrfach vorgeschlagen worden (May 1978, 1986, Morse et al 1985). Für die europäischen Hautflügler konnte ich ein solches Muster eindeutig widerlegen. In keiner Familie waren die gewichtsmäßig kleinsten Gattungen am artenreichsten und die gewichtsmäßig größten Gattungen am artenärmsten. Die Artenzahl - Gewichtsverteilung wurde dagegen hochsignifikant durch eine quadratische Funktion beschrieben (p < 0,001). Das heißt, in der europäischen Fauna sind



Abb. 8.2.8: Zahl der Arten der einzelnen Hymenopterengattungen in Abhängigkeit vom mittleren Gewicht innerhalb einer Gattung. Die eingezeichnete Regression entspricht einer quadratischen Funktion dessen quadratischer Term nicht signifikant ist (p > 0,1).

gewichtsmäßig mittelgroße Gattungen am artenreichsten.

Auf dem Drakenberg ergaben sich jedoch keine so eindeutigen Beziehungen, was zum Teil sicherlich an der viel geringeren Zahl an Gattungen (204) lag (Abb. 8.2.8). Es ergab sich keine Regression (weder logarithmisch noch quadratisch) zwischen Artenzahl und mittlerem Gewicht.

8.3. Zur Konstanz des Gewichts innerhalb eines Taxons

Bei Wirbeltieren vermuteten zuletzt Smith et al. (2004) in einer umfangreichen Studie, dass niedere Taxa wie Gattungen eine spezifische Körpergröße haben. Dies ist eine relativ alte Idee, die schon 1928 von Haldane formuliert wurde. Bei Nichtwirbeltieren gibt es in dieser Hinsicht bisher keine Untersuchungen. Deshalb möchte ich im Folgenden die Körpergrößen der einzelnen Gattungen näher betrachten.

Smith et al. (2004) berechneten die Korrelation aller paarweisen Arten-

kombinationen innerhalb einer Gattungen und benutzen den sich ergebenden Korrelationskoeffizienten r als Maß der Erblichkeit (Heritabilität) der Körpergröße. Im Folgenden verwende ich anstatt des Korrelationskoeffizienten die Varianzaufklärung R² als Maß der Erblichkeit der Körpergröße innerhalb einer Gattung.

Eine entsprechende Berechnung für die Hymenopteren des Drakenberges ergab zunächst einmal zwei mehr oder weniger scharf begrenzte Zentren



Abb. 8.3.1: Regression paarweiser Vergleiche der Arten innerhalb einer Gattung. Einbezogen wurden alle Gattungen mit mindestens zwei Arten. Bei Gattungen mit mehr als 10 Arten wurden 20% der möglichen Zufallskombinationen (S(S-1)/2) zufällig ausgewählt. Gewicht in mg. Die fette durchgezogene Linie zeigt die theoretische 1: 1 Beziehung.



Abb. 8.3.2: Regression paarweiser Vergleiche der Arten innerhalb einer Gattung mit mindestens zwei Arten. A: Arten mit weniger, B: Arten mit mehr als 0,1 mg Gewicht. Bei Gattungen mit mehr als 10 Arten wurden 20% der möglichen Zufallskombinationen (S (S-1) / 2) zufällig ausgewählt. Gewicht in mg. Die fette durchgezogene Linie zeigt die theoretische 1 : 1 Beziehung.

des Gewichts der Arten (Abb. 8.3.1). Ein Zentrum liegt zwischen 0,01 und 0,1 mg, das andere bei 0,1 bis knapp unter 1 mg. Diese beiden Zentren entsprechen in etwa den Körpergrößen der Aculeata s I. (Aculeata s. str. + Ichneumonoidea) und den übrigen Parasitica.

Zweitens ergibt sich zwar eine signifikante Korrelation, die jedoch nur 54% der Gesamtvarianz aufklärt. Zum Vergleich Smith et al. (2004) fanden bei Säugetieren eine Erblichkeit der Körpergröße von 92%. Bei den europäischen Hymenopteren ergab sich eine etwas geringere Erblichkeit von 83%.

Betrachtet wir die Arten unter und über 0,1 mg Gewicht separat ergibt sich ein noch anderes Bild (Abb. 8.3.2). Bei den kleineren Arten verschwindet die Korrelation weitgehend ($\mathbb{R}^2 = 0,11$), obwohl sie statistisch immer noch (durch die hohe Zahl an Datenpunkten) hochsignifikant ist (p < 0,0001). Bei den größeren Arten ist die Heritabilität höher ($R^2 = 0,29$), jedoch immer noch deutlich niedriger als bei Abb 8.3.1. Beide Befunde widersprechen den Ergebnissen von Smith et al. (2004) an Säugern und auch den eigenen Befunden (Ulrich in Vorb.) an den europäischen Hymenopteren, wo auch bei einzelnen Größenklassen, die jeweils nur eine dekadische Größenordnung umfassten, jeweils Varianzaufklärungen von über 40% ermittelt wurden.

Dieses Ergebnis ist wiederum ein Zeichen dafür, dass in dem lokalen Habitat eine gewisse Artenselektion stattgefunden hat. Bei einer Zufallsauswahl aus dem europäischen oder auch dem

131



regionalen Artenpool, sollten die sich ergebenden Varianzaufklärungen deutlich höher sein und sich innerhalb der einzelnen Größenklassen nicht wesentlich unterscheiden. Um diese Hypothese zu testen, habe ich 455 Arten (entsprechend der Artenzahl in den obi-

Tab. 8.3.1: Aufgeklärte Varianz (Heritabilität) paarweiser Vergleiche der Arten innerhalb einer Gattung mit mindestens zwei Arten des Drakenbergs und aus einer Zufallsauswahl von 455 Arten aus dem europäischen Artenpool gruppiert nach der Wirtsgilde. Die Ei– und Hyperparasitoide fehlen in dieser Darstellung, da sie in der europäischen Datenbank nur innerhalb des Parasitoidtypus kategorisiert werden.

Taxon	Draken- berg	Zufalls-
	R^2	R^2
Minierer	0.001	0.328
Gallbildner	0.001	0.005
Ektophytophage	0.278	0.862
Säftesauger	0.964	0.988
Saprophage	0.019	0.995
Mycetophage	0.222	0.888
Räuber	0.043	0.958
Alle	0.543	0.790

Abb. 8.3.3: Regression paarweiser Vergleiche der Arten innerhalb einer Gattung mit mindestens zwei Arten aus einer Zufallsauswahl von 455 Arten aus dem europäischen Artenpool. Bei Gattungen mit mehr als 10 Arten wurden 20% der möglichen Zufallskombinationen (S(S-1)/2) zufälig ausgewählt. Gewicht in mg. Die fette durchgezogene Linie zeigt die theoretische 1: 1 Beziehung.

gen Abbildungen) per Zufall aus dem europäischen Pool gelost und die entstehenden Heritabilitätsmuster mit den vorgefundenen verglichen (Abb. 8.3.3).

Zunächst einmal ist die Gesamtheritabilität auf dem Drakenberg deutlich niedriger als per Zufall zu erwarten ($R^2 = 0,79$ des Zufallsmodells zu $R^2 = 0,54$ auf der Wiese). Zum anderen ist die Verteilung des Zufallsmodells über den gesamten Gewichtsbereich homogener als die des Drakenberges. Es fehlen die deutlichen Gewichtscluster, die die Hymenopteren des Drakenberges kennzeichnen.

Ein dritter wichtiger Punkt betrifft die Steigungen der Regressionsgeraden. Beim Zufallsmodel entspricht diese dem theoretisch zu erwartenden Wert von 1. Die lokalen Steigungen jedoch sind deutlich niedriger. Allerdings scheint dies wiederum durch die Wahl des Regressionskriteriums bedingt zu sein. Die entsprechenden RMA Steigungen sind für den Drakenberg $z_{RMA} = 0,72 / \sqrt{0,54} = 0,98$. Für das Modell ergibt sich $z_{RMA} = 0,94 / \sqrt{0,79} = 1,06$. Beide Werte sind statistisch nicht von 1 verschieden.

Auch für die Größenklassen in Abb. 8.3.2 ergeben sich bei RMA Regressionen die theoretischen Steigungen: $z_{W < 0,1} = 1,1$ und $z_{W > 0,1} = 1,06$. Dieses Beispiel zeigt einmal mehr, dass die Wahl der Regressionstechnik für die Interpretation des Ergebnisses entscheidend sein kann.

Insgesamt deutet die obige Analyse an, dass die Hymenopterenarten innerhalb der einzelnen Gattungen ein weiteres Größenspektrum einnehmen als dies entsprechend einer Zufallsauswahl an Arten aus dem europäischen Artenpool zu erwarten wäre.

Damit ergibt sich die Frage nach gildenspezifischen Unterschieden in der Heritabilität. Dazu habe ich die Erblichkeitsmaße bei den einzelnen Parasitoidgilden mit denen der Zufallsauswahl aus dem europäischen Artenpool verglichen (Tab. 8.3.1). Es ergibt sich das überraschende Ergebnis, dass mit Ausnahme der Parasitoide von Säftesaugern und Gallbildnern bei allen Gilden die Heritabilitäten auf der Wiese sehr deutlich unter denen des Zufallsmodells lagen. Darüber hinaus waren auf der Wiese Artenzahl pro Gilde und Heritabilität nicht miteinander korreliert (p > 0,1). Beides deutet sehr stark auf eine nichtzufällige Artenauswahl hinsichtlich der Körpergröße auf der Wiese hin.

8.4. Gleichmäßige oder zufällige Gewichtsverteilungen?

Die Diskussionen der vorangegangenen Kapiteln legte nahe, dass die Auswahl der Hymenopterenarten auf der Drakenbergwiese aus dem regionalen Artenpool nicht zufällig war. Dies bedeutet nicht notwendigerweise, dass biotische Interaktionen, wie Konkurrenz oder Räuber - Beutebeziehungen dafür verantwortlich waren. Auch aktuelle neutrale Modelle, wie das ökologische Drift Modell von Stephen Hubbell (1997, 2001, 2005) und Graham Bell (2000, 2001) scheinen in der Lage zu sein, solche nichtzufälligen Muster zu erzeugen (Ulrich 2004c, e).

Traditionellerweise wurden jedoch nichtzufällige Verteilungen von Körpergrößen als Anhaltspunkt für Konkurrenzeffekte gewertet. Damit sind solche Analysen eng mit solchen über das gemeinsame Vorkommen oder das gegenseitige Ausschließen von Arten ähnlicher Ressourcenansprüche verbunden (Diamond 1975, Diamond und Gilpin 1982, Gilpin und Diamond 1982, Connor und Simberloff 1979, 1983, Gotelli und Graves 1996, Goteli 2000, 2001) Am bekanntesten ist sicherlich die Hypothese von Hutchinson (1959) und Hutchinson und MacArthur (1959), dass die Körpergrößen koexistierender Arten sich um den Faktor 1,3 unterscheiden müssen, um die gegenseitige Konkurrenz auf ein tolerierbares Maß zu reduzieren. Inzwischen haben jedoch viele Arbeiten gezeigt, dass solche einfachen Regeln nicht existieren (Gotelli und Graves 1996). Die Verteilung der Körpergrößen der meisten untersuchten lokalen Gemeinschaften erwiesen sich als zufällig und folgten nicht Hutchinsons Regel.

Allerdings konnte Holling (1992) mittels ausgefeilter statistischer Methoden zeigen, dass die Verteilungen der Körpergrößen lokaler Gemeinschaften von Vögeln und Säugern in Nordamerika tatsächlich nicht zufällig war, sondern bestimmte regelmäßige Cluster aufwies. Auch Farlow und Pianka (2002) fanden nichtzufällige Größenverteilungen bei theropoden Dinosauriern und interpretierten dies als Effekt von Konkurrenzausschlussmechanismen. Die Diskussion um die Interpretation dieser Ergebnisse, wie so häufig bei komplizierter Statistik, dauert an (Manly 1995, Raffaelli et al. 2000, Havlicek und Carpenter 2001, Cumming und Havlicek 2002).



Abb. 8.4.1: Mittleres Größenverhältnis GV der Wirtsgilden der Parasitoide des Drakenberges in Abhängigkeit von der Artenzahl. Die Fehlerbalken zeigen eine Standardabweichung von GV. Die offenen Quadrate zeigen die mittleren erwarteten GV Werte anhand von 100 Gilden mit zufällig zugewiesenen Gewichten innerhalb des beobachteten Größenbereichs pro Gilde. Die entsprechenden Standardabweichungen wurden aufgrund der Lesbarkeit der Graphik nicht gezeigt. Keiner der Einzelvergleiche ist statistisch signifikant. Berechnung mittels des Programms *Structure* (Ulrich 2005b)



Abb. 8.4.2: Mittlere Variabilität (offene Quadrate) der Wirtsgilden der Parasitoide des Drakenberges in Abhängigkeit von der Artenzahl. Die Fehlerbalken zeigen obere und untere 95% Konfidenzintervalle des Nullmodells (schwarze Punkte). Diese wurden wiederum anhand von 100 Gilden mit zufällig zugewiesenen Gewichten innerhalb des beobachteten Größenbereichs pro Gilde berechnet. Keiner der Einzelvergleiche zwischen beobachteten und erwarteten Werten ist statistisch signifikant.

Körpergrößen können auf mehrere Arten nicht zufällig verteilt sein. Hutchinsons (1959) Hypothese besagt, dass das Verhältnis GV = W_{n+1} / W_n der aufsteigend geordneten Gewichte W einen konstanten Wert von 1,3 hat, um die Konkurrenz um gleichgroße Ressourcen zu minimieren. Strong et al. (1979) testeten diese Hypothese, indem sie Nullmodellgilden konstruierten, bei denen per Zufall die Gewichte entsprechend der beobachteten Artenzahl und der tatsächlichen Spanne an Gewichten zugeordnet wurden.

Abb. 8.4.1 zeigt die beobachteten GV Werte der einzelnen Parasitoidgilden des Drakenberges und die erwarteten Mittelwerte anhand von 100 solchen Nullmodellgilden (die benutzten Zufallszahlen waren immer linear). Diese und alle folgenden Berechnungen habe ich mit dem eigens geschriebenen Programm *Structure* (Ulrich 2005b) durchgeführt.

Es ergeben sich drei bemerkenswerte Ergebnisse. Erstens waren die tatsächlichen GV Werte in allen Fällen kleiner als die erwarteten. Die Arten waren also im Mittel enger beisammen als per Zufall zu erwarten. Insgesamt sollte sich per Zufall ein GV Wert von 1,4 ergeben. Der tatsächliche Wert lag bei 1,19 ± 0,32 und ist signifikant (p(t) < 0,001) niedriger als erwartet. Er weicht auch signifikant von Hutchinsons Wert ab ((p(t) < 0,001), was nicht auf eine Größenseparation nach klassischer Meinung schließen lässt.

Zweitens, einige der erwarteten Werte, etwa die für die Ei- und Hyperparasitoide (GV_{erwartet} > 2),sind deutlich höher als die beobachteten. Hier zeigt sich ein Problem des Nullmodellansatzes. Einige wenige sehr große oder sehr kleine Arten haben einen überproportionalen Einfluss auf das Ergebnis und können das Nullmodell verfälschen. In unserem Fall aber hat der Ausschluss dieser Arten keinen Einfluss auf das allgemeine Ergebnis.

Drittens, die beobachteten GV Verhältnisse sind unabhängig von der Zahl der Arten pro Gilde. Sie liegen zwischen 1,1 und 1,4. Auch das Nullmodell zeigte eine Konstanz von GV und so lässt sich insgesamt aus den Simulationen weder auf ein minimales Größenverhältnis schließen noch auf einen spezifischen Wert von 1,3. Diese Ergebnis entspricht damit dem vieler anderer Untersuchungen über Größenverhältnisse (Gotelli und Graves 1996).

Größenverhältnisse können auch auf andere Art nicht zufällig sein. Falls die Arten innerhalb der beobachteten Gewichtsspanne vollkommen gleichmäßig verteilt wären, würde die Varianz der GV Werte Null sein. Bei einer starken Clusterung der Arten um verschiedene Gewichtszentren dagegen hätten wir eine hohe Varianz. Wiederum gibt ein Vergleich mit dem obigen Nullmodell Anhaltspunkte dafür, ob die beobachteten einzelnen GV Werte eine zu hohe oder zu niedrige Varianz haben als per Zufall zu erwarten wäre. Einen solchen Vergleich zeigt die Abb. 8.4.2. Fast alle beobachteten Standardabweichungen der einzelnen Parasitoidgilden waren größer als per Zufall zu erwarten. Allerdings hat das Nullmodell selbst eine hohe Variabilität. Da die Verteilung der Nullmodellvarianzen um den Mittelwert nicht normal war, zeigt die Abb. 8.4.2 anstatt der Standardabweichung die oberen und unteren 95% Konfidenzintervalle. Keine der beobachteten Varianzwerte liegt außerhalb dieser Intervalle, doch ist die Konstanz des Mus-

ters auffallend.

Deshalb habe ich zusätzlich noch die Größenverteilung aller Hymenopteren betrachtet, da die große Zahl an Arten eine Analyse von Clustern zulässt. Die beobachtete Standardabweichung der GV Werte aller Parasitoidarten betrug 0,04, 100 Nullmodelle ergaben dagegen 0,02 ± 0,009. Die tatsächliche Variabilität war damit signifikant höher als die erwartete. Hier spiegelt sich natürlich zum Teil die Gildenstruktur der Parasitoide wieder mit ihren spezifischen Körpergewichten.

Zuletzt habe ich noch untersucht, ob es Spitzen und Tiefs in der Arten -Gewichtsverteilung gibt, wie sie Holling (1992) für Vögel- und Säugetiergemeinschaften beschrieb und mit Konkurrenzeffekten interpretierte. Zur Analyse habe ich den log-transformierten Rahmen der Größenklassen in 120 Klassen eingeteilt und die Zahl der Arten pro Klas-



Abb. 8.4.3: Histogramm der Körpergrößen der Hymenopteren des Drakenberges. Für die Abb. wurden die logarithmisieren Gewichte der Arten in 120 Klassen eingeteilt.



Abb. 8.4.4: Lloyd Indexwerte eines gleitenden Fensters von 20 Arten durch das Histogramm von Abb. 8.4.3 (fette Linie) und durch ein entsprechendes Histogramm eines Nullmodells, bei dem die Gewichtswerte zufällig innerhalb des beobachteten Rahmens zugeordnet wurden (dünne Linie). Die Zuordnung erfolgte entsprechend einer Normalverteilung der log transformierten Gewichte.

se bestimmt (Abb. 8.4.3). Zur Beantwortung der Frage, ob die Abfolge von Spitzen und Tiefs von einer Zufallserwartung abweicht, habe ich nun ein gleitendes Fenster von 20 Arten über dieses Histogramm gelegt und für jedes dieser Fenster das Varianz - Mittelwert Verhältnis in Form des bereits behandelten Aggregationsindex von Lloyd verwendet. Sollte es deutliche Spitzen und Tiefs geben, müsste dieser Index deutlich von 1 verschieden sein und bei regelmäßigen Abfolgen sollten sich auch Regelmäßigkeiten der Indexwerte ergeben. Zum Vergleich habe ich wiederum ein Nullmodell herangezogen und die

tatsächlichen Indexwerte mit denen verglichen, die anhand einer Zufallszuweisung von Gewichten entstehen (Abb. 8.4.4).

Wie erwartet, hatte das Zufallsmodell Indexwerte um 1. Die tatsächlichen Werte dagegen waren über die gesamte Spannweite an Größenklassen höher. Ihre Verteilung war U-förmig. Bei Körpergrößen unter e^{-5} mg = 0.006 mg und über e^{1} mg = 2.72 mg zeigten sich also deutliche Spitzen und Tiefs.

Gleichzeitig scheint die Abfolge dieser Spitzen und Tiefs gleichmäßiger zu sein als per Zufall zu erwarten. Die Varianz der Differenzen S_i - S_{i-1} war für beide Größenbereiche deutlich niedriger als die des Nullmodells (< 0,006 mg: σ^2 (Wiese) = 3,4; σ^2 (Nullmodell) = 5,3; > 2,72 mg: σ^2 (Wiese) = 2,5; σ^2 (Nullmodell) = 6,90).

In die obigen Berechnungen wurden alle Hymenopterenarten des Drakenberges eingeschlossen. Dies ist natürlich ein sehr grobes Analyseniveau. Gleiche Ressourcen und damit stärkere Konkurrenzeffekte sollten sich eher auf niedrigeren Ebenen ergeben. In der Abb. 8.4.5 habe ich deshalb die beobachteten Standardabweichungen der GV Werte aller Gattungen mit mehr als 3 Arten mit denen verglichen, die sich anhand zufälliger Gewichte innerhalb



Abb. 8.4.5: SD GV_{obs} / SD GV_{sim} der Differenzen $GV = W_i$ / W_{i-1} der im Text beschriebenen Statistik zur Aufdeckung nichtzufälliger Gewichtsverteilungen. Das Nullmodell benutzte normalverteilte Zufallszahlen zur Zuweisung der Gewichte. Die Datenpunkte geben alle Gattungen mit mindestens fünf Arten an.

der Gattungen ergeben. Da die Arten -Gewichtsverteilungen in der Regel Lognormalverteilungen folgten (siehe die vorhergehenden Kapitel) habe ich die simulierten Gewichte mittels einer normalverteilten Zufallvariablen und log transformierten Gewichten simuliert.

Im Mittel wichen die Simulationen nicht von den beobachteten Werten ab. Jedoch ergab sich eine interessante Korrelation zwischen SD GV_{obs} / SD GV_{sim} und der Zahl der Arten pro Gattung. Während die Verteilung der Körpergewichte bei kleineren Gattungen mit weniger als 8 Arten gleichmäßiger war als per Zufall zu erwarten, erschienen artenreichere Gattungen eher geclustert. Eine Erklärung hierfür mag darin liegen, dass sich bei größeren Gattungen die Existenz von Untergattungen mit spezifischen Körpergrößen auswirkt. Es ist interessant, dass sich solche taxonomischen Effekte durch einfache Analysen von Verteilungen der Körpergrößen nachweisen lassen.

Insgesamt deuten meine Ergebnisse also tatsächlich auf eine wenn auch nur leicht nichtzufällige Artenzusammensetzung hin, die bei den unteren und oberen Größenklassen am ausgeprägtesten war. Allerdings bleibt unklar, ob dies eine Effekt gildenspezifischer Größeneffekte ist oder ob tatsächlich eine Selektion in Bezug auf die Körpergröße stattgefunden hat. Zur Beantwortung dieser Frage wären weitere Daten aus anderen Habitaten nötig, um eine vergleichende Analyse der Artenzusammensetzung vornehmen zu können.

9. Biomasse und Diversität

9.1 Einige theoretische Überlegungen

In den vorangegangenen Kapiteln haben wir uns mit solchen makroökologischen Verteilungen befasst, die auf der Körpergröße W beruhen. Das heißt, die Basisfunktion war in allen Fällen eine allometrische von der Form

 $Y = Y_0 W^z$

Ein zweiter wichtiger Typ von Funktionen sind natürlich solche, die auf dem betrachteten Areal beruhen, also etwa die klassischen Arten - Arealkurven.

Ein dritte wichtige Klasse von Funktionen, die allerdings bisher weit weniger Aufmerksamkeit erhalten hat, sind solche, die auf der Diversität beruhen. Dies verwundert, wenn man die intensive Diskussion um die Bedeutung der Diversität für das Funktionieren von ökologischen Systemen betrachtet (Loreau et al. 2001, 2002, Hooper et al. 2005).

Am einfachsten misst man Diversität als Zahl der Arten S. Das heißt, wir betrachten Funktionen des Typs

$Y = Y_0 S^z$

Diese lassen sich folgendermaßen herleiten (Ulrich 2004b). Wir sahen, dass Dichte und Gewicht über eine allometrische Funktion mit negativem Exponenten verbunden sind. Die Arten -Gewichtsbeziehung dagegen war eine



Abb. 9.1: Ein graphisches Modell zur Herleitung diversitätsbasierender makroökologischer Verteilungen. Erklärungen im Text.
Normalverteilung über logarithmische Gewichtsklassen. Damit sollte sich die Gesamtbiomasse der Arten einer Gewichtsklasse über eine Koppelung beider Funktionen schätzen lassen.

Teilen wird die Gewichtsachse in Klassen auf (Abb. 9.1), so sollte die Biomasse pro Klasse das Produkt aus Artenzahl S, mittlerer Dichte D und mittlerem Gewicht W sein.

$B_i = S_i D_i W_i$

Die Gesamtbiomasse pro Klasse entspricht der Summe aller einzelnen Biomassen der Klasse. Die gesamte Biomasse B einer Gemeinschaft ist wiederum die Summe aller einzelnen Klassenbiomassen B_i. Darüber hinaus ist die Artenzahl, und damit auch die Biomasse, natürlich abhängig vom Areal A. Lassen wir zunächst die Arten - Arealbeziehung außer Acht und betrachten ein Standardareal und benutzen weiterhin log_2 Gewichtsklassen (W_i = W_{min}2^R), ergibt sich

$$B_{unit} = W_{\min} \int_{0}^{R \max} S(R) D(R) 2^{R} dR$$

wobei S(R) und D(R) die klassenspezifischen Abhängigkeiten von S und D bedeuten. Bei einer allometrischen Funktion D(R) und einer lognormalen S(R) ergibt sich

$$B_{unit} = cS_0 W_{\min} \int_0^{R \max} e^{-a(R-R_0)^2} 2^{-\nu R} 2^R dR$$

Diese Funktion besagt also, dass es möglich sein sollte, die Gesamtbiomasse einer Gemeinschaft mittels der Parameter a der Arten - Gewichts- und v der Dichte - Gewichtsbeziehung zu schätzen. Den benötigten Wert von R_{max} erhält man aus der Normalverteilung

$$\int e^{-a(R-R0)^{2}} 2^{R(1-v)} dR$$

$$\frac{1}{2\sqrt{a}} \left\{ e^{-aR0^{2} - \frac{-4a^{2}R0^{2} - 4aR0\log[2] + 4aR0 v\log[2] - \log[2]^{2} + 2v\log[2]^{2} - v^{2}\log[2]^{2}}{4a} \sqrt{\pi} \operatorname{Erf}\left[\frac{2aR - 2aR0 - \log[2] + v\log[2]}{2\sqrt{a}}\right] \right\}$$

Abb. 9.2: Mathematica Lösung der obigen allgemeinen Beziehung zwischen B, S, D, und W.



Abb. 9.3: Numerische Berechnung des Integrals in Abb. 9.2 und die sich ergebende Abhängigkeit zwischen Biomasse B und Artenzahl S für die Parameterwerte a = 0,2 und v = -0,75.

$$R_{\rm max} = 2\sqrt{\frac{\ln S_0}{a}}$$

Das bedeutet, zur Schätzung benötigen wir die Modaloktave der Verteilung. Es muss also wenigstens die Hälfte der Gesamtartenzahl in unserer Probe vorhanden sein.

Weiterhin ergibt sich, dass R_{max} und R_0 eine Funktion von S_0 und damit auch eine Funktion von S sind. Bei gegebenem a sind S und S_0 direkt linear proportional.

Damit ergibt sich, dass B bei Para-

metern a und v, die über die gesamte Gemeinschaft konstant sind, eine Funktion der Diversität der Gemeinschaft sein sollte.

Leider gibt es für die obige Beziehung keine geschlossene analytische Lösung (Abb. 9.2), obwohl sich die Mathematica Lösung folgendermaßen vereinfachen lässt.

$$\int e^{-a(R-R_0)^2} 2^{-\nu R} 2^R dR = C_1 Erf(\sqrt{aR} - C_2)$$

wobei Erf die Gaußsche Fehlerfunktion und damit sigmoid verteilt ist.

In einer neueren Arbeit (Ulrich



Abb. 9.4: Simulationen der Beziehung zwischen Biomasse B und Artenzahl S mittels einer einfachen Berechung über Klassenmittelwerte (A) und mittels eines eher realistischen stochastischen Modells mit zufällig schwankenden Artenzahlen (berechnet mittels des Programm *PatchOccupancy*, Ulrich 2002a) für die Parameterwerte a = 0,1 und v = -0,75 (A) und a = 0,05 und v = -0,75 (B).

2004b) konnte ich zeigen, dass diese Funktion bei einer weiten Spanne von Parameterwerten sehr gut durch eine Potenzfunktion angenähert wird. Numerische Berechnungen des Integrals von Abb. 9.3 und zwei Simulationen, eine berechnet mittels einer einfacher Aufsummierung der Klassenmittelwerte von Abb. 9.1 und eine realistischere, die Dichten stochastisch aber im Einklang mit den obigen Prinzipien zuwies (vergl. Ulrich 2002a), zeigen die Abb. 9.3 und 9.4. Es ergaben sich in allen drei Fällen Potenzfunktionen.

Die Biomasse - Artenzahlbeziehung lautet demnach allgemein

$$B_{unit} \equiv B_{S=1}S^{z}$$

und bildet die Grundlage für eine neue Klasse von Beziehungen. Die Exponenten z liegen in Abhängigkeit von a und v zwischen 1 und 2. Für den Göttinger Wald konnte ich zeigen, das z bei 1,31 liegt.

Dies ist ein wichtiges Ergebnis, besagt es doch, das Biomasse und Artenzahl in wachsenden Proben aus einem Habitat oder beim Vergleich unterschiedlicher Habitate gleichen Areals aber unterschiedlicher Diversität nicht linear miteinander verbunden sind. Die Gesamtbiomasse wächst schneller als die Zahl der Arten. Damit darf man auch nicht einfach extrapolieren: wenn 100 Arten 10 mg wiegen, so wiegen 500 Arten 50 mg. Sie würden bei einem Exponenten von 1,5 112 mg wiegen.

Die obige Beziehung bezieht sich auf ein Standardareal. Man kann sie nun mit der Arten - Areal (S \propto A^x) und der Individuen - Areal (N \propto A^y) Beziehung verknüpfen und erhält zwei weitere verallgemeinerte Beziehungen

$$B = B_{S=1;A=1}A^{xz}$$

und

$$\boldsymbol{B} = \boldsymbol{B}_{S=1;N=1} N^{\frac{xz}{y}}$$

Beide besagen, dass die Gesamtbiomasse einer Gemeinschaft allometrisch, also nichtlinear, mit dem Areal und der betrachteten Individuenzahl wächst. Da der Exponent x in lokalen Gemeinschaften in der Regel zwischen 0,3 und 0,6 liegt (Rosenzweig 1995; vergl. auch Abb. 2.2.1 mit x = 0,57) sollte der Exponent xz der ersteren Beziehung Werte zwischen 0,3 und etwa 1 einnehmen.

Das heißt, dass die Gesamtbiomasse einer Gemeinschaft nicht konstant ist, sondern allometrisch mit dem Areal wachsen sollte. Es erscheint damit sehr schwierig, eine Basisbiomasse (etwa mg m⁻²) zu definieren. Dieser Wert würde mit der Probengröße wachsen. Die Gesamtbiomasse eines Areal erhalten wir durch Multiplikation der Biomasse - Arealbeziehungen mit A

$$B_{total} = B_{S=1;A=1}A^{xz+1}$$

Die Gesamtbiomasse sollte also allometrisch mit dem Areal wachsen, und zwar mit einem Exponenten > 1. Wiederum erscheinen einfache Extrapolationen (wenn eine Gemeinschaft 10 mg pro m⁻² hat, dann hat sie 100 mg auf 10 m⁻²) falsch.

Die Exponenten von Individuen -Arealkurven wurden weit weniger untersucht als die entsprechenden Exponenten der Arten - Arealkurven (Connor et al. 2000, Nee and Cotgreave 2002, Ulrich 2004b). Meine eigenen Ergebnisse (Ulrich 2004b) aus dem Buchenwald deuten an, dass die Exponenten xz/y Werte zwischen 0,5 und 1 einnehmen. Die Hymenopteren des Buchenwaldes hatten einen empirisch bestimmte Exponenten von 0,72 (Ulrich 2004b). Das heißt, dass die Biomasse weniger als linear mit der Zahl der betrachteten Individuenzahl (der Probengröße) wachsen sollte.

Zum Abschluss dieser theoretischen Betrachtungen soll das obige Model noch mit den entsprechenden Vorhersagen der metabolischen Theorie verglichen werden (Kap. 6). Danach sollte die Biomasse innerhalb einer Gemeinschaft derselben trophischen Ebene allometrisch mit dem Körpergewicht mit einem Exponenten von 0,25 wachsen. Betrachten wir die obige Ausgangsformel dieses Kapitels und benutzen den Exponenten -0,75 für die Dichte - Gewichtsfunktion ergibt sich

$$B_i \propto S_i D_i W_i \propto S_i W_i W_i^{-\frac{3}{4}} \propto S_i W_i^{0.25}$$

Die Exponenten sind also identisch aber beide Modelle haben nur dann dieselbe Form, wenn die Zahl der Arten pro Gewichtsklasse konstant ist. Dies ist in der Regel natürlich nicht der Fall und so sind Abweichungen von der metabolischen Theorie in Proben aus

9.2 Biomasse und Diversität auf dem Drakenberg

Die Biomasse - Artenzahlbeziehung des vorherigen theoretischen Kapitels bezog sich auf unterschiedliche Proben aus einer lokalen Gemeinschaft. Solche Proben bilden auch die Eklektorfänge der Hymenopteren auf dem Drakenberg.

Ein einfacher Weg zur Ermittlung der Biomasse - Artenzahlbeziehung ist die Anwendung eines ,bootstraps', also einer wiederholten Beprobung des gesamten Materials. Unter der Annahme, dass das gesamte Hymenopterenmaterial eine repräsentative Stichprobe der lokalen Gemeinschaft bildet, lassen sich über den ,bootstrap' die Parameter der Verteilung ermitteln und die Gesamtbiomasse der Hymenopteren der Wiese hochrechnen. Ein solches Vorgehen zeigt, dass die Biomasse - Artenzahlbeziehung tatsächlich wie von der Theorie gefordert einer Potenzfunktion folgt (Abb 9.2.1). Auch der Parameter z liegt, wie vorhergesagt, mit 1,44 zwischen 1 und 2. Die Gesamtbiomasse einer mittleren Art $B_{S=1; A=1}$ pro m² betrug 0,033 mg. Dieser Wert ist fast identisch mit dem durch die Regression in Abb. 9.1 vorhergesagten (0,03 mg).

Biomasse und Individuenzahl N dagegen erwiesen sich als linear proportional (9.2.2). Dass heißt, der Expo-







Abb. 9.2.2: Das Verhältnis von Biomasse und Probengröße (Zahl der Individuen in der Probe = Dichte) der Hautflügler der Drakenbergwiese. Die Fehlerbalken zeigen eine Standardabweichung der Biomasse ermittelt über 20 Wiederholungen der jeweiligen Probe.

nent xz/y hatte einen Wert von 1. Da z = 1,44 war, ergibt sich über die Biomasse - Artenzahl und Biomasse - Individuenbeziehung

$$\frac{B \propto S^{1.44}}{B \propto N} \bigg\} S \propto N^{\frac{1}{1.44}}$$

Die Abb. 9.2.3 bestätigt diese Vorhersage (1/1,44 = 0,69). Die Zahl der Arten nimmt also allometrisch mit der Zahl der Individuen mit einem Exponenten von 0,69 zu.

Die Arten - Individuenbeziehung lässt sich auch anders ableiten.

$$\left. \begin{array}{c} S \propto A^{x} \\ N \propto A^{y} \end{array} \right\} S \propto N^{\frac{x}{y}}$$

X war der Exponent der Arten -Arealbeziehung, y der der Individuen -Arealbeziehung. Da x/y = 0,69 und x = 0,57 (Abb. 2.2.1) ergibt sich y = 0,83.

Aus den obigen einfachen allometrischen Beziehungen lässt sich also zwanglos eine weitere wichtige Relation ableiten, die ich aufgrund der Probensituation nicht empirisch berechnen konnte. Sie besagt, dass die Zahl der Individuen nicht linear sondern wiederum allometrisch mit dem Probenareal wächst, wobei der Anstieg geringer ist als von der einfache Arealgröße her zu erwarten. Dieses auf den ersten Blick wenig intuitive Ergebnis stimmt jedoch gut mit der empirischen Relation im benachbarten Göttinger Wald (y = 0,72, Ulrich 2004b) überein. Dagegen nahmen fast alle klassischen Arbeiten eine lineare Beziehung zwischen N und A an (Preston, 1962; May, 1975; Gaston and Matter, 2002; Nee and Cotgreave, 2002) und begründeten dies mit einer Dichtekompensation (May 1975) aufgrund von Konkurrenz um eine begren-



Abb. 9.2.3: Das Verhältnis von Schlupfdichte und Probengröße (Zahl der Arten in der Probe) der Hautflügler der Drakenbergwiese.

zende Ressource. Neuere, auf einzelne Populationen bezogene Arbeiten zur Individuen - Arealkurve (Bender et al. 1998, Connor et al. 2000) weisen jedoch stark auf eine nichtlineare Beziehung zwischen der Zahl der Individuen und dem Areal hin, wobei die gefundenen Exponenten meist deutlich unter 1 lagen.

9. Epilog

Der vorliegende Band versuchte eine zusammenfassende Darstellung der Hymenopterengemeinschaft einer Wiese auf Kalkgestein, also eines offenen Habitates. Dabei lag das Schwergewicht nicht auf einer deskriptiven Darstellung der einzelnen Arten, ihrer Schlupfdichten und Biomassen. Stattdessen standen einerseits funktionale und makroökologische Gesichtspunkte und andererseits körpergrößenabhängige Verteilungen im Vordergrund.

Es liegt nun nahe, zum Abschluss ein Resumeé zu ziehen und zu fragen, welche der in der einschlägigen Literatur postulierten Abhängigkeiten und ökologischen Muster die Gemeinschaften der Hautflügler des Drakenberges kennzeichnen und ob aktuelle makroökologische Theorien durch die vorliegenden Ergebnisse bestätigt werden.

Ein durchgängiges Schema neuerer ökologischer Theorien (Niklas 1994, Kozłowski und Weiner 1997, Brown und West 1999, Carlson und Doyle 2000, Gayon 2000, Hubbell 2001, Wu et al. 2002, Brown 2004, West und Brown 2005) ist, dass sie für Beziehungen zwischen grundlegenden ökologischen Variablen Potenzfunktionen vorhersagen.

Dieser Funktionstyp kennzeichnete auch die wichtigsten Beziehungen auf dem Drakenberg. Sowohl die Arten -Areal- als auch die Individuen - Arealbeziehungen folgen Potenzfunktionen. Potenzfunktionen waren auch die beste Beschreibungen der diversitätsabhängigen Relationen in Abschnitt 8 und der körpergrößenabhängige Verteilungen des 7. Abschnitts. Dagegen spielten andere einfache zweiparametrische Funktionen wie lineare, logarithmische oder exponentielle Funktionen nur eine untergeordnete Rolle. Einzig die Normalverteilung als Beschreibung additiver oder multiplikativer Prozesse hatte noch eine gewisse Bedeutung.

Ein Schwerpunkt der vorliegenden Arbeit bestand in der metabolischen Theorie (Kapitel 7). Dabei zeigte es sich, dass sich zumindest in qualitativer Hinsicht die Hypothesen dieses Ansatzes bei einer lokale Gemeinschaft auf derselben trophischen Ebene (Parasitoide) und bei begrenztem Untersuchungszeitraum (2 Jahre) testen lassen. Auf quantitativer Ebene dagegen erwiesen sich die lokalen Besonderheiten, der "geringe" Probenumfang und vor allem die offensichtlich zu geringe Spannweite der Körpergröße als zu erhebliche Störgrößen, um wirkliche Tests der Theorie zuzulassen (Tilman et al. 2004). Nichtsdestoweniger scheint eine zentrale Hypothese der Theorie, die Energieäquivalenz, nicht erfüllt zu sein. Die Biomasse - Gewichtsbeziehung erwies sich als komplizierter als durch die Theorie gefordert.

Ein zweiter zentraler Punkt dieser Arbeit betraf die Frage, ob die Artenzusammensetzung der Hymenopterenfauna des Drakenberges zufällig war oder bestimmten Mustern folgte. Auch diese Frage ließ sich nicht eindeutig beantworten. Hinsichtlich der Artenzahlen und der Gildenzusammensetzungen scheint ein Zufallsmodell (vielleicht ein neutrales Modell) wohl eine gute Beschreibung zu ermöglichen. Dagegen ergaben sich bei der Analyse der Körpergrößen einige Hinweise auf nichtzufällige Verteilungen, die gängigen Theorien folgten (Stichwort: ,assembly rules', Diamond 1975).

Beide obigen Punkte sind eng mit der Frage verknüpft, inwieweit sich makroökologische und evolutionsökologische Muster überhaupt auf lokale Gemeinschaften anwenden lassen? Es wird zunehmend klar, dass ökologische Theorien generell skaliert sind, dass heißt, sie passen zu bestimmten räumlichen und zeitlichen Auflösungen und den mit ihnen assoziierten Diversitätsmustern (Crawley und Harral 2001, Chase und Leibold 2002, Gotelli 2002, Tilman et al. 2004, Harte et al. 2005). Dazu zeigte eine Analyse der Varianzaufklärung empirischer gewichtsabhängiger allometrischer Verteilungen durch Tilman et al. (2004), dass R² eine Tendenz zu einem logistischen Anstieg hat. Bei Gemeinschaften mit weniger als vier Größenordnungen (dekadische Logarithmen) an Gewichtsdifferenz erwies sich der Erklärungswert makroökologischer Funktionen als relative gering (R^2 < 0,5). Gute Übereinstimmungen zwischen Theorie und Empirie ergaben sich jedoch schon bei mehr als 5 Größenordnungen. Die Hymenopteren in dieser Arbeit spannten genau über 4 solcher Größenordnungen und waren damit in der Mitte zwischen den beiden Werten. Diese Mittelstellung mag einige der ambivalenten Resultate der Kapitel 7 bis 9 erklären.

Darüber hinaus gibt es natürlich ein Spannungsfeld zwischen lokalen Effekten biotischer Interaktionen, aber auch den lokalen Eigenheiten auf der einen Seite und den postulierten makround evolutionsökologischen Verteilungen, die man eher über statistische Mittelwertbildungen verstehen muss. Je kleiner wir die Skala unserer Betrachtung machen, desto stärker sollten biotische Interaktionen, wie Konkurrenz, Mutualismus oder lokale Nahrungsnetze unsere Ergebnisse beeinflussen. Wiederum darf man eine lokale aber extrem artenreiche Gemeinschaft wie die Hautflügler als auf einer mittleren Skala angesiedelt betrachten.

Ein Band wie der vorliegende muss auch mit einem Ausblick auf offene Fragen und künftige Forschungen schließen. Aufgrund ihres lokalen und regionalen Artenreichtums und der Vielfalt der Lebensformen können Hymenopteren sicherlich als eine Modellgruppe sowohl für lokale als auch für makroökologische Forschungen dienen (Ulrich 1988, 2001a). Die schwierige und zum Teil ungelöste Systematik ist dabei kein so großes Hindernis, wie es zunächst erscheinen mag. Für die allermeisten Fragestellungen reicht nämlich eine Artunterscheidung aus. Ein genaue Determination ist dagegen von eher untergeordneter Bedeutung. Eine solche Einstellung mag einer eher faunistischen ökologischen Tradition zuwiderlaufen, ermöglicht aber in vielen Fällen überhaupt erst eine Analyse und die Anwendung neuerer ökologischer Theorien.

Wir haben gesehen, dass viele

makroökologische Fragestellungen genauere Daten aus einer größeren Zahl an Lebensräumen benötigen. Um also Hautflüglergemeinschaften zur Überprüfung aktueller Theorien heranziehen zu können, bedarf es weiterer quantitativer Untersuchungen ganzer Gemeinschaften. Rein qualitative Artenlisten, wovon einige zur Verfügung stehen, sind dagegen in der Regel ungeeignet.

Vor allem ältere aber auch einige neuere Untersuchungen beschränkten sich auf die Gattungs- oder gar Familienebene. Dies erscheint für jede genauere vergleichende Analyse ein zu grobes Niveau. Die Untersuchung der Areal-, Gewichts- oder diversitätsbezogenen ökologischer Verteilungen sowie eine Abschätzung des Einflusses insbesondere der Parasitoiden auf ein gegebenes ökologisches System bedarf in aller Regel einer Analyse auf Artniveau.

Aus diesem Band und aus seinem Vorgänger, der sich mit den Hymenopteren des Göttinger Buchenwaldes beschäftigte, ergeben sich eine Reihe weiterer Fragen und ungelöster Probleme. Diese betreffen vor allem die Anwendung der dargestellten aktuellen Theorien.

Ökologische Theorien beziehen sich auf ökologische Gemeinschaften. Wie wir gesehen haben, bereitet jedoch die Abgrenzung solcher Gemeinschaften erhebliche Schwierigkeiten. Viele Modelle über Gemeinschaftsstrukturen benutzen daher einen nur sehr vage definierten Begriff einer ökologischen Gemeinschaft, ein Fakt, der die Anwendung dieser Modelle und auch ihre Verifizierung oder Falsifizierung erheblich erschwert.

Damit ist ein erster Ansatz für weitere Forschungen umrissen. Wie lassen sich Gemeinschaften von Hymenopteren definieren und auf welche Typen von Gemeinschaften sind bestimmte Modelle und Theorien anwendbar? Lasen sich etwa Hymenopteren generell in Kern- und Satellitenarten unterteilen? Wie integriert man den zeitlichen und räumlichen Artenumsatz?

Um diese Fragen zu beantworten, bedarf es weiterer quantitativer Untersuchungen, die die zeitliche und räumliche Dynamik eines Habitates mit erfassen. Das heißt, der Untersuchungszeitraum sollte mindestens 10 Jahre umfassen und das Probenprogramm sollte skaliert aufgebaut sein, um die Artenzusammensetzung unterschiedlicher räumlicher Auflösungen zu ermitteln.

Aufgrund der dadurch erhaltenen Daten ergäbe sich die Möglichkeit, Dominanz - Rangordnungsmodelle oder körpergrößenabhängige Verteilungen sowie vor allem auch neutrale Modelle bei verschiedenen räumlichen und zeitlichen Auflösungen zu testen.

Ein zweiter wichtiger Forschungsansatz betrifft die Notwendigkeit regionale Artenpools genauer zu definieren. In dieser Arbeit wurde mangels besserer Daten die gesamte europäische Fauna (soweit bekannt) zugrunde gelegt. Dies erwies sich erwartungsgemäß als zu grob, um genauere Aussagen über lokale und regionale Muster zu erlauben. Für die Symphyta und Aculeata s. str. existieren für die meisten europäischen Länder Verbreitungsatlasse oder zumindest genauere Artenlisten. Für fast alle Parasitica s. str. und die Ichneumonoidea sind die regionalen Verbreitungen dagegen unbekannt. Weitere systematisch-faunistische Forschungen sind daher zur Beantwortung ökologischer Fragestellungen notwendig.

Allerdings scheint das Ziel dieser Anstrengungen lohnend. Die Hautflügler erscheinen aufgrund ihrer morphologischen, biologischen und systematischen Diversität als eine Modellgruppe (Ulrich 2001a), anhand derer, wie der vorliegende Band zeigt, wichtige aktuelle ökologische Theorien überprüft werden können.

11. Literatur

- Abraham R. 1969. Ökologische Untersuchungen an Pteromaliden (Hymenoptera, Chalcidoidea) aus dem Grenzraum Land-Meer. Dissertation Kiel.
- Adler P. B., Laurenroth W. K. 2003.The power of time: spatiotemporal scaling of species diversity. Ecology Letters 6: 749-756.
- Agosta S. J., Janzen D. H. 2005. Body size distributions of large Costa Rica dry forest moths and the underlying relationship between plant and pollinator morphology. Oikos 108: 183-193.
- Aitchison C. W. 1979. Winter-active subnivean invertebrates in southern Canada IV. Diptera and Hymenoptera. Pedobiologia 19: 176-182.
- Alekseev W. N. 1978. Ceraphronoidea .In: Tryapitsyn V.A. (Ed.). 1978. Keys to the insects of the European part of the USSR. III. Hymenoptera. Fauna SSSR 120. Leningrad, pp. 664-691.
- Allen A. P., Brown J. H., Gillooly J. F. 2002. Global biodiversity, biochemical kinetics, and the energy equivalence rule. Science 297: 1545-1548.
- Allen C. R., Forys E. A., Holling C. S. 1999. Body mass patterns predict invasions and extinctions in transforming landscapes. Ecosystems 2: 114-121.
- Arrhenius O. 1921. Species and area. J. Ecol. 9: 95-99.
- Askew R. R. 1980. The diversity of insect communities in leaf-mines and plant galls. J. Anim. Ecol. 49: 817-829.
- Askew R. R., Shaw M. R. 1986. Parasitoid communities: their size, struc-

ture and development. In: Waage J. K., Greathead D. J. (Ed.) Insect Parasitoids. 13th Symp. R. Entomol. Soc. Lond., London, pp. 225-264.

- Austin A. D. 1985. The function of spider egg-sacs in relation to prasitoids and predators, with special reference to the Australian fauna. J. Nat. Hist. 19: 359-376.
- Baarlen P. v., Sunderland K. D., Topping C. J. 1994. Egg-sac parasitism of money spiders (Araneae, Linyphiidae) in cereals, with a simple method for estimating percentage parasitism of Erigone spp. Egg-sacs by Hymenoptera. J. Appl. Ent. 118: 217-223.
- Bakker V. J., Kelt D. A. 2000. Scaledependent patterns in body size distributions of neotropical mammals. Ecology 81: 3530-3547.
- Basset Y., Kitching R. L. 1991. Species number, species abundance, and body length of arboreal arthropods associated with an Australian rainforest tree. Ecol. Entomol. 16: 391-402.
- Belgrano A., Allen A. P., Enquist B. J., Gillooly J. F. 2002. Allometric scaling of maximum population density: a common rule for marine phytoplankton and terrestrial plants. Ecology Letters 5: 611-613.
- Bell G. 2000. The distribution of abundance in neutral communities. Am. Nat. 155: 606-617.
- Bell G. 2001. Neutral macroecology. Science 293: 2413-2418.
- Bell G. 2002. Modeling macroscopic patterns in ecology, response to Enquist et al. Science 295: 1836-1837.
- Benson R. B. 1952. Hymenoptera Symphyta Tenthredinidae. Handb.

Ident. Br. Insects 6 (2b), London.

- Benson R. B. 1958. Hymenoptera Symphyta . Handb. Ident. Br. Insects 6 (2c), London.
- Berntson G. M., Stoll P. 1997. Correcting for finite spatial scales of selfsimilarity when calculating the fractal dimensions of real-world structures. Proc. R. Soc. Lond. B. 264: 1531-1537.
- Blackburn T. M., Gaston K. J. 2001. Linking patterns in macroecology. J. Anim. Ecol. 70: 338-352
- Blackburn T. M., Lawton J. H., Perry J. N. 1992. A method of estimating the slope of upper bounds of plots of body size and abundance in natural animal assemblages. Oikos 65: 107-112.
- Blackburn T. M., Gaston K. J. (Ed.) 2003. Macroecology: Concepts and Consequences. Blackwell Scientific Publications, Oxford.
- Bouček Z. 1988. Australasian Chalcidoidea (Hymenoptera). Cap International, Wallingford.
- Brose U, Brlow E. L., Jonsson T., Banasek-Richter C., Bersier F. L., Blanchard J L., Brey T., Carpenter S. R., Blandenier M.-F. C., Cohen J. E., Cushing L., Dawah H. A., Dell T., Edwards F., Harper-Smith S., Jacob U., Knapp R. A., Ledger M. E., Martinez N. D., Memmott J., Mintenbreck K., Pinnegar J. K., Rall B. C., Rayner T., Ruess L., Ulrich W., Warren P., Williams R. J., Woodward G. and Yodzis P. 2005. Empirical body sizes of consumers and their resources. Ecology 86: 2545-2546.
- Brose U., Martinez N. D., Williams, R. J. 2003. Estimating species richness: sensitivity to sample coverage and insensitivity to spatial patterns. Ecology 84: 2364-2377.
- Brown J. H. 1995. Macroecology. Univ. Press, Chicago.
- Brown J. H. 2004. Towards a metabolic

theory of ecology. Ecology 85: 1771-1789.

- Brown J. H., Nicoletto P. F. 1991. Spatial scaling of species composition: body masses of North American land mammals . Am. Nat. 138: 1478-1512.
- Brown J. H., Marquet P. A., Taper M. L. 1993. Spatial scaling of species composition: body masses of North American land mammals. Am. Nat. 142: 573-584.
- Brown J. H., West G. B. 1999. Scaling in Biology. Univ. Press, Oxord.
- Burnham K. P., Overton W. S. 1978. Estimation of the size of a closed population when capture probabilities vary among animals. Biometrika 65: 623-633.
- Burnham K. P., Overton W. S. 1979. Robust estimation of population size when capture probabilities vary among animals. Ecology 60: 927-936.
- Burrough P. A. 1983. Multiscale sources of spatial variation in soil
 I. The application of fractal concepts to nested levels of soil variation. J. Soil Sci. 34: 577-597.
- Büssenschütt M., Pahl-Wostl C. 2000. A discrete, allometric approach to the modeling of ecosystem dynamics. Ecol. Model. 126: 33-48.
- Carbone C., Gittleman J. L. 2002. A ommon rule for the scaling of carnivore density. Science 295: 2273-2276.
- Calder, W. A. 1984. Size, function, and life history. Harvard Univ. Press, Oxford.
- Carlson J. M., Doyle J. 1999. Highly optimized tolerance: a mechanism for power laws in designed systems. Phys. Rev. E 60: 1412-1427.
- Carlson J. M., Doyle J. 2000. Highly optimized tolerance: robustness and design in complex systems. Phys. Rev. Letters 84: 2529-2532.
- Carpenter J. C., Wheeler W. C. 1999.

Towards simultaneous analysis of morphological and molecular data in Hymenoptera. Zool. Scripta 28: 251-260.

- Carpenter J. M. 2000. On the higherlevel phylogeny of Hymenoptera (Insekta). Contr. 19th Ann. Meeting Intern. Willi Hennig Soc. Leiden.
- Chao A., Lee S. M. 1992. Estimating the number of classes via sample coverage. J. Am. Stat. Asso. 87: 210-217.
- Chao A., Lee S. M., Jeng S. L. 1992. Estimation of population size for capture-recapture data when capture probabilities vary by time and individual animal. Biometrics 48: 201-216.
- Charnov E. L. 1982. The theory of sex allocation. Univ. Press, Princeton.
- Charnov E. L., Haskell J., Ernest S. K. M. 2001. Density-dependent invariance, dimensionless life histories and the energy-equivalence rule. Evol. Ecol. Res. 3: 117-127.
- Chase, J. M., Leibold M. A. 2002. Spatial scale dictates the productivity– biodiversity relationship. Nature 416: 427-430.
- Chislenko L. L. 1981. Structure of Fauna and flora in relation to the size of organisms. Univ. Press, Moskau.
- Clarke A. 2004. Is there a universal temperature dependence of metabolism? Funct. Ecol. 18: 252-256.
- Cohen J. E., Jonsson T., Carpenter, S. 2003. Ecological community description using food web, species abundance, and body size. Poc. Natl. Acad. Sci. 100: 1781-1786.
- Connor E. F., Simberloff D. 1978. Species number and compositional similarity of the Galapagos flora and avifauna. Ecol. Monogr. 48: 219-248.
- Connor E. F., Simberloff D. 1979. The assembly of species communities:

chance or competition. Ecology 60: 1132-1140.

- Connor E. F., Simberloff D. 1983. Interspecific competition and species co-occurrence patterns on islands: null models and the evaluation of evidence. Oikos 41: 455-465.
- Connor E. F., Courtney A. C., Yoder J. M. 2000. Individuals - area relationships: the relationship between animal population density and area. Ecology 81: 734-748.
- Copland M. J. W., Askew R. R. 1977. An analysis of the chalcidoid (Hymenoptera) fauna of a sanddune system. Ecol. Ent. 2: 27-46.
- Cowley, M.J.R., Thomas, C.D., Wilson, R.J., León-Cortés, J.L., Gutiérrez, D. & Bulman, C.R. 2001. Density – distribution relationships in British butterflies. II. An assessment of mechanisms. J Anim Ecol. 70: 426-441.
- Crawley M. J., Harral J. E. 2001. Scale dependence in plant biodiversity. Science 291: 864-868.
- Cumming G. S., Havlicek T. D. 2002. Evolution, Ecology, and multimodal distributions of body size. Ecosystems 5: 705-711.
- Currie D. J. 1991. Energy and large scale patterns of animal and plant species richness. Am. Nat. 137: 27-49
- Currie D. J. 1993. What shape is the relationship between body mass and population density. Oikos 66: 353.
- Currie D. J., Fritz J. T. 1993. Global patterns of animal abundance and species energy use. Oikos 67: 56-68.
- Cyr H., Walker S. C. 2004. An illusion of mechanistic understanding. Ecology 85: 1802-1804.
- Dalla Torre, K. W. and Kieffer, J. J. 1910. Cynipidae. Das Tierreich 24. Berlin.

- Damuth J. 1981. Population density and body size in mammals. Nature 230: 699-700.
- Damuth J. 1987. Interspecific allometry of population density in mammals and other animals: the independence of body mass and population energy-use. Bio. J. Linn. Soc. 31: 193-246.
- De Beaumont J. 1964. Hymenoptera: Sphecidae. Insecta Helvetica Fauna 3, Lausanne.
- Den Boer P. J. 1981. On the survival of populations in a heterogeneous an variable environment. Oecologia 50: 39-53.
- Den Boer P. J. 1985. Fluctuations of density and survival of carabid populations. Oecologia 67: 322-330.
- Dessart P. 1988. *Aphanogmus goniozi* sp.n., hyperparasite d'un Béthylidé au Sri Lanka (Hymenoptera Ceraphronoidea Ceraphronidae). Bull. Annls. Soc. R. Belge. Ent. 124: 99-104.
- Dessart P. 1992. Revision d'Aphanogmus fulmeki Szelényi, 1940 (Hymenoptera, Ceraphronoidea, Ceraphronidae) avec remarques biologiques. Bull. Inst. R. Sci. nat. Belgique, Ent. 62: 83-91
- Dial K. P., Marzluff J. M. 1988. Are the smallest organisms the most diverse?. Ecology 69: 1620-1624.
- Diamond J. M. 1975. Assembly of species communities. In: Cody M. L., Diamond J. M. (Ed.) Ecology and Evolution of Communities. Harvard Press, Cambridge, pp. 342-444.
- Diamond J. M., Gilpin M. E. 1982. Examination of the 'null' model of Connor and Simberloff for species co-occurrences on islands. Oecologia 52: 64-72.
- Dierschke H., Song Y. 1982. Vegetationsgliederung und kleinräumige Horizontalstruktur eines submontanen Kalkbuchenwaldes. In: , Ed. Dierschke H. (Ed.) Struktur und

Dynamik von Wäldern. Rinteln, pp. 513-539.

- Dodds P. S., Rothman D. H., Weitz J. S. 2001 Re-examination of the '3/4-law' of metabolism. J. Theor. Biol. 209: 9-27.
- Dowton M., Austin A. D., Dillon N., Bartowsky E., 1997. Molecular phylogeny of the apocritan wasps: The Proctotrupomorpha and Evaniomorpha. Syst. Entomol. 22, 245-255.
- Dupré C. 2000. How to determine a regional species pool: a study in two Swedish regions. Oikos 89: 128-136.
- Eady, R. D., Quinlan, J. 1963. Hymenoptera Cynipoidea. Handb. Ident. Br. Insects 8 (1a). London
- Eghball B., Herghert W. G., Lesoing G.W., Ferguson R. B. 1999. Fractal analysis of spatial and temporal variability. Geoderma 88: 349-362.
- Elton C. S. 1946. Competition and the structure of ecological communities. J. Anim. Ecol. 15: 54-68.
- Enquist B. J., West G. B. Charnov E. L., Brown J. H. 2001. Allometric scaling of production and life-history variation in vascular plants. Nature 401: 907. 911.
- Enquist, B. J., Brown, J. H. & West, G. B. 1998. Allometric scaling of plant energetics and population density. Nature 395: 163. 165.
- Erdös J. 1955. Chalcidoidea I. Fauna Hungariae, Budapest.
- Erdös J. 1959. Calcidoidea II. Fauna Hungariae, Budapest.
- Erdös J. 1969. Eulophidae. Fauna Hungariae, Budapest.
- Eriksson D. 1993. The species pool hypothesis and plant community diversity. Oikos 68: 371-374.
- Espadaler X., Gomez C. 2002. The species body-size distribution in Iberian ants is parameter dependent. Vie et Milieu 52: 103-107.
- Etienne R. S., Olff H. 2004. How dispersal limitation shapes species. body

- Farlow J. O., Pianka E. R. 2002. Body size overlap, habitat paritioning and living space requirements of terrstrial vertebrate predators: implications for the palaeoecology of large theropod dinosaurs. Hist. Biol. 16: 21-40.
- Finch O.- D. 2001. Zönologische und parasitologische Untersuchungen an Spinnen (Arachnida, Araneae) niedersächsischer Waldstandorte. Dissertation Oldenburg.
- Felsenstein 2004. Inferring Phylogenies. Sinauer, Sunderland
- Fenchel T. 1974. Intrinsic rate of natural increase: the relationship with body size. Oecologia 14: 317-326.
- Fenchel T. 1993. There are more small than large species? Oikos 68: 375-378.
- Fergusson N. D. M. 1980. A revision of the British species of Dendrocerus Ratzeburg (Hymenoptera: Ceraphronoidea) with a review of their Bilogy as aphid hyperparasits. Bull. Br. Mus. (Nat. Hist.) 41: 255-314.
- Fesl C. 2002. Niche-orientated speciesabundance models: different approaches of their application to larval chironomid (Diptera) assemblages in a large river. Journal of Animal Ecology 71: 1085-1094.
- Fischer, M. 1972. Erste Gliederung der paläarktischen Aspilota-Arten (Hymenoptera, Braconidae, Alysiinae). Pol. J. Entomol. 42: 323-459.
- Fischer, M. 1973. Braconidae. Opiinae I. Das Tierreich 91. Berlin, New York.
- Fischer, M. 1976. Erste Nachweise von Aspilota-Arten im Burgenland (Hymenoptera, Braconidae, Alysiinae). Ann. Naturhist. Mus. Wien 80: 343-410.
- Fischer, M. 1996. Beitrag zur Kenntnis der Arten der Aspilota-Gattungsgruppe in Spanien

(Hymenoptera, Braconidae, Alysiinae, Alysiini). Linzer Zool. Beitr. 28: 659-673.

- Fisher A. G., Corbet S. A., Williams S. A. 1943. The relation between the number of species and the number of individuals in a random sample of an animal population. J. Anim. Ecol. 12: 42-58.
- Fitton M. G., Shaw M. R., Austin A. D. 1987. The Hymenoptera associated with spiders. Zool. J. Linn. Soc. 90: 65-93.
- Foley P. 1994. Predicting extinction times from environmental stochasticity and carrying capacity. Conserv. Biol. 8: 124-137.
- Foley P. 1997. Extinction models for local populations. In: Hanski I., M. Gilpin E. (Ed.) Metapopulation biology. Academic Press, San Diego etc., pp. 215-246.
- Frekleton R. P. 2000. Phylogenetic tests of ecological and evolutionary hypotheses: checking for phylogenetic independence. Funct. Ecol. 14: 129-134.
- Froese A. 1992. VergleichendUntersuchungen zur Biologie und Ökologie der Dipteren auf integriert und konventionell bewirtschafteten Feldern. Dissertation Univ. Giessen.
- Frontier S. 1985. Diversity and structure in aquatic ecosystems. In: Barnes M. (Ed.) Oceanography and marine biology. An annual review. Aberdeen, pp. 253-312. .
- Funke W. 1983. Arthropodengesellschaften mitteleuropäischer Wälder. Abundanz und Biomasse. Eklektorfauna. Verh. Ges. Ökol. 11: 111-129.
- Garbarczyk H. 1981. Tybelaki (Proctotrupoidea, Hymenoptera). Fragmenta Faunistica 26: 325-340.
- Gaston K. J. 1993. Comparing animals and automobiles: a vehicle for understanding body size and abun-

- Gaston K. J. 1993. Spatial patterns in the description and richness of the Hymenoptera. In: LaSalle J., Gauld I. D. (Ed.) Hymenoptera and Biodiversity. CAP International, Wallingford, pp. 277-293.
- Gaston K. J. 1996. The multiple forms of the interspecific abundance. distribution relationship. Oikos 76: 211-220.
- Gaston K. J., Blackburn T. M. 2000. Pattern and process in macroecology. Blackwell, Oxford.
- Gaston K. J., Chown S. L., Mercer, R. D. 2001. The animal species body size distribution of Marion Island. Proc. Natl. Acad. Sci. USA 98: 14493-14496.
- Gaston K. J., Curnutt J. L. 1998. The dynamics of abundance. range size relationships. Oikos 81: 38-44.
- Gaston K.J., Matter S.F. 2002. Individuals-area relationships: Comment. Ecology 83: 288-293.
- Gaston K., McArdle B. H. 1993. Measurement of variation in the size of populations in space and time: some points of clarification. Oikos 68: 357-360.
- Gauld, I. D., Bolton, B. (Ed.) 1988. The Hymenoptera. Br. Museum (Nat. Hist.) and Oxford Univ. Press.
- Gayon J. 2000. History of the concept of allometry. Am. Zool. 40: 748-758
- Gibson D. J., Ely J. S., Collins S. L. 1999. The core-satellite species hypothesis provides a theoretical basis for Grime's classification of dominant, subordinate, and transient species. Journal Ecol. 87: 1064-1067.
- Gilkeson L.A., McLean J.P. & Dessart P. 1993. Aphanogmus fulmeki Ashmead (Hymenoptera: Ceraphronidae), a parasitoid of Aphidoletes aphidimyza Rondani

(Diptera: Cecidomyiidae). Canadian Entomologist 125: 161-162.

- Gillooly J. F., Brown J. H., West G. B., Savage V. M., Charnov, E. L. 2001. Effects of size and temperature on metabolic rate. Science 293: 2248. 2251.
- Gillooly J. F., Charnov E. L., West G. B., Savage V. M., Brown J. H. 2002. Effects of size and temperature on developmental times. Nature 417: 70-73.
- Gillooly J. F., Allen A. P., West G. B., Bron J. H. 2005. The rate of DNA evolution: effects of body size and temperature on the molecular clock. Proc. Natl. Acad. Sci. 102: 140-145.
- Gilpin, M. E., Diamond, J. M. 1982. Factors contributing to non-randomness in species co-occurrences on islands. Oecologia 52: 75-84.
- Gleason H. A. 1922. On the relation between species and area. Ecology 3: 158-162.
- Godfray, H. C. J. 1993. Parasitoids: Behavioral and Evolutionary Ecology. Univ. Press, Princeton.
- Gomez C., Espadaler X. 2000. Species body size distribution and spatial sclae in Iberian ants. Vie et Milieu 50: 289-295.
- Gotelli N. J. 2000. Null model analysis of species co-occurrence patterns. Ecology 81: 2606-2621.
- Gotelli N. J. 2001. Research frontiers in null model analysis. Global Ecol. Biogeogr. Letters 10: 337-343.
- Gotelli N. J. 2002. Biodiversity in the scales. Nature 419: 575-576.
- Gotelli N. J., Graves G. R. 1996. Null Models in Ecology. Smithsonian Institution. Press, Washington D.C.
- Graham M. W. R. de V. 1969. The Pteromalidae of Northwestern Europe. Bull. Br. Mus. (Nat.-Hist.). Entomol. Suppl. 16. London.
- Graham M. W. R. De V. 1987. A reclassification of the European Tetras-

tichinae (Hymenoptera: Eulophidae), with a revision of certain genera. Bull. Br. Mus. Nat. Hist. Ent. 51: 1-392.

- Graham M. W. R. de V. 1991. A reclassification of the European Tetrastichinae (Hymenoptera: Eulophidae): revision of the remaining genera. Mem. Am. Entomol. Inst. 49: 1-322.
- Grochla R. 1984. Phänologische Untersuchungen zum Jahresrhythmus kolliner und submontaner Kalkbuchenwälder. Diplomarbeit Göttingen.
- Gunnarsson B. 1990. Vegetation structure and the abundance and size distribution of spruce-living spiders. J. Anim. Ecol. 59: 743-752.
- Gutiérrez D., Menéndez R. 1997. Patterns in the distribution, abundance and body size of carabid beetles (Coleoptera: Caraboidea) in relation to dispersal ability. J. Biogeogr. 24: 903-914.
- Gutiérrez D., Menéndez R., Méndez M. 2004. Habitat-based conservation priorities for carabid beetles within the Picos de Europa National park, northern Spain. Biol. Cons. 115: 379-393.
- Haeselbarth E. 1979. Zur Parasitierung der Puppen von Foreule (Panolis flammea (Schiff.)), Kiefernspanner (*Bupalus piniarius* (L.)) und Heidelbeerspanner (*Boarmia bistortana* (Goeze)) in bayerischen Kiefernwäldern. Z. Ang. Entomol. 87: 186-202; 311-322.
- Haldane J. B. S. 1928. Possible worlds and other papers. Harper, New York.
- Hamilton W. D. 1967. Extraordinary sex ratios. Science 156: 477-488.
- Hansen P. E., Gauld I. D. (Ed.) 1995. The Hymenoptera of Costa Rica. Oxford, Univ. Press.
- Hanski I. 1982. Dynamics of regional distribution: the core and satellite species hypothesis. Oikos 38:

210-221.

- Hanski I. 1999. Metapopulation Ecology. Univ. Press, Oxford.
- Hanski I., Kouki J., Halkka A. 1993. Three explanations of the positive relationship between distribution and abundance of species. In: R. Ricklefs E., Schluter D. (Ed.) Species Diversity in Ecological Communities. Univ. Press, Chicago, pp. 108-116.
- Harrison S. 1991. Local extinction in a metapopulation context: an empirical evaluation. Biol. J. Linnean Soc. 42: 73-88.
- Harrison S. D., Murphy D. D., Ehrlich P. 1988. Distribution of the bay checkerspot butterfly, Euphydryas editha bayensis: Evidence for a metapolpulation model. Am. Nat. 132: 360-382.
- Harte J., 2003. Ecology: Tail of death and resurrection. Nature 424: 1006-1007.
- Harte J., Kinzig, A. P., Green J. 1999. Self-similarity in the distribution and abundance of species. Science 284: 334-336.
- Harte J., Conlisk E., Ostling A., Green J. L., Smith A. B. 2005. A Theory of Spatial-Abundance and Species-Abundance Distributions in Ecological Communities at Multiple Spatial Scales. Ecol. Monogr.: im Druck.
- Haskell J.P., Ritchie M.E., Olff H. 2002. Fractal geometry predicts varying body size scaling relationships for mammal and bird home ranges. Nature 418: 527-530.
- Hastings H. M., Sugihara G. 1993. Fractals. A User's Guide for the Natural Sciences. Oxford Univ. Press.
- Havlicek T. D., Carpenter S. R. 2001. Pelagic species size distributions in lakes: are they discontinuous? Limnol. Oceanogr. 46: 1021-1033.
- Hawkins B. A. 1993. Pattern and Process in Host. Parasitoid Interac-

tions. Univ. Press, Cambridge.

- Hendriks A. J. 1999. Allometric scaling of rate, age and density parameters in ecological models. Oikos 86: 293-310.
- Hilpert H. 1989. Zur Hautflüglerfauna eines südbadischen Eichen-Hainbuchenmischwaldes. Spixiana 12: 57-90.
- Hochberg M. E. 2000. Parasitoid Population Biology. Univ. Press, Princeton.
- Holling C. S. 1992. Cross-scale morphology, geometry, and dynamics of ecosystems. Ecol. Monogr. 62: 447-502.
- Hölldobler B., Wilson E. O. 1990. The Ants. Univ. Press, Harvard.
- Hölldobler B., Wilson E. O. 1994. Journey to the Ants. Univ. Press, Harvard.
- Hooper D. U., Chapin III F. S., Ewel J. J., Hektor A., Inchausti P., Lavorel S., Lawton J. H., Lodge D. M., Moresu M., Najem S., Schmid B., Setälä H., Symstad A. J., Vandermeer J., Wardle D A. 2005. Effects of biodiversity on ecosystem functioning: a consensus of current knowledge. Ecol. Monogr. 75: 3-35.
- Horstmann K. 1970. Ökologische Untersuchungen über die Ichneumoniden (Hymenoptera) an der Nordseeküste Schleswig-Holsteins. Oecologia 4: 29-73.
- Horstmann K. 1985. Schlupfwespen der Familie Ichneumonidae (Hymenoptera) in Küstensalzwiesen Schleswig-Holsteins. Verh. Ges. Ökol. 13: 77-80.
- Horstmann K. 1988. Die Schlupfwespenfauna der Nordsee-Inseln Mellum und Memmert (Hymenoptera, Ichneumonidae). Drosera '88: 183-206.
- Horstmann K. 1992. Zur Zusammensetzung und Phänologie der Ichneumoniden-Zönose eines mediterranen Habitats in Südost-

Spanien (Hymenoptera). Zool. Beitr. 34: 157-166.

- Horstmann K. 2002. Bemerkungen zu einer Liste der aus Deutschland nachgewiesenen Ichneumonidae. NachrBl. Bayer. Ent. 51: 75-80.
- Horstmann K., Floren A., Linsenmair E. 1999. High species richness of Ichneumonidae (Hymenoptera) from the canopy of a Malaysian rain forest. Ecotropica 5: 1-12.
- Hövemeyer K. 1992. Die Dipterengemeinschaft eines Kalkbuchenwaldes: eine siebenjährige Untersuchung. Zool. Jb. Syst. 119: 225-260.
- Hövemeyer K. 1999. Abundance patterns in terrestrial dipteran communities. Pedobiologia 43: 28-43.
- Hövemeyer K. 1996. Die Dipterengemeinschaften eines Halbtrockenrasens und einer Hecke im südniedersächsischen Bergland: eine vergleichende Untersuchung. Drosera '96: 113-127.
- Hubbell S. P. 1997. A unified theory of biogeography and relative species abundance and ist application to tropical rain forest and coral reefs. Coral Reefs 16, Suppl.: S9-S21.
- Hubbell S. P. 2001. The unified theory of biogeography and biodiversity. University Press, Princeton.
- Hubbell S. P. 2005. Neutral theory in community ecology and the hypothesis of functional equivalence. Funct. Ecol. 19: 166-172.
- Hubbell S. P., Lake J. 2003. The neutral theory of biodiversity and biogeography, and beyond. In: Blackburn T. M, Gaston K. J. (Ed.) Macroecology: Concepts and Consequences. Blackwell, Oxford, pp. 45-63.
- Hutchinson G. E. 1959. Homage to Santa Rosalia, or why there are so many kinds of animals. Am. Nat. 93: 145-159.
- Hutchinson G. E., MacArthur R. H.1959. A theoretical ecological model of

- Janzen D. H., Pond C. M. 1975. A comparison, by sweep sampling, of the arthropod fauna of secondary vegetation in Michigan, England and Costa Rica. Trans. R. Ent. Soc. London 127: 33-50.
- Johnson N. F. 1992. Catalog of world Proctotrupoidea excluding Platygastridae. Mem. American Entomol. Inst. 51: 1-825.
- Kampichler C. 1999. Fractal concepts in studies of soil fauna. Geoderma 88: 283-300.
- Kaspari M. 2004. Using the metabolic theory of ecology to predict global patterns of abundance. Ecology 85: 1800-1802.
- Kasparyan D. R. 1996. Principal trends in the evolution of parasitism in Hymenoptera. Entomol. Oboz. 75: 756-789.
- Kasparyan, D. R. (Ed.) 1981. Keys to the insects of the European part of the USSR. III. Hymenoptera. Part 3 (I). Fauna SSSR 129. Leningrad
- Kasparyan, D.R. (Ed.) 1990. Keys to the insects of the European part of the USSR. III. Hymenoptera. Part 3 (I). Fauna SSSR 141. Leningrad.
- Kieffer J. J. 1914. Serphidae et Calliceratidae. Das Tierreich 42, Berlin.
- King B. H. 1987. Offspring sex ratios in parasitoid wasps. Quart. Rev. Biol. 62: 367-396.
- Kleiber M. 1932. Body size and metabolism. Hilgardia 6: 315-353.
- Kloet G. C., Hincks W. D. 1964. Small oders and Hemiptera. Check List Br. Insects 1. 2nd Ed., London.
- Klug B. 1965. Die Hymenopteren am Tuniberg, im Mooswald und Rieselfeld; eine vergleichend faunistisch-ökologische Untersuchung dreier extremer Biotope des südlichen Oberrheintals. Ber. Naturfr. Ges. 55: 5-225.
- Kneitel J. M., Chase J. M., 2004. Tradeoffs in community ecology: linking

spatial scales and species coexistence. Ecol. Lett. 7: 69-80.

- Knouft J. H., Page L. M. 2003. The evolution of body size in extant groups of North American freshwater fishes: speciation, size distributions, and Cope's rule. Am. Nat. 161: 413-421.
- König R. 1969. Zur Ökologie und Systematik der Braconiden der Nordseeküste Schleßwig-Holsteins (Hymenoptera, Braconidae). Dissertation Kiel.
- Königsmann E. 1976. Das phylogenetische System der Hymenoptera. Teil 1: Einführung, Grundplanmerkmale, Schwestergruppe und Fossilfunde. Dtsch. Ent. Z. N.F. 23: 253-279.
- Königsmann E. 1977. Das phylogenetische System der Hymenoptera. Teil 2: Symphyta. Dtsch. Ent. Z. N.F. 24: 1-40.
- Königsmann E. 1978a. Das phylogenetische System der Hymenoptera. Teil 3: Terebrantes (Unterordnung Apocrita). Dtsch. Ent. Z. N.F. 25: 1-55.
- Königsmann E. 1978b. Das phylogenetische System der Hymenoptera. Teil 4: Aculeata (Unterordnung Apocrita). Dtsch. Ent. Z. N.F. 25: 365-435.
- Kotze D.J., Niemelä J., O'Hara R.B., Turin H. 2003. Testing abundancerange size relationships in European carabid beetles (*Coleoptera: Carabidae*). Ecography 26: 553-566
- Kozlov M.A., Kononova S.V. 1990. Hymenoptera, Scelionidae, Scelioninae. Fauna SSSR 161. Leningrad.
- Kozlowski J., Weiner J. 1997. Interspecific allometries are byproducts of body size optimization. Am. Nat. 149. 352-380.
- Kozłowski J. 1996. Optimal initial size and adult size of animals: consequences for macroevolution and community structure. Am. Nat.

147: 101-114.

- Kozłowski J., Gawelczyk A. T. 2002. Why are species' body size distributions usually skewed to the right? Funct. Ecol. 16: 419-432.
- Kozłowski J., Konarczewski M. 2004. Is West, Brown and Enquist's model of allometric scaling mathematically correct and biologically relevant? Funct. Ecol. 18: 283-289.
- Kristensen N. P. 1981. Phyogeny of insect orders. Annu. Rev. Etomol. 26: 135-157
- Kristensen N. P. 1991. Phylogeny of extant hexapods. In: CSIRO (Ed.) The insects of Australia. Cornell Univ. Press, Ithaca, pp. 125-140.
- Kruess A., Tscharntke T. 2000a. Effects of habitat fragmentation on plantinsect communities. In: Ekbom B., Irwin M., Robert Y. (Ed.) Interchange of insects between agricultural and surrounding landscapes. Kluwer, Acad. Press, pp. 53-71.
- Kruess A., Tscharntke T. 2000b. Species richness and parasitism in a fragmented landscape: experiment and field studies with insects on Vicia sepium. Oecologia 122: 129-137.
- Kruess A., Tscharntke T. 2002. Contrasting responses of plant and insect diversity to variation in grazig intensity. Biol. Cons. 106: 293-302.
- Kunin W. E. 1998. Extrapolating species abundance across spatial scales. Science 281: 1513-1515.
- Kutter H. 1977. Hymenoptera: Formicidae. Insecta Helvetica Fauna 6, Zürich.
- Labandera C. C., Phillips T. L. 1996. A carboniferous insect gall: insight into early ecologic history of the Holometabola. Proc. Natl. Acad. Sci USA 93: 8470-8474
- Labandera C. C., Sepkoski J. J. 1993. Insect diversity in the fossil record. Science 261: 310-315.
- LaSalle J., Gauld I. D. (Ed.) 1993. Hy-

menoptera and Biodiversity. CAP International, Wallingford.

- Lawton J. H. 1989. What is the relationship between population density and body size in animals. Oikos 55: 429-434.
- Lawton J. H. 1990. Species richness and population dynamics of animal assemblages. Patterns in body size: abundance space. Phil. Trans. R. Soc. Lond. B 330: 283-291.
- Leps J. 1993. Taylor's power law and the measurement of variation in the size of populations in space and time. Oikos 68: 349-356.
- Lloyd M. 1967. Mean crowding. J. Anim. Ecol. 36: 1-30.
- Loder N. 1997. Insect species. body size distributions. Dissertation Sheffield.
- Lomolino M. V. 2000. Ecologist's most general, yet protean pattern: the species - area relationship. J. Biogeogr. 27: 17-26.
- Loreau M., Naeem S., Inchausti P. (Ed.) 2002. Biodiversity and ecosystem functioning: synthesis and perspectives. Univ. Press, Oxford.
- Loreau M., Naeem S., Inchausti P., Bengtsson J., Grime J. P., Hector A., Hooper D. U., Huston A. A., Raffaelli D., Schmid B., Tilman D., Wardle D. A. 2001. Biodiversity and ecosystem functioning: current knowledge and future challenges. Science 294: 804-809.
- MacArthur R. H. 1957. On the relative abundance of bird species. Proc. Nat. Acad. Science 43: 293-294.
- MacArthur R. H. 1960. On the relative abundance of species. Am. Nat. 94: 25-36.
- MacArthur R. H., Wilson E. O. 1963. An equilibrium theory of insular zoogeography. Evolution 17: 373-387.
- Magurran A. E. 1988. Ecological diversity and its measurement. Princeton Univ. Press.

Magurran A. E. 2003. Measuring Biological Diversity. Maldan, Blackwell Publishers.

- Magurran A. E., Henderson P. A. 2003. Explaining the excess of rare species in natural species abundance distributions. Nature 422: 714-716.
- Mandelbrot B. B. 1983. The Fractal Geomerty of Nature. Freemann, New York.
- Manly B. F. 1995. A note on the analysis of species co-occurrences. Ecology 76: 1109-1115.
- Marquet P. A., Labra F. A., Maurer B. A. 2004. Metabolic theory: linking individuals to ecosystems. Ecology 85: 1794-1796.
- Marquet P. A., Navarrete S. A., Castilla J. C. 1995. Body size, population density, and the energetic equivalence rule. J. Anim. Ecol. 64: 325-332.
- Maurer B. A., Brown J. H. 1988. Distribution of energy use and biomass among species of North American terrestrial birds. Ecology 69: 1923-1932.
- Maurer B. A., Brown J. H., Rusler, R. D. 1992. The micro and macro in body size evolution. Evolution 46: 939-953.
- May R. M. 1978. The dynamics and diversity of insect faunas. In: Mound L.A., Waloff N. (Ed.) Diversity of insect faunas. Univ. Press, Oxford, pp. 188-204.
- May R. M. 1986. The search for patterns in the balance of nature: advances and retreats. Ecology 67: 1115-1126.
- May R.M. 1975. Patterns of species abundance and diversity. In: Cody M.L. und Diamond J.M. (Ed.), Ecology and evolution of communities, Belknap, Cambridge, pp. 81-120.
- McArdle B. H., Gaston K. J. 1995. The temporal variability of densities: back to the basics. Oikos 74: 165-171.

- McArdle B. H., Gaston K. J., Lawton J. H. 1990. Variation in the size of animal populations: patterns, problems and artifacts. J. Anim. Ecol. 59: 439-454.
- McKane A. J., Alonso D., Solé R., 2000. A mean field stochastic theory for species rich assembled communities. Phys. Rev. Lett. E 62: 8466-8484.
- McKinney M. L. 1990. Trends in body size evolution. In: McNamara K. C. (Ed.) Evolutionary trends. Univ. Arizona Press, Tucson, pp. 75-118.
- Mercet R. G. 1921. Himenopteros. Fam Encirtidos. Madrid.
- Morse D. R., Lawton J. H., Dodson M. M., Williamson M. H. 1985. Fractal dimension of vegetation and the distribution of arthropod body lengths. Nature 314: 731-733.
- Motomura I. 1932. On the statistical treatment of communities. Zool. Mag. Tokyo 44: 379-383.
- Moulliot D., Lepretre A., Andrei-Ruiz M.-C., Viale D. 2000. The fractal model: an new model to describe the species accumulation process and relative abundance distribution (RAD). Oikos 90: 333-342.
- Muche W. 1974. Die Nematinengattungen Pristiphora, Pachynematus Konow und Nematus Panzer. Deutsch. Ent. Zschr., N.F. 21: 1-137.
- Muche W. H. 1968-1970. Die Blattwespen Deutschlands I. IV - Tenthredinidae. Ent. Abhandl. Staatl. Mus. Tierk. Dresden 36: Supplement.
- Muche W. H. 1977. Die Blattwespen Mitteleuropas. Die Gattungen Nematinus Rohw., Euura Newm. Und Croesus Leach (Nematinae) sowie Heterarthrus Steph. (Heterarthrinae)(Hymenoptera, Nematinae et Heterarthrinae). Die Argidae von Europa, Vorderasien und Nordafrika (mit Ausnahme der

Gattung Aprosthema) (Hymenoptera Symphyta). Ent. Abh. Staatl. Mus. Tierk. Dresd. 41: Supplement.

- Nauenburg J. D. 1980. Die Vegetationsgliederung des Drakenberges bei Göttingen. Unpubl. Diplomwork Göttingen.
- Nee S., Cotgreave P. 2002. Does the species /area relationship account for the density/area relationship? Oikos 99: 545-551.
- Nee S., Stone G., 2003. The end of the beginning for neutral theory. TREE: 18: 433-434.
- Neerup-Buhl P. N. 1998. Proctotrupoidea (Hymenoptera) from different habitats at the Mols Laboratory area, Jutland, Denmark. Natura Jutlandica 23: 79-90.
- Nicol C. M. Y., Mackauer M. 1999. The scaling of body size and mass in a host-parasitoid association: Influence of host species and stage. Entomol. Exp. Appl. 90: 83-92.
- Niklas K. J. 1994. Plant allometry. Univ. Press, Chicago.
- Nixon G. E. J. 1957. Hymenoptera. Proctotrupoidea. Diapriidae. Subfamily Belytinae. Handb. Ident. Br. Insects 8, Part 3 (dii). London.
- Nixon G. E. J. 1980. Hymenoptera. Proctotrupoidea. Diapriidae (Diapriinae). Handb. Ident. Br. Insects 8, Part 3 (di). London.
- Noskiewicz J. 1936. Die Palearktischen Colletes-Arten. Lemberg.
- Novotny V., Kindlmann P. 1996. Distribution of body sizes in arthropod taxa and communities. Oikos 75: 75-82.
- Novotny W., Drozd P. 2001. Sampling error can cause false rejection of the core-satellite species hypothesis. Oecologia 126: 360-362.
- Nummelin M. 1998. Log-normal distribution of species abundances is not a universal indicator of rain forest disturbance. J. Appl. Ecol. 35: 454-457.

- Oatman E. R. 1985. Aphanogmus floridanus, a primary parasite of Feltiella acarivira, a predator of spider mites on strawberry (Hymenoptera: Ceraphronidae; Diptera: Cecidomyiidae). Proc. Ent. Soc. Wash. 87: 714-716.
- Olff H., Ritchie M. E., Prins H. H. T. 2002. Global environmental controls of diversity in large herbivores. Nature 415: 901-904.
- Ollik M., Ulrich W. 2004. Shapes of local relative abundance distributions and the degree of anthropogenic influence. Verh. Ges. Ökol. 34: 62.
- Orme C. D. L., Quicke D. L. J., Cook J. M., Purvis A. 2002. Body size does not predict species richness among the metazoan. J. Evol. Biol. 15: 235-247.
- Owen D. F., Svensson B. W. 1974. Massive species diversity in a sample of Ichneumonidae (Hym.) in Southern Sweden. Ent. Scand. 5: 289-290.
- Pelletier J. D. 1999. Species area relation and self-similarity in a biogeographical model of speciation and extinction. Phys. Rev. Letters 82: 1983-1986.
- Peters R. H. 1983. The ecological implications of body size. Cambridge Univ. Press.
- Poulin R., Morand S. 1997. Parasite body size distributions: Interpreting patterns of skewness. Int. J. Parasitol. 27: 959-964.
- Preston F. W. 1948. The commonness and rarity of species. Ecology 29: 254-283.
- Preston F. W. 1960. Time and space and the variation of species. Ecology 41: 611-627.
- Preston F. W. 1962. The canonical distribution of commonness and rarity. Part I and II. Ecology 43: 185-215, 410-432.
- Preston F. W. 1980. Non-canonical distributions of commonness and rar-

ity. Ecology 61: 88-97.

- Pschorn-Walcher H. 1956. Aphanogmus nigrifornicatus nov.spec. (Proctotrupoidea, Ceraphronidae) ein Parasit der räuberisch an Adelgiden lebenden Gallmückenlarven von Aphidoteles thompsoni Moehn. Mitt. Schw. Ent. Ges. 29: 353-362.
- Purvis A., Agapow P.-M., Gittleman J. L., Mace, G. M., 2000b. Nonrandom extinction and the loss of evolutionary history. Science 288, 328-330.
- Purvis A., Gittleman J. L., Cowlishaw G., Mace, G. M., 2000a. Predicting extinction risk in declining species. Proc. R. Soc. Lond. B 267, 1947-1952.
- Quicke D. L. J. 1997. Parasitic Wasps. Chapman & Hall, London.
- Quinlan, J. 1978. Hymenoptera Cynipoidea Eucoilidae. Handb. Ident. Br. Insects 8 (1c), London.
- Raffaelli D., Hall S., Emes C., Manly B. 2000. Constraints on body size distributions: an experimental approach using a small-scale system. Oecologia 122: 389-398.
- Rasnitsyn A. P. 1980. Origin and evolution of hymenopterous insects. Trudy Palaeontol. Inst. Akad. Nauk SSSR 174: 1-191.
- Ritchie M. E., Olff H. 1999. Spatial scaling laws yield a synthetic theory of biodiversity. Nature 400: 557-560.
- Ronquist F. 1999. Phylogeny of the Hymenoptera (Insecta): The state of the art. Zool. Scripta 28: 3-11.
- Rosenzweig M. L. 1995. Species diversity in space and time. University Press, Cambridge.
- Rosenzweig M. L. 1998. Preston's ergodic conjecture: the accumulation of species in space and time. In: Mc Kinney, M. L., Drake, J. A. (Ed.) Biodiversity dynamics: Turnover of populations, taxa, and communities. Univ. Press, Washington, pp. 311-348.

- Ruel J. J., Ayres M. P. 1999. Jensen's inequality predicts effects of environmental variation. Trends Ecol. Evol. 14: 361-366.
- Russell G. J., Brooks T. M., McKinney M. M., Anderson, C. G. 1998. Taxonomic selectivity in bird and mammal extinctions. Conserv. Biol. 12: 1365-1376.
- Savage V. M., Gillooly J. F., Woodruff W. H., West G. B., Allen A. P., Enquist B. J., Brown J. H. 2004a. The predominance of quarter-power scaling in biology. Funct. Ecol. 18: 257-282.
- Savage M., Gillooly J. F., Brown J. H., West G. P., Charnov E. L. 2004b. Effects of body size and temperature on population growth. Am. Nat. 163 429-441.
- Schaefer M. 1990. The soil fauna of a beech forest on limestone: trophic structure and energy budget. Oecologia 82: 128-136.
- Schaefer M. 1991a. Fauna of the European temperate deciduous forest.
 In: Röhrig E., Ulrich B. (Ed.) Temperate deciduous forests. Ecosystems of the world 7, Amsterdam, pp. 503-525.
- Schaefer M. 1991b. The animal community: diversity and resources. In: Röhrig E., Ulrich B. (Ed.) Temperate deciduous forests. Ecosystems of the world 7, Amsterdam, pp. 51-120.
- Schaefer M., Scheu S. 1996. Animaloriented ecosystem research. the importance of long-term studies. Verh. Dtsch. Zoolog. Ges. 89:189-203.
- Scharf S. F., Juanes F., Sutherland M. 1998. Inferring ecological relationships from the edges of scatter diagrams: comparisons of regression techniques. Ecology 79: 448-460.
- Schmidt-Egger C., Mandery K. 2005. Verbreitungsatlas und Datenbank der Bienen und Wespen Deutsch-

- Schmidt-Nielsen K. 1984. Scaling: why is animal size so important? Univ. Press, Cambridge.
- Schmitt G. 2003. Zönosen der Hymenptera Parasitica Familien und der Chalcidoidea Genera verschiedener Agroökosysteme des Biospäphrenreservates "Schorfheide Chorin". Mitt. Dtsch. Allg. Ges. Angew. Ent. 14: 217-222.
- Schmitt G. 2004. Die Parasitoidengemeinschaft (Hymenoptera) in einer Agrarlandschaft: Effekte von Nutzungstypen und Bewirtschaftungsmaßnahmen auf struturelle Paramters. Dissertation TU Dresden.
- Schmitt G., Roth M. 2001. Die Hymenoptera Parasitica als Indikatoren verschiedener Landnutzungstypen der offenen Kulturlandschaft Norostdeutschlands. Mitt. Dtsch. Allg. Angew. Ges. Ent. 13: 591-594.
- Schmitt G., Roth M. 2002. Hymenoptera parasitica communities of agroecosystem types in Northeast Germany. In: Melik G., Thuróczy C. (Ed.) Parasitic wasps: evolution, systematics, biodiversity and biological control. Agrionform, Budapest, pp. 306-312.
- Schoener T. W., Janzen D. H. 1968. Notes on environmental determinants of tropical versus temperate insect size patterns. Am. Nat. 102: 207-224.
- Schwartz M. W., Simberloff, D., 2001. Taxon size predicts rates of rarity in vascular plants. Ecol. Letters 4: 464-469.
- Sheldon R. A., Prakash A., Sutcliffe Jr. W. H. 1972. The size distribution of particles in the ocean. Limnology and Oceanography 17: 327-340.

Silvermann B. W. 1986. Density estima-

tion for statistics and data analysis. Chapman & Hall, New York.

- Simberloff D. 1970. Taxonomic diversity of island biomas. Evolution 24: 23-47.
- Smith F. A. et al. 2004. Similarity of Mammalian body size across the taxonomic hierarchy and across space and time. Am. Nat. 163: 672-691.
- Solé R. V., Alonso D., McKane A. J., 2000. Scaling in a network model of a multispecies ecosystem. Physica A 286: 337-344.
- Solé R. V., Manrubia S. C., Benton M., Kauffman S., Bak P. 1999. Criticality and scaling in evolutionary ecology. Trends Ecol. Evol. 14: 156-160.
- StatSoft, Inc. 2005. STATISTICA (data analysis software system), version 7.1. www.statsoft.com.
- Steinborn H. A., Meyer H. 1994. Der Einfluss alternativer und konventioneller Landwirtschaft auf die Prädatorenfauna in Agrarsystemen in Schleßwig-Holstein. Faun. Ökol. Mitt. 6: 409-438.
- Sterner R. W. 2004. A one resource "stoichiometry"? Ecology 85: 1813-1816.
- Stork N. E. 1987. Guild structure of arthropods from Bornean rain forest trees. Ecol. Entomol. 12: 69-80.
- Stork N. E. 1991. The composition of the arthropod fauna of Bornean lowland rain forest trees. J. Trop. Ecol. 7: 161-180.
- Stork N. E., Adis J. A., Didham R. K. (Eds) 1997. Canopy arthropods. Chapman & Hall, New York.
- Stork N. E., Blackburn T. M. 1993. Abundance, body size and biomass of arthropods in tropical forest. Oikos 67: 483-489.
- Strayer D. 1986. The size structure of a lacustrine zoobenthic community. Oecologia 69: 513-515.
- Strong D. R. 1986: Exorcising the ghost of competition past: phytophagous

insects In: Strong D. R., Simberloff D. S., Abele L. G., Thistle A. B. (Ed.) Ecological Communities: Conceptual Issues and the Evidence. Univ. Press, Princeton, pp. 28-41.

- Strong D. R., Szyska L. A., Simberloff D. S. 1979. Tests of community wide character displacement against null hypothesis. Evolution 33: 897-913.
- Sugihara G. 1980. Minimal community structure: an explanation of species abundance patterns. Am. Nat. 116: 770-787.
- Tabachnick B. G., Fidell L. S. 1996. Using multivariate statistics. 3rd Ed. Harper Collins, New York.
- Taylor L. R. 1961. Aggregation, variance and the mean. Nature 332: 721-722.
- Taylor L. R., Woiwod I. P. Perry J. N. 1980. Variance and the large scale spatial stability of aphids, moths and birds. J. Anim. Ecol. 49: 831-854.
- Thiede U. 1975. Untersuchungen über die Arthropodenfauna in Fichtenforsten. Thesis Göttingen.
- Thiede U. 1977. Untersuchungen über die Arthropodenfauna in Fichtenforesten (Populationsökologie, Energieumsatz). Zool. Jahrb. Syst. 104: 137-202.
- Thöle R., Meyer B. 1979. Bodengenetische und ökologi-sche Analyse eines Repräsentativ-Areals der Göttinger Muschelkalkscholle als landschaftsökologische Planungsgrundlage. Gött. Bodenkundl. Ber. 59: 1-235.
- Thomas L. 1996. Monitoring long-term population change: why are there so many analysis methods. Ecology 77: 49-58.
- Tilman D. 1999a. Diversity and production in European grasslands. Science 286: 1099-1100.
- Tilman D. 1999b. The ecological consequences of changes in biodiver-

sity: a search for general principles. Ecology 80: 1455-1474.

- Tilman D., Lehman C. L., Thomson K. T. 1997. Plant diversity and ecosystem productivity: theoretical considerations. Proc. Natl. Acad. Sci. 94: 1857-1861.
- Tilman D., Lambert J. H. R., Harpole S., Dybzinski R., Fargione J., Clarke C., Lehman C. 2004. Does metabolic theory apply to community ecology? It's a master of scale. Ecology 85: 1797-1799.
- Tobias V. I., Zinoviev, A. G. 1988. Keys to the insects of the European part of the USSR. III. Hymenoptera. Fauna SSSR 158. Leningrad.
- Tobias V. I. (Ed.) 1978. Keys to the insects of the European part of the USSR. III. Hymenoptera. Part. 1.. Fauna SSSR119. Leningrad
- Tobias V. I. (Ed.) 1986a. Keys to the insects of the European part of the USSR. III. Hymenoptera, Part. 4. Fauna SSSR 145. Leningrad
- Tobias V. I. (Ed.) 1986b. Keys to the insects of the European part of the USSR. III. Hymenoptera, Part. 5. Fauna SSSR 147. Leningrad
- Tokeshi M. 1990. Niche apportionment or random assortment: species abundance patterns revisited. J. Animal Ecol. 59: 1129-1146.
- Tokeshi M. 1993. Species abundance patterns and community structure. Adv. Ecol. Res. 24: 111-186.
- Tokeshi M. 1996. Power fraction: a new explanation of relative abundance patterns in species-rich assemblages. Oikos 75: 543-550.
- Tokeshi M. 1999. Species coexistence. Blackwell, Oxford.
- Townes H. 1977. A revision of the Heloridae. Contr. Am. Ent. Inst. 15: 1-12.
- Townes H., Townes M. 1981. Revision of the Serphidae. Mem. Am. Entomol. Inst. 32: 1-541.

- Tryapitsyn V.A. (Ed.) 1978. Keys to the insects of the European part of the USSR. III. Hymenoptera. Part 2. Fauna SSSR 120. Leningrad
- Tryapitsyn V.A. 1989. Encyrtidae (Hymenoptera) of the Palearctic. Fauna SSSR 157. Leningrad
- Tscharntke T., Vidal S., Hawkins B. A. 2001. Parasitoids of rass feeding chalcid wasps: a comparison of German and British communities. Oecologia 129: 445-451.
- Turin H., Den Boer P. J. 1988. Changes in the distribution of carabid beetles in The Netherlands since 1880. II. Isolation of habitats and long-term time trends in th occurrence of carabid species with different powers of dispersal (Coleoptea, Carabidae). Biol. Conserv. 44: 179-200.
- Ugland K. I., Gray J. S. 1982. Lognormal distributions and the concept of community equilibrium. Oikos 39: 171-178.
- Ulrich W. 1985. Hymenopteren in einem Kalkbuchenwald: Artenspektrum, Phänologie und Wirtsbeziehungen. Diplomarbeit Göttingen.
- Ulrich W. 1987a. Wirtsbeziehungen der parasitoiden Hautflügler in einem Kalkbuchenwald (Hymenoptera). Zool. Jb. Syst. 114: 303-342.
- Ulrich W. 1987b. Parasitoide und ihre Wirte in einem Kalkbuchenwald: Vergleiche zwischen den Artenzahlen. Mitt. Dtsch. Ges. Allg. Ang. Entomol. 5: 36-39.
- Ulrich W. 1988. Welche Faktoren beeinflussen die Populationen und die Strukturen der Gemeinschaften von bodenlebenden parasitoiden Hymenopteren in einem Buchenwald. Dissertation Göttingen.
- Ulrich W. 1989. Parasitoidgilden des Göttinger Waldes: Zahl der Arten, Populationsschwankungen und Aggregation. Verhandl. Ges. Ökol. 17: 299-306.
- Ulrich W. 1998a. The parasitic Hymen-

optera in a beech forest on limestone I: species composition, species turnover, abundance and biomass. Polish J. Ecol. 46: 261-289.

- Ulrich W. 1998b. The parasitic Hymenoptera in a beech forest on limestone II: study of the sex ratios and their dependence on ecological factors. Polish J. Ecol. 46: 291-310.
- Ulrich W. 1998c. The parasitic Hymenoptera in a beech forest on limestone III: the role of leaf litter for the parasitoid species. Polish J. Ecol. 46: 311-326.
- Ulrich W. 1999a. Phenology and life cycles of the parasitic Hymenoptera of a dry meadow on limestone. Pol. J. Entomol. 68: 383-405.
- Ulrich W. 1999b. The Hymenoptera of a dry meadow on limestone: species composition, abundance and biomass. Polish J. Ecol. 46: 29-47.
- Ulrich W. 1999c. Species composition, coexistence and mortality factors in a carrion-exploiting community composed of necrophagous Diptera and their parasitoids (Hymenoptera). Polish J. Ecol. 46: 49-72.
- Ulrich W. 1999d. Abundance, biomass and density boundaries in the Hymenoptera: analysis of the abundance - body size relationship and differences between forest and open landscape habitats. Polish J. Ecol 47: 73-86.
- Ulrich W. 1999e. The density size and the biomass - weight distribution is generated by the species - size distribution together with density fluctuations: evidence from model species distributions in the Hymenoptera. Polish J. Ecol 47: 87-101.
- Ulrich W. 1999f. Morphology and ecology in the parasitic Hymenoptera: analysis of three morphological parameters and their relationship to ecological factors. Polish J. Ecol

47: 117-133.

- Ulrich W. 1999g. The numbers of species of Hymenoptera in Europe and assessment of the total number of Hymenoptera in the world. Polish J. Entomol. 68: 151-164.
- Ulrich W. 1999h. Temporal stability of community structure of the parasitic Hymenoptera in a beech forest on limestone. Pol. J. Ecol. 47: 257-270.
- Ulrich W. 1999i. Regional and local faunas of Hymenoptera. Polish J. Entomol. 68: 217-230.
- Ulrich W. 1999j. Phenology, stratification and life cycles of the parasitic Hymenoptera in a beech forest on limestone. Pol. J. Entomol. 68: 231-257.
- Ulrich W. 1999k. Ecological and morphological factors shaping communities of parasitic Hymenoptera -Habilitationsschrift, Thorn.
- Ulrich W. 1999I. Estimating species numbers by extrapolation I: Comparing the performance of various estimators using large model assemblages. Pol. J. Ecol. 47: 271-291.
- Ulrich W. 2000a. Parasitic Hymenoptera and their hosts in a beech forest on limestone: dependence on biotic and abiotic factors. Pol. J. Entomol. 69: 1-11.
- Ulrich W. 2000b. Influence of weather conditions on populations of parasitic Hymenoptera in a beech forest on limestone. Pol. J. Entomol. 69: 47-64.
- Ulrich W. 2000c. Niche segregation and coexistence of parasitic Hymenoptera of the A*spilota* genus group (Hymenoptera, Braconidae) in a beech forest on limestone. Pol. J. Ecol. 48: 225-238.
- Ulrich W. 2001a. Hymenopteren in einem Kalkbuchenwald: Eine Modellgruppe zur Untersuchung von Tiergemeinschaften und ökologischen Raum-Zeit-Mustern.

Schriftenr. Forschzentr. Waldökosysteme A 1711-249.

- Ulrich W. 2001b. Estimating species numbers by extrapolation: a cautionary note. Pol. J. Ecol. 49: 299-305.
- Ulrich W. 2001c. Spatial scaling laws and weight dependent distributions in guilds of Diptera and parasitic Hymenoptera. Pol. J. Ecol. 49: 59-66.
- Ulrich W. 2001d. On the scale dependence of evenness. Pol. J. Ecol. 49: 91-94.
- Ulrich W. 2001e. Relative abundance distributions of species: The need to have a new look at them. Pol. J. Ecol. 49: 393-407.
- Ulrich W. 2001f. Differences in temporal variability and extinction probabilities between species of guilds of parasitic Hymenoptera. Pol. J. Entomol. 70: 9-30.
- Ulrich W. 2001g. Ecological characteristics of rare species: the case of parasitic Hymenoptera. Pol. J. Ecol. 49: 379-389.
- Ulrich W. 2001h. Models of relative abundance distributions II: diversity and evenness statistics. Pol. J. Ecol. 49: 159-175.
- Ulrich W. 2001i. Models of relative abundance distributions I: model fitting by stochastic models. Pol. J. Ecol. 49: 145-157.
- Ulrich W. 2002a. PatchOccupancy. a FORTRAN program for the study of species spatial distributions. www.uni.torun.pl/~ulrichw
- Ulrich W. 2002b. RAD. a FORTRAN program for the study of relative abundance distributions. www.uni.torun.pl/~ulrichw
- Ulrich W. 2003a. Sample. a FORTRAN program for taking series of random samples from populations. www.uni.torun.pl/~ulrichw.
- Ulrich W. 2003b. NeutralCom. a FOR-TRAN program for generating neu-

- Ulrich W. 2004a. Soil-living parasitic Hymenoptera: comparison between a forest and an open landscape habitat. Pedobiologia 48: 59-69.
- Ulrich W. 2004b. Allometric ecological distributions in a local community of Hymenoptera. Acta Oecologica 25: 179-186.
- Ulrich W. 2004c. Neutral macroecology. ecology without biology? Ecol. Quest. 4: 113-126.
- Ulrich W. 2004d. Modelling Biology. Basic applications of mathematics and statistics in the biological sciences. Part II. Data analysis and statistics. Vorlesungsskript 132 S. www.uni.torun.pl/~ulrichw.
- Ulrich W. 2004e. Species cooccurrences and neutral models: reassessing J. M. Diamond's assembly rules. Oikos 107: 603-609.
- Ulrich W. 2005a. Body size distributions of European Hymenoptera. Oikos: submitted.
- Ulrich W. 2005b. Structure: a FOR-TRAN program for ecological ratio analysis. www.uni.torun.pl/ ~ulrichw.
- Ulrich W. 2005c. ComStruc: a FOR-TRAN program for ecological pattern analysis. www.uni.torun.pl/ ~ulrichw.
- Ulrich W. 2005d. Random: a FORTRAN program for generating random matrices. www.uni.torun.pl/ ~ulrichw.
- Ulrich W. 2005e. Regional species richness of families and the distribution of abundance and rarity in a local community of forest Hymenoptera. Acta Oecol.: Im Druck.
- Ulrich W., Buszko J. 2003a. Species. area relationships of butterflies in Europe and species richness forecasting. Ecography 26: 365-374.
- Ulrich W., Buszko J. 2003b. Selfsimilarity and the species. area

relation of Polish butterflies. Basic Appl. Ecol. 4: 263-270.

- Ulrich W., Buszko J. 2004. Habitat reduction and patterns of species loss. Basic Appl. Ecol. 5: 231-240.
- Ulrich W., Buszko J. 2005. Detecting biodiversity hotspots using species. area and endemics. area relationships: The case of butterflies. Biodiv. Conserv. 14:1977-1988.
- Ulrich W., Ollik M. 2003 The internet database of relative abundance distributions http://www.uni.torun.pl/~ulrichw/RADDatabase/ RADDatabase.htm
- Ulrich W., Ollik M. 2004. Frequent and occasional species and the shape of relative abundance distributions. Div. and Distr. 10: 263-269.
- Ulrich W., Ollik M. 2005. Limits to the estimation of species richness: The use of relative abundance distributions. Div. and Distr. 11: 265-273.
- Vidal St. 1988. Analyse der Fauna der Erzwespenfamilien Eulophidae und Tetracampidae (Hymenoptera, Chalcidoidea) der Nordseeinseln Mellum und Memmert nach Farbschalfängen. Drosera '88: 155-174.
- Vilhelmsen, L. 2001. Phylogeny and classification of the extant basal lineages of the Hymenoptera (Insecta). Zool. J. Linn. Soc. 131: 393-442.
- Waage J, Greathead D. (Eds.) 1986. Insect Parasitoids. London (Academic Press).
- Wall I. 1967. Die Ismarinen und Belytinen der Schweiz. Ent. Abh. Staatl. Mus. Tierk. Dresden 35: 123-266.
- Wall I. 1971. Beitrag zur Kenntnis der mitteleuropäischen Arten der Gattung Aneurhynchus Westwood (1932) (Hymenoptera, Proctotrupoidea, Diapriidae, Diapriinae). Ent. Abh. Staatl. Mus. Tierk. Dresden 38: 357-372.

Weber G, Prescher S. 1995. Die

Fliegen und Mücken eines klärschlammgedüngten Ackers. Agrökologie 15, Bern.

- Weidemann G. 1965. Ökologische und biometrische Untersuchungen an Proctotrupiden (Hymenoptera, Proctotrupidae s.str.) der Nordseeküste und des Binnenlandes. Z. Morph. Ökol. Tiere 55: 425-514.
- West G. B., Brown J. H., Enquist B. J. 1997. A general model for the origin of allometric scaling laws in biology. Science 276: 122- 126.
- West G. B., Brown J. H., Enquist B. J. 1999. The fourth dimension of life: fractal geometry and allometric scaling of organisms. Science 284: 1677-1679.
- West G. B., Brown J. H., Enquist B. J. 2001. A general model for ontogenetic growth. Nature 413: 628-631.
- West G. B., Savage M. van, Gillooly J., Enquist B. J., Woodruff W. H., Brown J. H. 2003. Why does metabolic rate scale with body size? Nature 421: 713.
- West G. B., Brown. J. H. 2005. The origin of allometric scaling laws in biology from genomes to ecosystems: towards a quantitative unifying theory of biological structure and organization. J. Exp. Biol. 208: 1575-1592.
- White C. R., Seymour R. S. 2003. Mammalian basal metabolic rate is proportional to body mass (2/3). Proc. Natl. Acad. Sci. 100: 4046-4049.
- White E. P. 2004. Two phase species. time relationships in North Ameri-

can landbirds. Ecology Letters 7: 329-336.

- Whitfield J. 2004. Ecology's big, hot idea. PLoS Biol. 2: e4400.
- Whitfield J. B. 1998. Phylogeny and evolution of host-parasitoid interactions in Hymenoptera. Annu. Rev. Entomol. 43: 129-151.
- Whittaker R. H. 1972. Evolution and measurement of species diversity. Taxon 21: 213-251.
- Williams C. B. 1947. The generic relations of species in small ecological communities. J. Anim. Ecol. 16: 11-18.
- Williamson M. 1988. Relationship of species number to area, distance and other variables. In: Myers A. A., Giller P. S. (Ed.) Analytical biogeography. Chapman & Hall, New York, pp. 91-115.
- Wilson E. O. 1992. The Diversity of Life. Norton, New York.
- Wolf H. 1972. Hymenoptera: Pompilidae. Insecta Helvetica Fauna 5. Zürich.
- Wright D. H. 1983. Species energy theory an extension of species area theory. Oikos 41: 496-506.
- Wu R., Ma. C.-X. Litell R. C., Casella G. 2002. A statistical model for the genetic origin of allometric scaling laws in biology. J. Theor. Biol. 219: 121-135.
- Yu, D. S. and Horstmann, K. 1997. A catalogue of world Ichneumonidae (Hymenoptera). Mem. Am. Entomol. Inst. 58: 1-1558.

						200		>				
Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Aclastus gracilis	Ichneumonidae	Eiparasi- toide	Araneida	<u>ر.</u>	2	ć	ldio- biont		C	0.050	24	2 Gen, 2June, 2September
Aclastus solutus	Ichneumonidae	Eiparasi- toide	Araneida	Boden	2	¢.	ldio- biont	0.732	c	0.262	÷	1 female in 2Au- gust
Acrolyta rufocincta	Ichneumonidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	¢.	<u>ر.</u>	ر.	ldio- biont	2.131	c	0.388		1 male in 2June
Allantus truncatus	Tenthredinidae											
Alloea ?contracta	Braconidae	Sapro- phage	Diptera	Boden		Larve	Koino- biont	0.863	Ę	0.095	13	1 Gen in 1May
Alloxysta ?cursor	Charipidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	ر.	¢.	Koino- biont	0.020	q	0.027	Ν	2 Gen, 2June, 2August
Alomya debellator	Ichneumonidae	verborge- ne Ektophy- tophage	Lepidop- tera	~ ·	<u>~</u> .	~	~ ·		C	15.874	Ν	2 females in 2May
Anoplus viaticus	Pompilidae											
Aphaereta ? tenuicornis	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	<u>ر</u> .	Larve	Koino- biont	2.097	c	0.190	29	2 Gen, 2June, 2August
Aphaereta major	Braconidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	2	<u>ر.</u>	Koino- biont	1.520	c	0.324	~	1 male in 1Se- ptember
Aphelinus abdomi- nalis	Aphelinidae	Säftesau- ger	Aphidina	Kraut- schicht	N	¢.	Koino- biont	0.218	C	0.024	Q	Obviously poly- voltine between 1June and
Aphelinus asychis	Aphelinidae	Säftesa- uger	Aphidina	Kraut- schicht	¢.	<i>د</i> .	Koino- biont	0.117	Ę	0.009	7	1 male in 2Au- gust, 1 female in 1September
Aphelopus melale- ucus	Dryinidae	Säftes- auger	Cicadina	Kraut- schicht	Ν	Larve	Koino- biont	0.749	c	0.151	ς	3 females in 1July
Aphelopus serratus	Dryinidae	Säfte- sauger	Cicadina	Kraut- schicht	. 	Larve	Koino- biont	0.845	۲	0.164		1 female in 1J- uly

Anhang A: Liste aller determinierten Arten des Drakenberges mit ihren faunistischen und ökologischen Merkmalen.

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Aphidius ? uzbekistanicus	Braconidae	Säfte- sauger	Aphidina	Kraut- schicht	2	ذ	ldio- biont	0.622	С	0.065	57	1 Gen in 2June
4saphes suspensus	Pteromalidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	Koino- biont	0.504	c	0.066	7	2 females in 2September and 2October
Ascogaster abdomi- nator	Braconidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	<u>ر.</u>	Larve	Koino- biont		c	0.974	13	1 Gen in 2June
4sobara tabida	Braconidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	0	¢.	Koino- biont	0.791	c	0.042	~	1 female in 1J- une
Astiphromma man- dibulare	Ichneumonidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	<i>ر</i> .	<u>ر.</u>	<u>ر</u> .	Koino- biont	8.655	C	3.150	~	1 female in 2A- pril
Basalys abrupta	Diapriidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	7	Imago	ldio- biont	0.845	c	0.066	80	2 Gen, 1July, 2September
Basalys ciliaris	Diapriidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	ldio- biont	0.757	C	0.039	~	1 female in 2September
Basalys longipennis	Diapriidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	ldio- biont	0.574	c	0.040	7	2 females in 1,2July
Basalys nr. cymoc- ˈes	Diapriidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	7	<u>ر.</u>	ldio- biont	0.204	c	0.006	108	2 Gen, 1August, 1September
Basalys parva	Diapriidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	ო	Larve	ldio- biont	0.033	ŋ	0.006	15	Probably 2 Gen in 1July, 1Se- ptember
Basalys tripartita	Diapriidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	<u>ر.</u>	¢.	ldio- biont	0.649	c	0.032	ო	1 male, 2 fema- les in 1Septe- mber
Belyta depressa	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	N	<u>~</u>	Koino- biont	3.289	c	0.287	132	2 (3?) Gen, 1J- uly, 1Septe- mber, 1October
Blacus ambulans	Braconidae	¢.	Coleopte-	¢.	7	Imago	Koino-	0.666	C	0.083	19	2 Gen, 1May,
Blacus exilis	Braconidae	ذ	Coleopte-	ć	د.	<u>ر</u> .	Koino-		c	0.055	~	1 female in

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Blacus humilis	Braconidae	Sapropha- ge	Coleopte- ra	Boden	2	ذ	Koino- biont	1.651	с	0.234	13	Probably 2 Gen, 1August, 1Oct- ober
Blacus ruficornis	Braconidae	Präd- atoren	Coleopte- ra	Boden	N	Imago	Koino- biont	1.305	c	0.183	35	2 Gen, 1July, 1September
Brachygaster minu- ta	Brachygastridae	Eiparasito- ide	.Dermapte- ra	Boden	ر.	<u>ر.</u>	ldio- biont		c	0.974	Ν	2 females in 2July
Callitula pyrrhoga- ster	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	7	Imago	¢.	0.016	٩	0.034	161	Polyvoltine be- tween 1May and 1October
Campoletis zonatus	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidopte- ra	Kraut- schicht	ر.	<u>ر.</u>	Koino- biont		C	0.676	с	1 male in 1A- ugust, 1female in 1September
Camptoptera pa- paveris	Mymaridae	Eiparasito- ide	<u>ر.</u>	Ċ	¢.	<u>ر.</u>	ldio- biont	0.030	Ę	0.001	~	1 female in 1October
Centistes cuspida- tus	Braconidae	Prädato- ren	Coleopte- ra	Boden	N	<u>ر.</u>	Koino- biont	1.456	c	0.171	9	2 Gen, 1June, 1September
Ceranisus menes	Eulophidae	Säfte- sauger	Thysanop- tera	Kraut- schicht	¢.	<u>ر.</u>	ć		Ę	0.006	. 	1 female in 1A- ugust
Charitopes clausus	Ichneumonidae	Pr- ädatoren	Planipen- nia	Kraut- schicht		Larve	ldio- biont	2.322	c	0.415	ю	3 females in 2July
Chasmodon apterus	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht		<u>ر.</u>	Koino- biont	0.000	IJ	0.028	10	Probably 1 Gen in 2July
Chelogynus ephippi- ger	Dryinidae	Säftesa- uger	Cicadina	Kraut- schicht	N	ć.	Koino- biont	1.704	Ę	0.325	18	Probably 2 Gen, 1July, 2August
Chlorocytus longi- scapus	Pteromalidae	Minierer	د.	Kraut- schicht	¢.	<i>د</i> .	Koino- biont	0.874	c	0.103	. 	1 female in 1J- uly
Chorebus ?stilifer	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	-	Larve	Koino- biont		c	0.107	7	2 females in 1July
Chorebus leptoga- ster	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht		Larve	Koino- biont		Ę	0.110	-	1 female in 1J- uly

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Chorebus nerissa	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	7	Larve	Koino- biont	1.665	c	0.143	ю	Probably 2 Gen, 2May, 2 July
Chorebus petiolatus	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	<u>ر.</u>	Larve	Koino- biont	4.394	c	0.987	ო	3 females in 2May
Chorebus senilis	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	2	Larve	Koino- biont	1.529	c	0.172	თ	2 Gen, 2May, 1August
Cirrospilus vittatus	Eulophidae	Minierer	Lepidop- tera	Kraut- schicht	7	Larve	ldio- biont	0.354	C	0.020	-	1 female in 1May
Coelichneumon desinatorius	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Boden	7	<u>ر.</u>	ldio- biont	16.770	C	13.553	23	2 Gen, 2July, 1October
Coelinius gracilis	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	Ν	Larve	Koino- biont	1.997	C	0.397	16	Probably 2 Gen, 1July, 1Septe- mber
Cremnodes atrica- pillus	Ichneumonidae	<i>د</i> .	<u>ر.</u>	<i>د</i> .	<i>د</i> .	¢.	<u>ر.</u>		C	0.029	~	1 female in 2September
Cryptopimpla erra- bunda	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	۵.	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	5.992	c	3.072	÷	1 female in 2May
Cyclolabus nigricol- lis	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	د.	<i>د</i> .	¢.	۰.		c		~	1 female in 2May
Cymodusa leucoce- ra	Ichneumonidae	ć	ć	د.	Ċ	<u>ر.</u>	Koino- biont		c	1.163		1 female in 2October
Cyrtogaster vulgaris	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	-	Imago	ldio- biont	0.595	c	0.086	ω	1 Gen in 1July
Dacnusa ?dryas	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	Ċ	<i>د</i> .	Koino- biont	1.165	c	0.074	~	1 female in 1October
Dacnusa faroeensis	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut-	ر.	Larve	Koino-	0.999	c	0.084	~	1 female in

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Dapsilarthra ru- fiventris	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	ċ	Larve	Koino- biont	2.097	L	0.124	۲	1 female in 2Ju- ne
Dendrocerus ? laticeps	Megaspilidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	<u>ر.</u>	Larve	ldio- biont	0.300	⊆	0.022		1 female in 2September
Dendrocerus dubio- sus	Megaspilidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	7	Larve	ldio- biont	0.424	c	090.0		1 female in 1Se- ptember
Dendrocerus hali- dayi	Megaspilidae	Prädato- ren	Planipen- nia	Kraut- schicht	<i>د</i> .	<u>ر.</u>	ldio- biont	0.549	⊆	0.040		1 female in 1A- ugust
Dibrachys boarmiae	Pteromalidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	7	<u>ر.</u>	ldio- biont		c	0.255	~	1 female in 2Ju- Iy
Dibrachys cavus	Pteromalidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	۰.	2	<i>د</i> .	ldio- biont	0.697	C	0.076	ъ С	2 Gen, 1July, 1October
Dicaelotus pictus	Ichneumonidae	nichtzuzu- ordnende Ektophy-	Lepidop- tera	د.	¢.	¢.	~		C	0.679	~	1 female in 1May
Dichrogaster aestivalis	Ichneumonidae	Prädato- ren	Planipen- nia	Kraut- schicht	7	Larve	ldio- biont	1.786	c	0.468	2	2 females in 1June
Diglyphus crassine- rvis	Eulophidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	7	Larve	Koino- biont		c	0.027	~	1 female in 1May
Diphyus palliatorius	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	~	Imago	Koino- biont	17.477	C	16.063		1 female in 1A- ugust
Diplazon laetatorius	Ichneumonidae	Pr- ädatoren	Diptera	Kraut- schicht	<i>د</i> .	Imago	Koino- biont	4.794	Ę	1.553	2	1 female in 2Ju- ly, 1 female in 1September
Disorygma depile	Eucoilidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	۲.	د.	Koino- biont	0.674	c	0.055	÷	1 female in 1J- une
Epitomus infuscatus	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	د.	¢.	¢.	Koino- biont	2.374	C	0.308	4	1 female in 1May, 2 fema- les in 1Septe-
Ethelurgus sodalis	Ichneumonidae	Prädat- oren	Diptera	<u>ر.</u>	2	ر.	ldio- biont	4.120	⊆	1.772	2	2 females in 1August

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Eurytoma collaris	Eurytomidae	Minierer	Apocrita	Kraut- schicht	ć	~	<i>د</i> .	0.676	۲	0.083	-	1 female in 2Ju- ly
Eustochus atripen- nis	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	Boden	7	<i>د</i> .	ldio- biont	0.281	c	0.011		1 female in 2Ju- ne
Exallonyx brevicor- nis	Proctotrupidae	Prädator- en	Coleopte- ra	Boden	~	Imago	Koino- biont	1.758	c	0.287	2	2 females in 2December
Exallonyx confusus	Proctotrupidae	Präda- toren	Coleopte- ra	Boden	7	Imago	Koino- biont	0.832	c	0.114	2	2 females in 2December
Exallonyx ligatus	Proctotrupidae	Präda- toren	Coleopte- ra	Boden	~	Imago	Koino- biont	1.139	c	0.266	11	1 Gen in 1July
Exallonyx longicor- nis	Proctotrupidae	Prädator- en	Coleopte- ra	Boden	~	Imago	Koino- biont	2.796	c	0.482	4	4 females in 2April
Exallonyx microce- rus	Proctotrupidae	Prädato- ren	Coleopte- ra	Boden	7	Imago	Koino- biont	1.049	c	0.139	ო	2 Gen, 2July, 1September
Exallonyx minor	Proctotrupidae	Präda- toren	Coleopte- ra	Boden	N	Imago	Koino- biont	0.639	c	0.047	ю	1 female in 1October, 1 fe- male in 1Nove- mber, 1 female in 2December
Exallonyx nixoni	Proctotrupidae	Präda- toren	Coleopte- ra	Boden	~	Imago	Koino- biont	1.528	c	0.205	7	1 Gen in 2Au- gust
Exallonyx pallidi- stigma	Proctotrupidae	Prädato- ren	Coleopte- ra	Boden	<i>د</i> .	Imago	Koino- biont	2.330	c	0.331		1 female in 2Ju- Iy
Exallonyx quadri- ceps	Proctotrupidae	Prädat- oren	Coleopte- ra	Boden	2	Imago	Koino- biont	3.036	c	0.625	7	At least 1 Gen in 1July
Exallonyx subserra- tus	Proctotrupidae	Prädator- en	Coleopte- ra	Boden	2	Imago	Koino- biont	1.092	C	0.126	ю	2 Gen, 1June, 1September
Exallonyx trichomus	Proctotrupidae	Präda-	Coleopte-	Boden	2	Imago	Koino-	1.618	c	0.205	-	1 female in 1A-
Formica rufa	Formicidae	*	Sozial	Boden	~	Imago	*				5	
Gelis brassicae	Ichneumonidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Boden	7	د.	ldio- biont	1.061	c	0.147	7	2 Gen, 1July, 1October
Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
--------------------------------	-----------------	-----------------------------------	------------------	-------------------	-------------------------------	------------------	--------------------	-------------------	------------------	---------------------------	----------------	---
Hemiptarsenus fu- Ivicollis	Eulophidae	Minierer	¢.	Kraut- schicht	7	Larve	ldio- biont	0.037	q	0.015	37	Polyvoltine be- tween 2April and 1October
Heterischnus trun- cator	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	<u>ر.</u>	¢.	<u>ر.</u>	د.		C	1.660	~	1 female in 1November
Homotherus locutor	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	\$	¢.	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>		C	12.779	~	1 female in 1October
Hoplismenus albi- frons	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	<i>د</i> .	<i>د</i> .	<u>~</u> .		C	3.815	~	1 female in 1October
Hormius similis	Braconidae	Minierer	Lepidop- tera	Kraut- schicht	7	¢.	<u>ر.</u>	0.566	c	0.091	9	2 Gen, 2June, 1October
Idiolispa analis	Ichneumonidae	¢.	ر.	ć	د.	<i>د</i> .	ldio- biont		c	3.100	~	1 female in 1J- uly
Iphitrachelus lar	Platygasteridae	¢.	¢.	¢.	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	Koino- biont	0.145	c	0.008	-	1 female in 2Ju- ne
Ismarus rugulosus	Diapriidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	1.864	c	0.220	-	1 female in 1J- uly
Kleidotoma psilo- ides	Eucoilidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	5	Imago	Koino- biont	0.399	c	0.022	25	2 Gen, 1July, 1September
Lagynodes pallidus	Megaspilidae	¢.	<u>ر.</u>	Boden	с	Imago	<u>~</u> .	0.000	Ŧ	0.012	32	2 or 3 Gen, 2May, 1July, 1September
Lasius flavus	Formicidae	*	Sozial	Boden	~	Imago	*				82	
Lasius niger	Formicidae	*	Sozial	Boden	~	Imago	*				137	
Leptacis tipulae	Platygasteridae	Gallbild-	Diptera	Kraut-	د.	Larve	Koino-	0.250	c	0.018	9	1 Gen in 2July

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Litus cynipseus	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	Boden	5	Imago	Idio- biont	0.016	σ	0.005	62	Polyvoltine be- tween 1May and 2October
Macrocentrus infir- mans	Braconidae	exponierte Ektophy-	Lepidop- tera	Kraut- schicht	ć	د.	Koino- biont	1.748	Ę	0.279	2	1 female 1A- ugust, 1 female
Macrocentrus line- aris	Braconidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	ر .	¢.	Koino- biont		C	0.373	~	1 female in 1A- ugust
Macroglenes bo- uceki	Pteromalidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	<i>د</i> .	ر.	Koino- biont	0.375	c	0.034	÷	1 female in 1Se- ptember
Macroglenes chaly- bea	Pteromalidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	<u>ر.</u>	Larve	Koino- biont	0.376	c	0.037	. 	1 female in 2September
Macroglenes pene- trans	Pteromalidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	¢.	<u>ر</u> .	Koino- biont		C	0.067	. 	1 male in 1June
Macroneura vesicu- Iaris	Eupelmidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	<i>د</i> .	<i>د</i> .	ر .	ldio- biont	0.022	σ	0.010	÷	1 female in 1J- uly
Macrophya quadri- maculata	Tenthredinidae	*	phytophag	Kraut- schicht	÷	ر.	*		C	5.838	ი	1 Gen in 1May
Mastrus deminuens	Ichneumonidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	۵.	2	ر.	ldio- biont	3.845	c	0.969	7	2 Gen, 1July, 1September
Meraporus gramini- cola	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	5	<u>~</u> .	¢.	0.010	٩	0.033	19	2 Gen, 2July, 2September
Merostenus excavatus	Eupelmidae	nichtzuzu- ordnende Ektophy-	Coleopte- ra	Kraut- schicht	¢.	~	¢.	0.427	Ę	0.035	б	3 males in 2May
Mesochorus thora- cicus	Ichneumonidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	د.	ć	د.	Koino- biont		c	0.866	2	1 male in 1A- ugust, 1 female in 1September
Mesochorus vitticol- lis	Ichneumonidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	<u>~</u> .	ر.	ć	Koino- biont		C	0.866	Ν	2 males in 1Se- ptember

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Microgaster ?tibialis	Braconidae	verborge- ne Ektophy-	Lepidop- tera	Kraut- schicht	N	<u>ر</u> .	Koino- biont		c	0.422	Ν	2 Gen, 1June, 1August
Microplitis calcara- tus	Braconidae	nichtzuzu- ordnende Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	<u>ر.</u>	<u>~</u> .	Koino- biont	1.997	Ē	0.580	4	2 females in 1August, 1 fe- male in 1Septe- mber, 1 female in 1October
Microplitis mediator	Braconidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	Koino- biont	2.197	c	0.622	Ν	2 females in 1,2September
Miscogaster macu- lata	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	2	<u>ر.</u>	Koino- biont	0.663	c	0.042	14	2 Gen, 1June, 1July
Mymar pulchellum	Mymaridae	Eiparasi- toide	د.	¢.	د.	ć	ldio- biont	0.058	c	0.006	7	2 females in 1June
Myrmica rubra	Formicidae	*	Sozial	Boden	. 	Imago	*				390	
Myrmica ruginodis	Formicidae	*	Sozial	Boden	~	Imago	*				~	
Necremnus ?folia	Eulophidae	Minierer	Lepidop- tera	Kraut- schicht	ć	ć	Koino- biont		c	0.050	~	2 females in 1July
Olesicampe patella- na	Ichneumonidae	ر.	Symphyta	Kraut- schicht	د.	¢.	Koino- biont		c	1.339	~	1 female in 1J- uly
Olesicampe subcal- Iosa	Ichneumonidae	nichtzuzu- ordnende Ektophy-	Symphyta	Kraut- schicht	¢.	Larve	Koino- biont	3.995	c	1.148	~	1 female in 2May
Ooctonus hemipte- rus	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	0	¢.	ldio- biont	0.169	Ę	0.011	21	2 Gen, 2June, 2September
Ooctonus vulgatus	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	2	Imago	ldio- biont	0.185	c	0.011	97	Polyvoltine be- tween 1May and 1October

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Opius pallipes	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	د.	<i>د</i> .	Koino- biont		c	0.053	÷	1 female in 2May
Oxybelus uniglumis	Sphecidae	*	Nestbauer	Boden	<u>ر.</u>	6.	*		c		-	1 female in 2Ju- ne
Oxylabis thomsoni	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	د.	<u>ر.</u>	Koino- biont	1.124	c	0.280	7	2 females in 2July
Pachyprotasis rapa- e	Tenthredinidae	*	phytophag	Kraut- schicht		Larve	*		c	4.441	თ	1 Gen in 1May
Panstenon oxylus	Pteromalidae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	¢.	<u>ر.</u>	ldio- biont	0.585	c	0.040	ю	1 male in 1Se- ptember, 1 fe- male in 1Oct-
Pantoclis ?ruralis	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	<i>ر</i> .	<u>ر.</u>	Koino- biont	1.423	c	0.159	~	1 female in 1A- ugust
Pantoclis leviventris	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	7	Imago	Koino- biont	0.999	C	0.126	7	2 Gen, 2July, 1September
Pentapleura pumilio	Braconidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	N	د.	Koino- biont	0.855	Ę	0.062	4	1 female in 2Ju- ne, 3 females in 2Julv
Peristenus ortholyti	Braconidae	Prä- datoren	Heterop- tera	Kraut- schicht	ć	د.	Koino- biont	0.989	c	0.115	~	1 female in 2May
Phaneroserphus calcar	Proctotrupidae	Präda- toren	Coleopte- ra	Boden	2	Imago	Koino- biont	1.611	c	0.588	18	2 Gen, 1July, 1October
Phrudus devectivus	Ichneumonidae	<u>ر.</u>	Coleopte- ra	6.	<u>ر.</u>	<u>ر</u> .	ldio- biont		c	0.179	-	1 female in 1J- une
Phygadeuon ? trichops	Ichneumonidae	۵.	Diptera	ć	2	<u>ر.</u>	ldio- biont	2.330	c	0.601	23	2 Gen, 1May, 1July
Pimpla instigator	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Boden	¢.	<u>ر.</u>	ldio- biont		c		~	1 female in 1October
Pimpla melanacrias	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Boden	5	۰.	ldio- biont	16.479	c	7.694	O	2 Gen, 2July, 1October

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Platylabus iridipen- nis	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	~	~	~.	۰.		c	1.423	-	1 female in 2Ju- ly
Polyaulon para- doxus	Ichneumonidae	Präd- atoren	Araneida	Boden	7	<i>د</i> .	ldio- biont	0.000	f	0.161	თ	2 Gen, 2May, 2July
Polynema fumipen- ne	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	7	Larve	ldio- biont	0.343	c	0.012	62	2 Gen, 1July, 1September
Praon volucre	Braconidae	Säft- esauger	Aphidina	Kraut- schicht		ر.	Koino- biont	0.899	c	0.066	37	1 Gen in 1July
Priocnemis femora- lis	Pompilidae	*	Nestbauer	Boden	~	<u>ر.</u>	*		C		16	1 Gen in 1July
Priocnemis pertur- bator	Pompilidae	*	Nestbauer	Boden		¢.	*		c		ъ	1 Gen in 1June
Pristiphora ? monogyniae	Tenthredinidae	*	phytophag	Kraut- schicht	-	Larve	*		c	0.349	~	1 female in 2May
Probles neoversu- tus	Ichneumonidae	6.	Coleopte- ra	¢.	<u>ر</u> .	ر.	Koino- biont		c		~	1 female in 2September
Psilocera ?obscura	Pteromalidae	۰.	Coleopte- ra	Boden	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	<u>ر.</u>	1.249	c	0.410	16	At least 1 Gen in 1September
Pycnocryptus director	Ichneumonidae	exponierte Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht		Larve	ldio- biont		C	2.690	~	1 female in 2Ju- ly
Rhogogaster viridis	Tenthredinidae	*	phytophag	Kraut- schicht	د.	<u>ر.</u>	*		c	4.902	11	1 Gen in 2May
Rhoptromeris euce- ra	Eucoilidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	7	Imago	Koino- biont	0.524	c	0.048	17	2 Gen, 2June, 2July
Rhynchopsilus apertus	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	2	<u>ر.</u>	Koino- biont	0.649	Ę	0.041	9	2 Gen, 2June, 2July
Scelio vulgaris	Scelionidae	Eiparasi- toide	ć	<u>ر.</u>	¢.	<u>ر.</u>	ldio- biont		⊆	0.262	~	1 male in 1Se- ptember
Semiotellus mun- dus	Pteromalidae	ć	ć	¢.	7	<i>د</i> .	¢.	0.599	c	0.078	ო	2 Gen, 2June, 1September

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Genera- tionen	Hiber- nation	Parasi- toidtyp	Flügel- fläche	Flügel- größe	Trocken- masse [mg]	Summe Tiere	Phänologie
Sphegigaster flavi- cornis	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	ć	¢.	د.	1.033	Ē	0.133	4	2 females 1July, 1 male 2July
Spilomena troglody-	Sphecidae	*	Nestbauer	Boden	ć	د.	*		c		~	1 female in 1Se-
Stenodontus margi- nellus	Ichneumonidae	nichtzuzu- ordnende Ektophy- tophage	Lepidop- tera	ر .	~	<i>د</i> .	ر .		Ę	0.846	~	1 female in 1A- ugust
Stenomalina ?dives	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	<i>ر</i> .	<i>ر</i> .	<i>ر</i> .		c	0.369	2	1 female in 2 July, 1 female in 2August
Stenomalina muscarum	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	¢.	¢.	¢.	0.757	Ę	0.067	Q	5 females in 1August, 1 fe- male in 2Sep- tember
Stilbobs abdomina- lis	Ichneumonidae	Minierer	Lepidop- tera	Kraut- schicht	~	Larve	¢.		c	1.590		1 female in 1A- ugust
Stilpnus blandus	Ichneumonidae	Sapropha- ge	Diptera	Boden	د.	Larve	Koino- biont		C	0.325	4	2 Gen, 1July, 1September
Sussaba cognata	Ichneumonidae	Präda- toren	Diptera	Kraut- schicht	د.	<i>د</i> .	Koino- biont	4.195	C	0.645	~	1 male in 1May
Sussaba flavipes	Ichneumonidae	Präda- toren	Diptera	Kraut- schicht	¢.	¢.	Koino- biont		c	0.609	7	1 Gen in 2May
Sympiesis sandani	Eulophidae	Minierer	Lepidop- tera	Kraut- schicht	7	Larve	Koino- biont		c	0.165	.	2 Gen, 1July, 1August
Synacra brachialis	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	2	<u>ر.</u>	ldio- biont	0.481	⊆	0.028	32	Probably 2 Gen, 1June, 2July
Synopeas decurva- tus	Platygasteridae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	¢.	Larve	Koino- biont	0.300	Ę	0.031	ო	1 male in 1July, 1 female in 2Ju- lv
Tetramesa flavicol- lis	Eurytomidae	*	phytophag	Kraut- schicht	د.	Larve	*	0.932	C	0.130	30	2 Gen, 1June, 1August
Theroscopus he- mipterus	Ichneumonidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	د.	0	<i>د</i> .	ldio- biont			0.446	5	2 Gen, 1August, 1October
Tretoserphus laricis	Proctotrupidae	¢.	ن ن		د.	Imago	Koino- , biont	1.731	c	0.496	~	1 female in 2September

Anhang B: Liste aller nichtdeterminierten Arten des Drakenberges mit ihren wichtigen ökologischen Merkmalen.

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Aclista TD1	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	1	0.057	0.215	n
Aclitus TD1	Braconidae	Säfte- sauger	Aphidina	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	2	0.115	0.932	n
Aleiodes TD1	Braconidae	exponier- te Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	2	Imago	ldio- biont	15	0.728	2.796	n
Allotropa TD1	Platygasteri- dae	Säfte- sauger	Coccina	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	11	0.006	0.124	n
Alloxysta TD1	Charipidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	2	?	Koino- biont	36	0.024	0.395	n
Alloxysta TD2	Charipidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	2	?	Koino- biont	17	0.049	0.599	n
Alloxysta TD3	Charipidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	2	0.010	0.227	n
Alysiini TD1	Braconidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	1	0.017		n
Amblyaspis TD1	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	2	Larve	Koino- biont	39	0.021	0.433	n
Amblyaspis TD2	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	10	0.019	0.330	n
Amblyaspis TD3	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	2	Larve	Koino- biont	2	0.052		n
Anagrus TD1	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	2	?	Idio- biont	126	0.011	0.041	а
Anagrus TD2	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	2	Larve	Idio- biont	125	0.008	0.047	а
Anagrus TD3	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	?	Larve	Idio- biont	65	0.006	0.036	а
Anaphes TD1	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	Kraut- schicht	2	?	Idio- biont	12	0.002	0.048	n
Anaphes TD2	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	Kraut- schicht	2	?	Idio- biont	96	0.010	0.102	n
Anaphes TD3	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	Kraut- schicht	?	?	Idio- biont	3	0.002	0.049	n
Anaphes TD4	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	Kraut- schicht	?	?	Idio- biont	11	0.005	0.058	n
Anaphes TD5	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	Kraut- schicht	2	?	ldio- biont	6	0.009	0.047	а
Anaphes TD6	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	Kraut- schicht	?	?	ldio- biont	19	0.023	0.158	n
Anaphes TD7	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	Kraut- schicht	?	?	Idio- biont	5	0.019	0.131	n
Anaphes TD8	Mymaridae	Eiparasi- toide	Coleopte- ra	?	?	?	Idio- biont	14	0.005		n
andrena TD1	Andrenidae	Phy- tophag						1			n
andrena TD2	Andrenidae	Phy- tophag						1			n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Aneurhyn- chus TD1	Diapriidae	Sapro- phage	Diptera	Boden	?	?	Idio- biont	1	0.269	1.966	n
Anopedias TD1	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	0.026	0.175	n
Anteon TD1	Dryinidae	Säfte- sauger	Cicadina	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	2	#ARG!		n
Anteris TD1	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.022		n
Apanteles TD1	Braconidae	n Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	24	0.427	2.237	n
Apanteles TD2	Braconidae	n Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	20	0.148	0.999	n
Aphanog- mus TD1	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	2	0.026	0.073	b
Aphanog- mus TD10	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	3	0.004	0.080	n
Aphanog- mus TD11	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	2	0.009		n
Aphanog- mus TD12	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	1	0.002		n
Aphanog- mus TD14	Ceraphroni- dae	?	?	?	2	?	?	2	0.006		n
Aphanog- mus TD2	Ceraphroni- dae	?	?	?	2	?	?	11	0.010	0.125	n
Aphanog- mus TD3	Ceraphroni- dae	?	?	?	2	?	?	6	0.010	0.105	n
Aphanog- mus TD4	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	33	0.012	0.109	n
Aphanog- mus TD5	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	1	0.018	0.100	n
Aphanog- mus TD6	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	2	0.004	0.003	а
Aphanog- mus TD7	Ceraphroni- dae	?	?	?	2	?	?	20	0.004	0.061	n
Aphanog- mus TD8	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	7	0.008	0.121	n
Aphanog- mus TD9	Ceraphroni- dae	?	?	?	2	?	?	2	0.011		n
Aphelinus TD1	Aphelinidae	Säftesau- ger	Aphidina	Kraut- schicht	2	?	Koino- biont	5	0.006	0.064	n
Aphytis TD1	Aphelinidae	Säfte- sauger	Coccina	Kraut- schicht	2	?	?	69	0.015	0.120	n
Aphytis TD2	Aphelinidae	Säfte- sauger	Coccina	Kraut- schicht	2	?	?	3	0.007	0.048	а
Arthrolytus TD1	Pteromalidae	Minierer	?	Kraut- schicht	2	?	?	251	0.026	0.437	n
Arthrolytus TD2	Pteromalidae	Minierer	?	Kraut- schicht	?	?	?	1	0.170	1.298	n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Aspilota TD"2"	Braconidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	2	Larve	Koino- biont	13	0.045	1.398	n
Aspilota TD1	Braconidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	2	Larve	Koino- biont	4	0.043		n
Aspilota TD3	Braconidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	Larve	Koino- biont	1	0.016		n
Aspilota TD4	Braconidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	Larve	Koino- biont	4	0.016		n
Aspilota TD5	Braconidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	2	Larve	Koino- biont	69	0.022		n
Aspilota TD6	Braconidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	Larve	Koino- biont	4	0.051		n
Aspilota TD7	Braconidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	Larve	Koino- biont	1	0.032		n
Atractodes TD1	Ichneumoni- dae	Sa- prophage	Diptera	Boden	1	Larve	Koino- biont	3	0.409	3.264	n
Baeus TD1	Scelionidae	Eiparasi- toide	Araneida	Kraut- schicht	2	?	Idio- biont	253	0.003	0.000	fl
Basalys TD2	Diapriidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	?	Idio- biont	4	0.068	0.096	с
Basalys TD4	Diapriidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	?	Idio- biont	2	0.003	0.012	а
Basalys TD5	Diapriidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	Imago	Idio- biont	2	0.052	1.161	n
Basalys TD7	Diapriidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	?	Idio- biont	6	0.020		n
Basalys TD8	Diapriidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	?	Idio- biont	1	0.239		n
Basalys TD9	Diapriidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	?	Idio- biont	1	0.026		n
Blacus TD1	Braconidae	?	Coleopte- ra	?	?	?	Koino- biont	2	0.133		n
Blacus TD2	Braconidae	?	Coleopte- ra	?	?	?	Koino- biont	1	0.087		n
Blastothrix TD1	Encyrtidae	Säfte- sauger	Coccina	Kraut- schicht	?	?	?	1	0.018	0.290	n
Blastothrix TD2	Encyrtidae	Säfte- sauger	Coccina	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	19	0.046		n
Bracon TD1	Braconidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	11	0.148	1.011	n
Bracon TD3	Braconidae	?	?	?	?	?	Koino- biont	3	0.664		n
Bracon TD4	Braconidae	?	?	?	?	?	Koino- biont	3	0.106		n
Bracon TD5	Braconidae	?	?	?	?	?	Koino- biont	1	0.217		n
Bracon TD6	Braconidae	?	?	?	?	?	?	6	0.589		n
Bracon TD7	Braconidae	?	?	?	?	?	?	1	0.180		n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Bruchopha- gus TD1	Eurytomidae	Phy- tophag						1	0.000		n
Ceraphron TD1	Ceraphroni- dae	?	?	?	2	?	?	476	0.030	0.262	n
Ceraphron TD10	Ceraphroni- dae	?	?	?	2	?	?	3	0.011	0.120	n
Ceraphron TD11	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	1	0.007		n
Ceraphron TD2	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	10	0.019	0.009	b
Ceraphron TD3	Ceraphroni- dae	?	?	?	2	?	?	20	0.014	0.007	b
Ceraphron TD4	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	4	0.015	0.185	n
Ceraphron TD5	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	40	0.022	0.169	n
Ceraphron TD6	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	6	0.011	0.004	b
Ceraphron TD7	Ceraphroni- dae	?	?	?	2	?	?	43	0.012	0.003	b
Ceraphron TD8	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	36	0.030	0.156	n
Ceraphron TD9	Ceraphroni- dae	?	?	?	?	?	?	3	0.169	0.541	n
Chelogynus TD1	Dryinidae	Säftesau- ger	Cicadina	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	0.441		n
Chelonus TD1	Braconidae	?	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	3	0.140	0.832	n
Chlorocytus TD1	Pteromalidae	Minierer	?	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	0.154	1.140	n
Chorebus TD1	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	2	0.132	1.099	n
Chorebus TD2	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	0.043	0.831	n
Chorebus TD3	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	3	0.071	0.780	n
Chrysocha- ris TD1	Eulophidae	Minierer	?	Kraut- schicht	2	Larve	?	2	0.042	0.358	n
Cinetus TD1	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	1	0.164	1.456	n
Cleonymus TD1	Pteromalidae	Xylopha- ge	Coleopte- ra	Totholz	?	?	Idio- biont	3	0.032	0.387	n
Cleruchus TD1	Mymaridae	Eiparasi- toide	?	?	?	?	Idio- biont	5	0.002	0.000	fl
Conostig- mus TD1	Megaspilidae	?	?	?	2	?	?	26	0.014	0.005	b
Conostig- mus TD10	Megaspilidae	?	?	?	2	?	?	32	0.019		n
Conostig- mus TD2	Megaspilidae	?	?	?	2	?	?	12	0.027	0.275	n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Conostig- mus TD3	Megaspilidae	?	?	?	?	?	?	10	0.037	0.007	b
Conostig- mus TD4	Megaspilidae	?	?	?	?	?	?	5	0.062	0.451	n
Conostig- mus TD5	Megaspilidae	?	?	?	?	?	?	4	0.047	0.375	n
Conostig- mus TD6	Megaspilidae	?	?	?	2	?	?	7	0.012	0.000	fl
Conostig- mus TD7	Megaspilidae	?	?	?	2	?	?	2	0.029	0.262	n
Conostig- mus TD8	Megaspilidae	?	?	?	?	?	?	1	0.082	0.549	n
Cryptus TD1	lchneumoni- dae	exponier- te Ektophy- tophage	?	Boden	?	?	ldio- biont	1	2.469		n
Dacnusa TD1	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	4	0.048		n
Dacnusa TD2	Braconidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	1	Larve	Koino- biont	1	0.063		n
Doliphoce- ras TD1	Encyrtidae	Säftesa- uger	Coccina	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	5	0.034	0.399	n
Dryinus TD1	Dryinidae	Säfte- sauger	Cicadina	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	0.231		n
Encyrtidae TD1	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	3	0.035	0.416	n
Encyrtidae TD10	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	1	0.070		n
Encyrtidae TD11	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	1	0.010		n
Encyrtidae TD12	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	1	0.007		n
Encyrtidae TD13	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	1	0.023		n
Encyrtidae TD14	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	1	0.024		n
Encyrtidae TD15	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	1	0.028		n
Encyrtidae TD2	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	3	0.043	0.416	n
Encyrtidae TD4	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	5	0.038	0.416	n
Encyrtidae TD5	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	3	0.031	0.324	n
Encyrtidae TD6	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	1	0.031		n
Encyrtidae TD7	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	22	0.025		n
Encyrtidae TD8	Encyrtidae	?	?	?	2	?	?	38	0.028		n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Encyrtidae TD9	Encyrtidae	?	?	?	?	?	?	16	0.003		n
Entomacis TD1	Diapriidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	?	Idio- biont	2	0.026		n
Entomacis TD2	Diapriidae	Sa- prophage	Diptera	Boden	?	?	Idio- biont	1	0.025		n
Ephedrus TD1	Braconidae	Säft- esauger	Aphidina	Kraut- schicht	?	?	Idio- biont	4	0.041	0.728	n
Ephedrus TD2	Braconidae	Säft- esauger	Aphidina	Kraut- schicht	?	?	?	1	0.025		n
Ephedrus TD3	Braconidae	Säfte- sauger	Aphidina	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	3	0.021		n
Ericydnus TD1	Encyrtidae	Säfte- sauger	Cicadina	Kraut- schicht	?	?	?	2	0.119	0.040	С
Ericydnus TD2	Encyrtidae	Säfte- sauger	Cicadina	Kraut- schicht	?	?	?	21	0.066		n
Eupelmus TD1	Eupelmidae	?	?	?	?	?	?	1	0.021		n
Eurytoma TD1	Eurytomidae	?	?	Kraut- schicht	?	?	?	2	0.094	0.574	n
Eusterinx TD1	Ichneumoni- dae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	3	0.281		n
Gastranci- strus TD1	Pteromalidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	2	0.080		n
Gelinae TD1	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.091	0.866	n
Gelinae TD12	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	1.993		n
Gelinae TD2	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.283	1.631	n
Gelinae TD25	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.588		n
Gelinae TD26	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	1.326		n
Gelis TD1	lchneumoni- dae	?	?	?	2	?	Idio- biont	13	0.178	0.000	fl
Gelis TD2	lchneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.248	0.000	fl
Gelis TD3	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	10	0.075	0.000	fl
Gelis TD4	Ichneumoni- dae	?	?	?	2	?	Idio- biont	2	0.005		n
Gelis TD5	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.066		n
Gelis TD7	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.081		n
Gelis TD9	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	2	0.341		n
Gonatocerus TD1	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	2	?	Idio- biont	87	0.018	0.166	n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Gryon TD1	Scelionidae	Eiparasi-	?	?	2	?	Idio-	8	0.009	0.027	а
Gryon TD2	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.005		n
Habrocytus TD1	Pteromalidae	?	?	?	?	?	?	1	0.799	2.054	n
Habrocytus TD2	Pteromalidae	?	?	?	?	?	?	4	0.083	0.531	n
Habrocytus TD3	Pteromalidae	?	?	?	?	?	?	1	0.240		n
Habrocytus TD4	Pteromalidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.102		n
Hemigasteri- ni TD1	lchneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	2.165		n
Hemigasteri- ni TD2	lchneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	#ARG!		n
Hemigasteri- ni TD3	lchneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	3	#ARG!		n
Hemigasteri- ni TD4	lchneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.195		n
Hemigasteri- ni TD5	lchneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	1.727		n
Hemigasteri- ni TD6	lchneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.781		n
Hemigasteri- ni TD7	lchneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	7	1.305		n
Hemigasteri- ni TD8	Ichneumoni- dae	?	?	?	?	?	Idio- biont	12	1.141		n
Hemiptarse- nus TD1	Eulophidae	Minierer	?	Kraut- schicht	2	Larve	Idio- biont	6	0.065	0.366	n
Homoporus TD1	Pteromalidae	Gallbild- ner	?	Kraut- schicht	?	?	?	1	0.039	0.485	n
lchneumoni- nae TD10	lchneumoni- dae	n Ektophy- tophage	Lepidop- tera	?	?	?	?	3	3.383		n
Inostemma TD1	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	2	Larve	Koino- biont	2	0.016	0.253	n
Inostemma TD2	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	2	0.031		n
Kleidotoma TD1	Eucoilidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	1	0.050	0.624	n
Kleidotoma TD2	Eucoilidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	2	0.038	0.526	n
Kleidotoma TD3	Eucoilidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	6	0.019	0.318	n
Lipolexis TD1	Braconidae	Säfte- sauger	Aphidina	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	24	0.018	0.340	n
Lissonota TD1	lchneumoni- dae	v Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	4	1.224		n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Lissonota TD2	Ichneumoni- dae	vEktophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	3	5.081		n
Lissonota TD3	Ichneumoni- dae	vEktophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	2.002		n
Lissonota TD4	lchneumoni- dae	vEktophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	1.193		n
Lissonota TD5	lchneumoni- dae	vEktophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	4.357		n
Lissonota TD6	lchneumoni- dae	vEktophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	2	3.014		n
Lyka TD1	Encyrtidae	?	?	?	?	?	Koino- biont	1	0.026	0.300	n
Megastylus TD1	lchneumoni- dae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	6	2.291		n
Mesopolo- bus TD1	Pteromalidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.021	0.300	n
Metaphycus TD1	Encyrtidae	Säft- esauger	Coccina	Kraut- schicht	?	?	?	1	0.055		n
Microctonus TD1	Braconidae	e Ektophy- tophage	Coleopte- ra	?	?	?	Koino- biont	3	0.043		n
Microplitis TD1	Braconidae	n Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	0.184		n
Oligosita TD1	Trichogram- matidae	Eiparasi- toide	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.001	0.031	n
Omphale TD1	Eulophidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	16	0.022	0.395	n
Omphale TD2	Eulophidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	2	0.020	0.458	n
Omphale TD3	Eulophidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	0.020	0.316	n
Omphale TD4	Eulophidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	2	Larve	Koino- biont	3	0.037	0.416	n
Omphale TD5	Eulophidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	7	0.051		n
Omphale TD6	Eulophidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	9	0.020		n
Ooctonus TD1	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	?	?	Idio- biont	1	0.016		n
Opius TD1	Braconidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	1	0.054	0.924	n
Opius TD2	Braconidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	2	0.109	1.384	n
Opius TD3	Braconidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	2	0.079	1.006	n
Opius TD4	Braconidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	1	0.147	2.060	n
Orthocen- trus TD1	Ichneumoni- dae	Myce- tophage	Diptera	Boden	1	?	Koino- biont	29	0.559	2.528	n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Orthocen- trus TD2	Ichneumoni- dae	Myce- tophage	Diptera	Boden	2	?	Koino- biont	6	0.109		n
Orthocen- trus TD3	lchneumoni- dae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	2	0.723		n
osmia TD1	Megachilidae	Phy- tophag						1	0.000		n
Pantolyta TD1	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	2	?	Koino- biont	13	0.052	0.281	n
Pantolyta TD2	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	2	?	Koino- biont	10	0.026	0.100	b
Pantolyta TD3	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	2	?	Koino- biont	8	0.059	0.200	с
Pediobius TD1	Eulophidae	Minierer	Lepidop- tera	Kraut- schicht	2	?	Idio- biont	127	0.026	0.366	n
Pediobius TD2	Eulophidae	Minierer	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	Larve	Idio- biont	2	0.064	0.458	n
Peristenus TD1	Braconidae	Präd- atoren	Heterop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	0.112	0.899	n
Phaenogly- phis TD1	Charipidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	2	0.022	0.416	n
Phaenogly- phis TD2	Charipidae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	3	0.096		n
Phygadeuon TD12	lchneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	2	1.160		n
Phygadeuon TD14	lchneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1	0.222		n
Phygadeuon TD15	Ichneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1	1.280		n
Phygadeuon TD16	Ichneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1	0.158		n
Phygadeuon TD17	lchneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1	0.320		n
Phygadeuon TD18	Ichneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1			n
Phygadeuon TD19	Ichneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	4			n
Phygadeuon TD2	Ichneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1	0.287	1.248	n
Phygadeuon TD20	Ichneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1			n
Phygadeuon TD21	lchneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1			n
Phygadeuon TD3	Ichneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	3	0.134	0.988	n
Phygadeuon TD4	Ichneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1	0.180	1.373	n
Phygadeuon TD9	Ichneumoni- dae	?	Diptera	?	?	?	Idio- biont	1			n
Piestopleura TD1	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	0.033	0.395	n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Pimpla TD2	Ichneumoni- dae	e Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Boden	?	?	Idio- biont	1	7.459		n
Platygaster TD1	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	1	Larve	Koino- biont	15	0.036	0.449	n
Platygaster TD2	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	2	Larve	Koino- biont	1104	0.031	0.304	n
Platygaster TD3	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	17	0.019	0.384	n
Platygaster TD4	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	2	0.031	0.318	n
Platygaster TD5	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	0.023	0.237	n
Platygaster TD6	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	0.008	0.160	n
Platygaster TD7	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	3	0.013	0.198	n
Platystasius TD1	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	0.005	0.086	n
Polynema TD1	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	2	Larve	Idio- biont	10	0.005	0.096	n
Polynema TD2	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	?	Larve	Idio- biont	6	0.017	0.245	n
Polynema TD3	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	?	?	Idio- biont	1	0.004		n
Polynema TD4	Mymaridae	Eiparasi- toide	Cicadina	Kraut- schicht	?	?	Idio- biont	2	0.003		n
Prenanteon TD1	Dryinidae	Säft- esauger	Cicadina	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	2	0.334	1.665	n
Probles TD1	Ichneumoni- dae	?	Coleopte- ra	?	?	?	Koino- biont	2	0.723	1.646	n
Proclitus TD1	Ichneumoni- dae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	1			n
Pteromalina- e TD2	Pteromalidae	?	?	?	?	?	?	14	0.060	0.562	n
Pteromalina- e TD4	Pteromalidae	?	?	?	?	?	Koino- biont	1	0.045	0.430	n
Rogas TD1	Braconidae	e Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	2	?	Idio- biont	6	1.148	4.577	n
Rogas TD2	Braconidae	e Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Idio- biont	6	1.588	3.515	n
Rogas TD3	Braconidae	e Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	3	2.165		n
Rogas TD4	Braconidae	n Ektophy- tophage	Lepidop- tera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	0.898		n
Seladerma TD1	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	4	0.149	1.198	n
Seladerma TD2	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	?	?	Koino- biont	1	0.045		n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Semiotellus TD1	Pteromalidae	?	?	?	?	?	?	1	0.194	1.032	n
Semiotellus TD2	Pteromalidae	?	?	?	?	?	?	3	0.109		n
Spaniopus TD1	Pteromalidae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	?	?	1	0.083	0.811	n
Stenoma- crus TD1	Ichneumoni- dae	Myce- tophage	Diptera	Boden	2	?	Koino- biont	139	0.115	1.067	n
Stenoma- crus TD2	lchneumoni- dae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	5	0.168	1.384	n
Stenomalina TD1	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	?	?	?	1	0.260	1.665	n
Stenomalina TD2	Pteromalidae	Minierer	Diptera	Kraut- schicht	?	?	?	4	0.159		n
Subpriono- mitus TD1	Encyrtidae	?	?	?	?	?	Koino- biont	2	0.163	0.980	n
Synomelix TD1	lchneumoni- dae	nichtzu- zuordnen de Ektophy-	Symphyta	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	1.395		n
Synopeas TD2	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	1	Larve	Koino- biont	77	0.014	0.175	n
Synopeas TD3	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	0.041	0.549	n
Synopeas TD4	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	3	0.011	0.170	n
Telenomus TD1	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	2	?	Idio- biont	5	0.009	0.125	n
Telenomus TD3	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.012		n
Tetrastichus TD1	Eulophidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	6	0.010	0.195	n
Tetrastichus TD10	Eulophidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.029		n
Tetrastichus TD11	Eulophidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	2	0.082		n
Tetrastichus TD2	Eulophidae	?	?	?	2	?	Idio- biont	41	0.045	0.526	n
Tetrastichus TD3	Eulophidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	5	0.026	0.393	n
Tetrastichus TD4	Eulophidae	?	?	?	2	?	Idio- biont	10	0.045	0.539	n
Tetrastichus TD5	Eulophidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	6	0.041		n
Tetrastichus TD7	Eulophidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.028	0.416	n
Tetrastichus TD8	Eulophidae	?	?	?	2	?	Idio- biont	181	0.012		n
Tetrastichus TD9	Eulophidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.011		n

Artname	Familie	Wirtsgilde	Wirtstyp	Stratum	Zahl der Gene- ratio- nen	Hiber- nation	Para- sitoid- typ	Anzahl Tiere	Trocken- masse [mg]	Flü- gelflä che	Flü- gellig- keit
Therosco- pus TD1	Ichneumoni- dae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	?	2	?	Idio- biont	4	0.306		n
Therosco- pus TD2	lchneumoni- dae	Hyperpa- rasitoide	Apocrita	?	?	?	Idio- biont	2	0.630		n
Torymus TD1	Torymidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	16	0.166	1.065	n
Torymus TD2	Torymidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.373	1.748	n
Toxares TD1	Braconidae	Säft- esauger	Aphidina	Kraut- schicht	?	Larve	Idio- biont	5	0.028	0.666	n
Triaspis TD1	Eucoilidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	1	0.148		n
Trichacis TD1	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	1	Larve	Koino- biont	8	0.019	0.306	n
Trichacis TD2	Platygasteri- dae	Gallbild- ner	Diptera	Kraut- schicht	?	Larve	Koino- biont	1	0.065	0.649	n
Trichogram- ma TD1	Trichogram- matidae	Eiparasi- toide	Lepidop- tera	Kraut- schicht	2	Larve	Idio- biont	12	0.003	0.083	n
Trichomalus TD1	Pteromalidae	?	?	?	2	?	Idio- biont	2	0.050	0.458	n
Trichomalus TD2	Pteromalidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	3	0.055		n
Trichomalus TD3	Pteromalidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	2	0.055		n
Trichomalus TD4	Pteromalidae	?	?	?	?	?	Idio- biont	0	0.080		n
Trimorus TD1	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	2	?	Idio- biont	18	0.018	0.028	b
Trimorus TD2	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	?	?	Idio- biont	6	0.022	0.233	n
Trimorus TD3	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	2	Larve	Idio- biont	7	0.028	0.180	n
Trimorus TD5	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.021	0.146	n
Trimorus TD6	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	1	?	Idio- biont	6	0.005	0.073	n
Trimorus TD7	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.008	0.000	fl
Trimorus TD8	Scelionidae	Eiparasi- toide	?	?	?	?	Idio- biont	1	0.031	0.151	n
Trioxys TD2	Braconidae	Säft- esauger	Aphidina	Kraut- schicht	?	Larve	Idio- biont	1	0.029		n
Trybliogra- pha TD1	Eucoilidae	?	Diptera	?	2	?	Koino- biont	16	0.199	1.392	n
Trybliogra- pha TD2	Eucoilidae	?	Diptera	?	?	?	Koino- biont	1	0.321		n
Zygota TD1	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	2	0.066	0.676	n
Zygota TD2	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	1	0.114	0.874	n
Zygota TD3	Diapriidae	Myce- tophage	Diptera	Boden	?	?	Koino- biont	1	0.079		n

Anhang C: Jahresgänge der wichtigsten determinierten Hymenopterenarten des Drakenberges. Aufgetragen ist die Zahl der Weibchen gefangen in den ersten (1 Monat) oder den zweiten (2 Monat) Wochen eines Monats. Männchen sind aus Vergleichsgründen nicht berücksichtigt.







Anhang D: Die determinierten Arten, die auf dem Drakenberg und im Göttinger Kalkbuchenwald vorkamen

Aclastus solutus Aphaereta tenuicornis Aphelopus melaleucus Aphelopus serratus Asaphes suspensus Asobara tabida Basalys abrupta Basalys parva Basalys tripartita Blacus humilis Blacus ruficornis Centistes cuspidatus Charitopes clausus Chorebus nerissa Cirrospilus vittatus Coelichneumon desinatorius Cyrtogaster vulgaris Dapsilarthra rufiventris Dendrocerus dubiosus Dendrocerus halidayi Dibrachys cavus Diphyus palliatorius Diplazon laetatorius Epitomus infuscatus Ethelurgus sodalis Eustochus atripennis Exallonyx brevicornis Exallonyx longicornis Exallonyx microcerus

Exallonyx minor Exallonyx quadriceps Exallonyx subserratus Exallonyx trichomus Gelis brassicae Hemiptarsenus fulvicollis Iphitrachelus lar Kleidotoma psiloides Lagynodes pallidus Leptacis tipulae Litus cynipseus Macroglenes chalybea Mastrus deminuens Microplitis mediator Mymar pulchellum Oxylabis thomsoni Pachyprotasis rapae Panstenon oxylus Pantoclis ?ruralis Phaneroserphus calcar Phygadeuon trichops Pimpla melanacrias Polyaulon paradoxus Polynema fumipenne Synopeas decurvatus Tretoserphus laricis Trichacis pisis Trichopria aequata

Anhang E: Gattungen der Parasitoide des Drakenbergs, für die Gewichtsdaten vorhanden sind, mit Artenzahlen, mittlerem Trockengewicht [mg] und dessen Standardabweichung, sowie dem Variationskoeffizienten, der Schiefe der Arten (berechnet über In-transformierte Gewichte) und der Spanne der Gewichte (Max / Min).

Gattung	Hauptwirtsgilde	Zahl der Arten	Mittleres Gewicht in mg	StdAbw.	CV	Schiefe	Spanne des Gewichts
Aclastus	Eiparasitoide	2	0.156	0.106	0.682	0.000	5.282
Aclista	Mycetophage	1	0.057	0.000	0.000	0.000	1.000
Aclitus	Säftesauger	1	0.115	0.000	0.000	0.000	1.000
Acrolvta	Hyperparasitoide	1	0.388	0.000	0.000	0.000	1.000
Aleiodes	Ektophytophage	1	0.728	0.000	0.000	0.000	1.000
Alloea	Saprophage	1	0.095	0.000	0.000	0.000	1.000
Allotropa	Säftesauger	1	0.006	0.000	0.000	0.000	1.000
Alloxysta	Hyperparasitoide	4	0.027	0.014	0.516	-1.045	5.115
Alomya	Ektophytophage	1	15.874	0.000	0.000	0.000	1.000
Alysiini	?	1	0.017	0.000	0.000	0.000	1.000
Amblyaspis	Gallbildner	3	0.031	0.015	0.504	3.078	2.792
Anagrus	Eiparasitoide	3	0.008	0.002	0.234	0.893	1.758
Anaphes	Eiparasitoide	8	0.009	0.007	0.755	0.064	9.528
Aneurhynchus	Saprophage	1	0.269	0.000	0.000	0.000	1.000
Anopedias	Gallbildner	1	0.026	0.000	0.000	0.000	1.000
Anteris	Eiparasitoide	1	0.022	0.000	0.000	0.000	1.000
Apanteles	Ektophytophage	2	0.287	0.139	0.486	0.000	2.889
, Aphaereta	Saprophage	2	0.257	0.067	0.260	0.000	1.702
, Aphanogmus	?	13	0.009	0.006	0.656	-0.162	12.186
Aphelinus	Säftesauger	3	0.013	0.008	0.606	1.863	4.091
Aphelopus	Säftesauger	2	0.157	0.007	0.043	0.000	1.090
, Aphidius	Säftesauger	1	0.065	0.000	0.000	0.000	1.000
, Aphvtis	Säftesauger	2	0.011	0.004	0.383	0.000	2.241
Arthrolvtus	Minierer	2	0.098	0.072	0.732	0.000	6.457
Asaphes	Hyperparasitoide	1	0.066	0.000	0.000	0.000	1.000
Ascogaster	Ektophytophage	1	0.974	0.000	0.000	0.000	1.000
Asobara	Saprophage	1	0.042	0.000	0.000	0.000	1.000
Aspilota	Saprophage	7	0.032	0.014	0.423	-0.327	3.226
Astiphromma	Hyperparasitoide	1	3.150	0.000	0.000	0.000	1.000
Atractodes	Saprophage	1	0.409	0.000	0.000	0.000	1.000
Baeus	Eiparasitoide	1	0.003	0.000	0.000	0.000	1.000
Basalys	Saprophage	12	0.050	0.061	1.222	-0.324	73.645
Belyta	Mycetophage	1	0.287	0.000	0.000	0.000	1.000
Blacus	Saprophage	6	0.129	0.062	0.484	0.050	4.276
Blastothrix	Säftesauger	2	0.032	0.014	0.430	0.000	2.509
Brachygaster	Eiparasitoide	1	0.974	0.000	0.000	0.000	1.000
Bracon	?	6	0.317	0.222	0.701	0.716	6.272
Callitula	Minierer	1	0.034	0.000	0.000	0.000	1.000
Campoletis	Ektophytophage	1	0.676	0.000	0.000	0.000	1.000
Camptoptera	Eiparasitoide	1	0.001	0.000	0.000	0.000	1.000
Centistes	Prädatoren	1	0.171	0.000	0.000	0.000	1.000
Ceranisus	Säftesauger	1	0.006	0.000	0.000	0.000	1.000
Ceraphron	?	11	0.031	0.044	1.437	2.064	23.788
Charitopes	Prädatoren	1	0.415	0.000	0.000	0.000	1.000
Chasmodon	Minierer	1	0.028	0.000	0.000	0.000	1.000
Chelogynus	Säftesauger	2	0.383	0.058	0.152	0.000	1.359

Gattung	Hauptwirtsgilde	Zahl der Arten	Mittleres Gewicht in mg	StdAbw.	CV	Schiefe	Spanne des Gewichts
Chelonus	?	1	0.140	0.000	0.000	0.000	1.000
Chlorocytus	Minierer	2	0.128	0.025	0.198	0.000	1.493
Chorebus	Minierer	8	0.221	0.292	1.323	1.828	22.992
Chrvsocharis	Minierer	1	0.042	0.000	0.000	0.000	1.000
Cinetus	Mycetophage	1	0.164	0.000	0.000	0.000	1.000
Cirrospilus	Minierer	1	0.020	0.000	0.000	0.000	1.000
Cleonvmus	Xvlophage	1	0.032	0.000	0.000	0.000	1.000
Cleruchus	Eiparasitoide	1	0.002	0.000	0.000	0.000	1.000
Coelichneumon	Ektophytophage	1	13.553	0.000	0.000	0.000	1.000
Coelinius	Minierer	1	0.397	0.000	0.000	0.000	1.000
Conostigmus	?	9	0.037	0.022	0.605	0.075	6.667
Cremnodes	?	1	0.029	0.000	0.000	0.000	1.000
Cryptopimpla	Ektophytophage	1	3.072	0.000	0.000	0.000	1.000
Cryptus	Ektophytophage	1	2.469	0.000	0.000	0.000	1.000
Cymodusa	?	1	1.163	0.000	0.000	0.000	1.000
Cyrtogaster	Minierer	1	0.086	0.000	0.000	0.000	1.000
Dacnusa	Minierer	4	0.067	0.013	0.200	-1.102	1.759
Dapsilarthra	Minierer	1	0.124	0.000	0.000	0.000	1.000
Dendrocerus	Prädatoren	3	0.041	0.016	0.380	-0.889	2.696
Dibrachys	Hyperparasitoide	2	0.165	0.089	0.541	0.000	3.362
Dicaelotus	Ektophytophage	1	0.679	0.000	0.000	0.000	1.000
Dichrogaster	Prädatoren	1	0.468	0.000	0.000	0.000	1.000
Diglyphus	Minierer	1	0.027	0.000	0.000	0.000	1.000
Diphyus	Ektophytophage	1	16.063	0.000	0.000	0.000	1.000
Diplazon	Prädatoren	1	1.553	0.000	0.000	0.000	1.000
Disorygma	Minierer	1	0.055	0.000	0.000	0.000	1.000
Doliphoceras	Säftesauger	1	0.034	0.000	0.000	0.000	1.000
Dryinus	Säftesauger	1	0.231	0.000	0.000	0.000	1.000
Encyrtidae	?	14	0.028	0.016	0.565	-1.442	20.618
Entomacis	Saprophage	2	0.026	0.000	0.010	0.000	1.020
Ephedrus	Säftesauger	1	0.021	0.000	0.000	0.000	1.000
Ephedrus	Säftesauger	2	0.033	0.008	0.247	0.000	1.656
Epitomus	Ektophytophage	1	0.308	0.000	0.000	0.000	1.000
Ericydnus	Säftesauger	1	0.066	0.000	0.000	0.000	1.000
Ericydnus	Säftesauger	1	0.119	0.000	0.000	0.000	1.000
Ethelurgus	Prädatoren	1	1.772	0.000	0.000	0.000	1.000
Eupelmus	?	1	0.021	0.000	0.000	0.000	1.000
Eurytoma	Minierer	2	0.088	0.005	0.061	0.000	1.131
Eusterinx	Mycetophage	1	0.281	0.000	0.000	0.000	1.000
Eustochus	Eiparasitoide	1	0.011	0.000	0.000	0.000	1.000
Exallonyx	Prädatoren	11	0.257	0.163	0.636	-0.560	13.222
Gastrancistrus	Gallbildner	1	0.080	0.000	0.000	0.000	1.000
Gelinae	?	5	0.856	0.707	0.826	-0.762	21.956
Gelis	Hyperparasitoide	8	0.143	0.103	0.722	-2.105	65.615
Gonatocerus	Eiparasitoide	1	0.018	0.000	0.000	0.000	1.000
Gryon	Eiparasitoide	2	0.007	0.002	0.305	0.000	1.880
Habrocytus	?	4	0.306	0.291	0.952	1.543	9.667
Hemigasterini	?	6	1.219	0.633	0.520	-2.116	11.110
Hemiptarsenus	Minierer	2	0.040	0.025	0.630	0.000	4.409
Heterischnus	Ektophytophage	1	1.660	0.000	0.000	0.000	1.000
Homoporus	Gallbildner	1	0.039	0.000	0.000	0.000	1.000
Homotherus	Ektophytophage	1	12.779	0.000	0.000	0.000	1.000

Gattung	Hauptwirtsgilde	Zahl der Arten	Mittleres Gewicht in mg	StdAbw.	CV	Schiefe	Spanne des Gewichts
Hoplismenus	Ektophytophage	1	3.815	0.000	0.000	0.000	1.000
Hormius	Minierer	1	0.091	0.000	0.000	0.000	1.000
Ichneumoninae	Ektophytophage	1	3.383	0.000	0.000	0.000	1.000
Idiolispa	?	1	3.100	0.000	0.000	0.000	1.000
Inostemma	Gallbildner	2	0.024	0.007	0.312	0.000	1.909
Iphitrachelus	?	1	0.008	0.000	0.000	0.000	1.000
Ismarus	Hyperparasitoide	1	0.220	0.000	0.000	0.000	1.000
Kleidotoma	Saprophage	4	0.032	0.013	0.392	0.350	2.615
Laavnodes	?	1	0.012	0.000	0.000	0.000	1.000
Leptacis	Gallbildner	1	0.018	0.000	0.000	0.000	1.000
Lipolexis	Säftesauger	1	0.018	0.000	0.000	0.000	1.000
Lissonota	Ektophytophage	6	2.812	1.493	0.531	-0.044	4.259
Litus	Eiparasitoide	1	0.005	0.000	0.000	0.000	1.000
Lyka	' ?	1	0.026	0.000	0.000	0.000	1.000
Macrocentrus	Ektophytophage	2	0.326	0.047	0.144	0.000	1.337
Macroglenes	Gallbildner	3	0.046	0.015	0.321	3.071	1.942
Macroneura	Hyperparasitoide	1	0.010	0.000	0.000	0.000	1.000
Mastrus	Hyperparasitoide	1	0.969	0.000	0.000	0.000	1.000
Megastylus	Mycetophage	1	2.291	0.000	0.000	0.000	1.000
Meraporus	Minierer	1	0.033	0.000	0.000	0.000	1.000
, Merostenus	Ektophytophage	1	0.035	0.000	0.000	0.000	1.000
Mesochorus	Hyperparasitoide	2	0.866	0.000	0.000	0.000	1.000
Mesopolobus	?	1	0.021	0.000	0.000	0.000	1.000
, Metaphycus	Säftesauger	1	0.055	0.000	0.000	0.000	1.000
Microctonus	Ektophytophage	1	0.043	0.000	0.000	0.000	1.000
Microgaster	Ektophytophage	1	0.422	0.000	0.000	0.000	1.000
Microplitis	Ektophytophage	3	0.462	0.197	0.427	-3.144	3.383
, Miscogaster	Minierer	1	0.042	0.000	0.000	0.000	1.000
Mymar	Eiparasitoide	1	0.006	0.000	0.000	0.000	1.000
Necremnus	Minierer	1	0.050	0.000	0.000	0.000	1.000
Olesicampe	Ektophytophage	2	1.243	0.095	0.077	0.000	1.166
Oligosita	Eiparasitoide	1	0.001	0.000	0.000	0.000	1.000
Omphale	Gallbildner	6	0.028	0.012	0.417	1.568	2.601
Ooctonus	Eiparasitoide	3	0.013	0.003	0.197	2.815	1.538
Opius	Minierer	5	0.088	0.036	0.405	0.528	2.773
Orthocentrus	Mycetophage	3	0.464	0.260	0.560	-2.958	6.625
Oxylabis	Mycetophage	1	0.280	0.000	0.000	0.000	1.000
Panstenon	Eiparasitoide	1	0.040	0.000	0.000	0.000	1.000
Pantoclis	Mycetophage	2	0.143	0.017	0.116	0.000	1.262
Pantolyta	Mycetophage	3	0.046	0.014	0.309	-2.946	2.254
Pediobius	Minierer	2	0.045	0.019	0.424	0.000	2.472
Pentapleura	Saprophage	1	0.062	0.000	0.000	0.000	1.000
Peristenus	Prädatoren	2	0.113	0.002	0.015	0.000	1.031
Phaenoglyphis	Hyperparasitoide	2	0.059	0.037	0.624	0.000	4.321
Phaneroserphus	Prädatoren	1	0.588	0.000	0.000	0.000	1.000
Phrudus	?	1	0.179	0.000	0.000	0.000	1.000
Phygadeuon	?	9	0.482	0.416	0.863	0.808	9.582
Piestopleura	Gallbildner	1	0.033	0.000	0.000	0.000	1.000
Pimpla	Ektophytophage	2	7.576	0.117	0.015	0.000	1.031
Platygaster	Gallbildner	7	0.023	0.010	0.413	-1.239	4.594
Platylabus	Ektophytophage	1	1.423	0.000	0.000	0.000	1.000
Platystasius	Gallbildner	1	0.005	0.000	0.000	0.000	1.000

Polyaulon Prädatoren 1 0.161 0.000 0.000 1.000 Polynema Eiparasitoide 5 0.008 0.005 0.663 0.755 5.272 Praon Säftesauger 1 0.334 0.000 0.000 0.000 1.000 Prenanteon Säftesauger 1 0.334 0.000 0.000 0.000 1.000 Probles ? 1 0.410 0.000 0.000 1.000 Pronoryptus Ektophytophage 1 2.690 0.000 0.000 1.000 Rhoptromeris Minierer 1 0.048 0.000 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 1 0.420 0.481 0.332 0.294 2.412 Scelic Eiparasitoide 1 0.420 0.481 0.332 0.294 2.482 Spaniopus Galibildner 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenodonus Ektophyto	Gattung	Hauptwirtsgilde	Zahl der Arten	Mittleres Gewicht in mg	StdAbw.	CV	Schiefe	Spanne des Gewichts
Polynema Eiparasitoide 5 0.008 0.005 0.663 0.755 5.272 Praon Säftesauger 1 0.066 0.000 0.000 1.000 Praneteon Säftesauger 1 0.723 0.000 0.000 1.000 Probles ? 1 0.410 0.000 0.000 1.000 Priorpainiae ? 2 0.053 0.008 0.147 0.000 1.000 Rhoptromeris Minierer 1 0.048 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 1 0.044 0.000 0.000 1.000 Scelio Eiparasitoide 1 0.262 0.537 0.000 3.322 Semiobus Gallbildner 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenomacrus Mineter 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenomacrus Mineter 1 0.133 0.000 0.000 1.	Polyaulon	Prädatoren	1	0.161	0.000	0.000	0.000	1.000
Praon Säftesauger 1 0.066 0.000 0.000 0.000 1.000 Prenanteon Såftesauger 1 0.334 0.000 0.000 1.000 Probles ? 1 0.723 0.000 0.000 1.000 Psilocera ? 1 0.410 0.000 0.000 1.000 Psilocera ? 2 0.053 0.008 0.147 0.000 1.000 Rhoptromeris Minierer 1 0.048 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 1 0.41 0.000 0.000 1.000 Sericio Eiparasitoide 1 0.262 0.000 0.000 1.000 Seriopus Gallbildner 1 0.846 0.000 0.000 1.000 Stenodntus Ektophytophage 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenodntus Kitophytophage 1 0.163 0.000 0.000 1.0	Polynema	Eiparasitoide	5	0.008	0.005	0.663	0.755	5.272
Prenanteon Säftesauger 1 0.334 0.000 0.000 0.000 1.000 Probles ? 1 0.723 0.000 0.000 1.000 Probles ? 1 0.723 0.000 0.000 1.000 Pteromalinae ? 2 0.053 0.008 0.147 0.000 1.000 Rhoptromeris Minierer 1 0.048 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 1 0.041 0.000 0.000 1.000 Scelio Eiparasitoide 1 0.262 0.000 0.000 1.000 Scelaterma Minierer 1 0.083 0.000 0.000 1.000 Sphanigus Galibidner 1 0.830 0.000 0.000 1.000 Stenodontus Ektophytophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.000 Stenomacinus Mycetophage 1 0.163 0.000	Praon	Säftesauger	1	0.066	0.000	0.000	0.000	1.000
Probles ? 1 0.723 0.000 0.000 0.000 1.000 Psilocera ? 1 0.410 0.000 0.000 0.000 1.000 Petromalinae ? 2 0.053 0.008 0.147 0.000 1.000 Rhoptomeris Minierer 1 0.048 0.000 0.000 0.000 1.000 Rhynchopsilus Mycetophage 1 0.041 0.000 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 4 1.450 0.481 0.332 0.294 2.412 Scelio Eiparasitoide 1 0.262 0.537 0.000 1.000 Seladerma Minierer 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenodantus Ektophytophage 1 0.486 0.000 0.000 1.000 Stenomarus Mycetophage 1 0.486 0.000 0.000 1.000 Stenomalina Minierer	Prenanteon	Säftesauger	1	0.334	0.000	0.000	0.000	1.000
Psilocera ? 1 0.410 0.000 0.000 0.000 1.000 Pteromalinae ? 2 0.053 0.008 0.147 0.000 1.345 Pyenocryptus Ektophytophage 1 2.690 0.000 0.000 1.000 Rhoptromeris Minierer 1 0.041 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 1 0.041 0.000 0.000 1.000 Seciio Eiparasitoide 1 0.262 0.537 0.000 3.322 Semiotellus ? 3 0.127 0.049 0.386 1.453 2.482 Spaniopus Gallbildner 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenodantus Ektophytophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.000 Stenomarus Minierer 1 0.325 0.000 0.000 1.000 Subbas Minierer 1 0.163 <	Probles	?	1	0.723	0.000	0.000	0.000	1.000
Pteromalinae ? 2 0.053 0.008 0.147 0.000 1.345 Pycnocryptus Ektophytophage 1 2.690 0.000 0.000 1.000 Rhoptromeris Minierer 1 0.048 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 1 0.041 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 1 0.262 0.000 0.000 1.000 Seladerma Minierer 2 0.097 0.052 0.537 0.000 1.000 Seladerma Minierer 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Sphegigaster Minierer 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenomatrus Mycetophage 2 0.142 0.27 -1.89 0.000 1.000 Stenomatina Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Subprionomitus ? 1 0.163 0.000	Psilocera	?	1	0.410	0.000	0.000	0.000	1.000
Pycnocryptus Ektophytophage 1 2.690 0.000 0.000 1.000 Rhoptromeris Minierer 1 0.048 0.000 0.000 1.000 Rhynchopsilus Mycetophage 1 0.041 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 1 0.481 0.332 0.294 2.412 Scelio Eiparasitoide 1 0.262 0.000 0.000 1.000 Seladerma Minierer 2 0.097 0.552 0.537 0.000 3.322 Semiotellus ? 3 0.127 0.49 0.386 1.453 2.482 Spanipus Gallbildner 1 0.836 0.000 0.000 1.000 Stenodntus Ektophytophage 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenomalina Minierer 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Sublobs Minierer 1 0.165 0.000 0.0	Pteromalinae	?	2	0.053	0.008	0.147	0.000	1.345
Rhoptromeris Minierer 1 0.048 0.000 0.000 1.000 Rhoptrohopsilus Mycetophage 1 0.041 0.000 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 1 4.50 0.481 0.332 0.294 2.412 Scelio Eiparasitoide 1 0.262 0.537 0.000 3.000 3.222 Semiotellus ? 3 0.127 0.049 0.386 1.453 2.482 Spaniopus Gallbildner 1 0.83 0.000 0.000 1.000 Stenodontus Ektophytophage 1 0.486 0.000 0.000 1.000 Stenomacrus Mycetophage 1 0.527 -1.306 5.506 Stlibobs Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Subprionomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Suparase Gallbildner 1 0.227 0.18	Pvcnocrvptus	Ektophytophage	1	2.690	0.000	0.000	0.000	1.000
Rhynchopsilus Mycetophage 1 0.041 0.000 0.000 1.000 Rogas Ektophytophage 4 1.450 0.481 0.332 0.294 2.412 Scelio Eiparasitoide 1 0.262 0.000 0.000 0.000 1.000 Seladerma Minierer 2 0.097 0.552 0.537 0.000 3.322 Semiotellus ? 3 0.127 0.049 0.386 1.453 2.482 Spaniopus Gallbildner 1 0.083 0.000 0.000 1.000 Stenodnitus Ektophytophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.000 Stenomarus Mycetophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.000 Stenomarus Mycetophage 1 0.325 0.000 0.000 0.000 1.000 Stilbobs Minierer 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Sussaba<	Rhoptromeris	Minierer	1	0.048	0.000	0.000	0.000	1.000
Rogas Ektophytophage 1 1.450 0.481 0.332 0.224 2.412 Scelio Eiparasitoide 1 0.262 0.000 0.000 0.000 1.000 Seladerma Minierer 2 0.097 0.052 0.537 0.000 3.322 Seniotellus ? 3 0.127 0.049 0.386 1.453 2.482 Spaniopus Gallbildner 1 0.083 0.000 0.000 1.000 Stenomarus Mycetophage 1 0.846 0.000 0.000 1.000 Stenomarus Mycetophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.000 Stenomarus Mycetophage 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Subprionomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Symarca Mycetophage 1 0.267 0.018 0.290 0.000 1.000 Symarca Mycetophage	Rhvnchopsilus	Mycetophage	1	0.041	0.000	0.000	0.000	1.000
Scelio Eiparasitoide 1 0.262 0.000 0.000 0.000 1.000 Seladerma Minierer 2 0.097 0.052 0.537 0.000 3.322 Semiotellus ? 3 0.127 0.049 0.386 1.453 2.482 Spaniopus Gallbildner 1 0.033 0.000 0.000 1.000 Stenodontus Ektophytophage 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenomaina Minierer 4 0.214 0.113 0.527 -1.306 5.506 Stilbobs Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Sussaba Prádatoren 2 0.627 0.018 0.029 0.000 1.000 Sympiesis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Sympresis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Symopeas Gallbildner 4	Rogas	Ektophytophage	4	1.450	0.481	0.332	0.294	2.412
Seladerma Minierer 2 0.097 0.052 0.537 0.000 3.322 Semiotellus ? 3 0.127 0.049 0.386 1.453 2.482 Spaniopus Gallbildner 1 0.083 0.000 0.000 1.000 Sphegigaster Minierer 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenodontus Ektophytophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.000 Stenomalina Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Stilpobs Minierer 1 0.525 0.000 0.000 1.000 Supprinomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Supprisis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Synacra Mycetophage 1 0.185 0.000 0.000 1.000 Synopeas Gallbildner 4 0.024 0.012	Scelio	Finarasitoide	1	0 262	0.000	0.000	0.000	1 000
Semiotellus ? 3 0.127 0.042 0.386 1.453 2.482 Spaniopus Gallbildner 1 0.083 0.000 0.000 1.000 Speniopus Gallbildner 1 0.083 0.000 0.000 1.000 Stenodontus Ektophytophage 1 0.846 0.000 0.000 1.000 Stenomacrus Mycetophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.000 Stenomacrus Mycetophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.000 Stenomacrus Mycetophage 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Stilpous Saprophage 1 0.325 0.000 0.000 1.000 Subprionomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Synancra Mycetophage 1 0.395 0.000 0.000 1.000 Synomelix Ektophytophage 1 0.395 <t< td=""><td>Seladerma</td><td>Minierer</td><td>2</td><td>0.097</td><td>0.052</td><td>0.537</td><td>0.000</td><td>3 322</td></t<>	Seladerma	Minierer	2	0.097	0.052	0.537	0.000	3 322
Spaniopus Gallbildner 1 0.083 0.000 0.000 1.000 Sphegigaster Minierer 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenodontus Ektophytophage 1 0.846 0.000 0.000 1.000 Stenomacrus Mycetophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.466 Stenomalina Minierer 4 0.214 0.113 0.527 -1.306 5.506 Stilbobs Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Sussaba Prädatoren 2 0.627 0.018 0.029 0.000 1.000 Sympiesis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Symoreix Ektophytophage 1 0.128 0.000 0.000 1.000 Symoreas Gallbildner 4 0.024 0.012 0.502 0.046 3.680 Telenomus Elparasitoide 2	Semiotellus	?	3	0.007	0.049	0.386	1 453	2 482
Sphegigaster Minierer 1 0.103 0.000 0.000 0.000 1.000 Stenodontus Ektophytophage 1 0.133 0.000 0.000 1.000 Stenomacrus Mycetophage 2 0.142 0.013 0.000 1.000 Stenomalina Minierer 4 0.214 0.113 0.527 -1.306 5.506 Stilbobs Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Subproinomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Sympiesis Minierer 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Symoreix Ektophytophage 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Symoreas Gallbildner 4 0.024 0.000 0.000 1.000 Synopeas Gallbildner 4 0.024 0.012 0.522 0.464 3.680 Tetrastichus ? 10 0.033 0.021 </td <td>Spaniopus</td> <td>Gallbildner</td> <td>1</td> <td>0.083</td> <td>0.000</td> <td>0.000</td> <td>0.000</td> <td>1 000</td>	Spaniopus	Gallbildner	1	0.083	0.000	0.000	0.000	1 000
Dingradius Ektophytophage 1 0.103 0.000 0.000 0.000 1.000 Stenomalina Minierer 4 0.214 0.027 0.189 0.000 1.000 Stenomalina Minierer 4 0.214 0.113 0.527 -1.306 5.506 Stibobs Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Stipnonomitus Saprophage 1 0.325 0.000 0.000 1.000 Subprionomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Sussaba Prädatoren 2 0.627 0.018 0.029 0.000 1.000 Synacra Mycetophage 1 0.028 0.000 0.000 1.000 Synopeas Gallbildner 4 0.024 0.012 0.502 0.046 3.680 Telenomus Eiparasitoide 2 0.010 0.011 0.121 0.000 2.253 Toxares Säftesau	Spheaiaaster	Minierer	1	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
Stenomarus Mycetophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.466 Stenomarus Mycetophage 2 0.142 0.027 0.189 0.000 1.466 Stenomalina Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Stilpobs Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Subprionomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Sussaba Prädatoren 2 0.627 0.018 0.029 0.000 1.000 Sympiesis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Synacra Mycetophage 1 0.395 0.000 0.000 1.000 Synacra Mycetophage 1 0.395 0.000 0.000 1.000 Synacra Mycetophage 1 0.395 0.000 0.000 1.000 Synacra Gallbildner 4 0.024 0.012	Stenodontus	Ektonhytonhage	1	0.100	0.000	0.000	0.000	1.000
Stenomalina Minierer 4 0.214 0.113 0.527 -1.306 5.506 Stilbobs Minierer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 Stilpnus Saprophage 1 0.325 0.000 0.000 1.000 Subsriptionomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Sussaba Prädatoren 2 0.627 0.018 0.029 0.000 1.000 Sympiesis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Synopeas Gallbildner 4 0.024 0.012 0.502 0.046 3.680 Telenomus Eiparasitoide 2 0.010 0.001 0.121 0.000 1.275 Tetastichus ? 10 0.033 0.021 0.636 -0.229 8.238 Theroscopus Hyperparasitoide 3 0.461 0.133 0.288 -0.000 1.000 Trickosis Gallbildn	Stenomacrus	Mycetonhage	2	0.040	0.000	0.000	0.000	1.000
Stilbobs Miniterer 1 1.590 0.000 0.000 1.000 1.000 Stilpnus Saprophage 1 0.325 0.000 0.000 1.000 Subprionomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Sussaba Prädatoren 2 0.627 0.018 0.029 0.000 1.000 Synspiesis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Synopelix Ektophytophage 1 0.958 0.000 0.000 1.000 Synopeas Gallbildner 4 0.024 0.012 0.502 0.046 3.680 Telenomus Eiparasitoide 2 0.010 0.001 0.121 0.000 1.000 Synopeas Gallbildner 4 0.024 0.012 0.502 0.046 3.680 Tetenomus Eiparasitoide 2 0.010 0.000 0.000 1.000 Torymus ? 1	Stenomalina	Minierer	4	0.142	0.027	0.100	-1.306	5 506
Stilpnus Saprophage 1 0.325 0.000 0.000 1.000 Subprionomitus ? 1 0.163 0.000 0.000 1.000 Sussaba Prädatoren 2 0.627 0.018 0.029 0.000 1.000 Sympiesis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Synacra Mycetophage 1 0.028 0.000 0.000 1.000 Synacra Mycetophage 1 0.028 0.000 0.000 1.000 Synacra Gallbildner 4 0.024 0.012 0.502 0.046 3.680 Telenomus Eiparasitoide 2 0.010 0.001 0.121 0.000 1.275 Tetrastichus ? 10 0.033 0.021 0.636 -0.229 8.238 Theroscopus Hyperparasitoide 3 0.461 0.133 0.288 -0.0258 2.060 Torymus ? 1 <t< td=""><td>Stilhohs</td><td>Minierer</td><td>1</td><td>1 590</td><td>0.000</td><td>0.027</td><td>0.000</td><td>1 000</td></t<>	Stilhohs	Minierer	1	1 590	0.000	0.027	0.000	1 000
Chiphila Chiphilas Chiphilas <thchiphilas< th=""> Chiphilas <thchiphilas< th=""> <thchiphilas< th=""> <thchi< td=""><td>Stilnnus</td><td>Sanronhade</td><td>1</td><td>0.325</td><td>0.000</td><td>0.000</td><td>0.000</td><td>1.000</td></thchi<></thchiphilas<></thchiphilas<></thchiphilas<>	Stilnnus	Sanronhade	1	0.325	0.000	0.000	0.000	1.000
Bussaba Prädatoren 2 0.637 0.018 0.029 0.000 1.000 Sussaba Prädatoren 1 0.165 0.001 0.029 0.000 1.000 Synpiesis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 0.000 1.000 Synorelix Ektophytophage 1 1.395 0.000 0.000 0.000 1.000 Synorelix Ektophytophage 1 1.395 0.000 0.000 1.000 Synorelix Ektophytophage 1 1.395 0.000 0.000 1.000 Synorelix Eiparasitoide 2 0.011 0.121 0.000 1.275 Tetrastichus ? 10 0.033 0.021 0.636 -0.229 8.238 Theroscopus Hyperparasitoide 3 0.461 0.133 0.288 -0.025 2.060 Trichoscopus ? 1 0.496 0.000 0.000 1.000 Trichogramma <	Subprionomitus	2	1	0.020	0.000	0.000	0.000	1.000
Sympiesis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Sympiesis Minierer 1 0.165 0.000 0.000 1.000 Synara Mycetophage 1 0.028 0.000 0.000 1.000 Synopeas Gallbildner 4 0.024 0.012 0.502 0.046 3.680 Telenomus Eiparasitoide 2 0.010 0.001 0.121 0.000 1.275 Tetrastichus ? 10 0.033 0.021 0.636 -0.229 8.238 Theroscopus Hyperparasitoide 3 0.461 0.133 0.288 -0.258 2.060 Torymus ? 2 0.269 0.104 0.385 0.000 2.253 Toxares Säftesauger 1 0.496 0.000 0.000 1.000 Trickosis Gallbildner 3 0.046 0.220 0.424 -2.923 3.385 Trichogramma Eiparasitoide	Sussaha	: Prädatoren	2	0.100	0.000	0.000	0.000	1.000
Synacra Mycetophage 1 0.103 0.000 0.000 1.000 Synacra Mycetophage 1 0.028 0.000 0.000 1.000 Synacra Ktophytophage 1 1.395 0.000 0.000 1.000 Synacra Gallbildner 4 0.024 0.012 0.502 0.046 3.680 Telenomus Eiparasitoide 2 0.010 0.001 0.121 0.000 1.275 Tetrastichus ? 10 0.033 0.021 0.636 -0.229 8.238 Theroscopus Hyperparasitoide 3 0.461 0.133 0.288 -0.258 2.060 Torymus ? 2 0.269 0.104 0.385 0.000 2.253 Toxares Säftesauger 1 0.496 0.000 0.000 1.000 Trichosis Gallbildner 3 0.046 0.020 0.424 -2.923 3.385 Trichogramma Eiparasit	Symplesis	Minierer	1	0.027	0.010	0.020	0.000	1.000
Synomelix Ektophytophage 1 0.020 0.000 0.000 0.000 1.000 Synomelix Ektophytophage 1 1.395 0.000 0.000 0.000 1.000 Synomelix Eiktophytophage 1 1.395 0.000 0.000 0.000 1.000 Synomelix Eiparasitoide 2 0.010 0.012 0.502 0.046 3.680 Telenomus Eiparasitoide 2 0.010 0.001 0.121 0.000 1.275 Tetrastichus ? 10 0.033 0.021 0.636 -0.229 8.238 Theroscopus Hyperparasitoide 3 0.461 0.133 0.288 -0.258 2.060 Toxares Säftesauger 1 0.028 0.000 0.000 1.000 Trichacis Gallbildner 3 0.046 0.020 0.424 -2.923 3.385 Trichogramma Eiparasitoide 1 0.072 0.000 0.000	Synacra	Mycetonhage	1	0.100	0.000	0.000	0.000	1.000
Synopeas Gallbildner 4 0.024 0.100 0.000 0.000 1.000 Synopeas Gallbildner 4 0.024 0.012 0.502 0.046 3.680 Telenomus Eiparasitoide 2 0.010 0.021 0.636 -0.229 8.238 Theroscopus Hyperparasitoide 3 0.461 0.133 0.288 -0.258 2.060 Torymus ? 2 0.269 0.104 0.385 0.000 2.253 Toxares Säftesauger 1 0.496 0.000 0.000 1.000 Trichserphus ? 1 0.496 0.000 0.000 1.000 Trichosrapis ? 1 0.496 0.000 0.000 1.000 Trichogramma Eiparasitoide 1 0.003 0.000 0.000 1.000 Trichomalupsis Minierer 1 0.072 0.000 0.000 1.000 Trichopria Saprophage 6 <td>Synamelix</td> <td>Ektonhytonhage</td> <td>1</td> <td>1 395</td> <td>0.000</td> <td>0.000</td> <td>0.000</td> <td>1.000</td>	Synamelix	Ektonhytonhage	1	1 395	0.000	0.000	0.000	1.000
OriginalEiparasitoide20.0120.0120.0120.0001.275TelenomusEiparasitoide20.010.0210.636-0.2298.238TheroscopusHyperparasitoide30.4610.1330.288-0.2582.060Torymus?20.2690.1040.3850.0002.253ToxaresSäftesauger10.0280.0000.0000.0001.000Trichoserphus?10.4960.0000.0000.0001.000TrichacisGallbildner30.0460.0200.424-2.9233.385TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000Trichomalus?40.0600.0110.1912.6721.582TrincorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrimorusEiparasitoide11.7220.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0001.000VulgichneumonEktophytophage11.4760.0000.0001.000VulgichneumonEktophytophage <td>Synoneas</td> <td>Gallhildner</td> <td>4</td> <td>0.024</td> <td>0.000</td> <td>0.000</td> <td>0.000</td> <td>3 680</td>	Synoneas	Gallhildner	4	0.024	0.000	0.000	0.000	3 680
Tetrastichus?100.0330.0210.636-0.2298.238TheroscopusHyperparasitoide30.4610.1330.288-0.2582.060Torymus?20.2690.1040.3850.0002.253ToxaresSäftesauger10.0280.0000.0000.0001.000Tretoserphus?10.4960.0000.0000.0001.000Triaspis?10.4960.0000.0000.0001.000TrichacisGallbildner30.0460.0200.424-2.9233.385TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000TrichomalopsisMinierer10.0720.0000.0000.0001.000TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrixoxysSäftesauger20.2600.0610.2340.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000Tribliographa?20.2600.0610.2340.0001.000VulgichneumonEktophytophage11.4760.0000.0000.0001.000Vulgichneumon <t< td=""><td>Telenomus</td><td>Finarasitoida</td><td>2</td><td>0.024</td><td>0.012</td><td>0.302</td><td>0.040</td><td>1 275</td></t<>	Telenomus	Finarasitoida	2	0.024	0.012	0.302	0.040	1 275
TheroscopusHyperparasitoide30.4610.1330.288-0.2582.060Torymus?20.2690.1040.3850.0002.253ToxaresSäftesauger10.0280.0000.0000.0001.000Tretoserphus?10.4960.0000.0000.0001.000Triaspis?10.1480.0000.0000.0001.000TrichacisGallbildner30.0460.0200.424-2.9233.385TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000TrichomalopsisMinierer10.0720.0000.0000.0001.000TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrixoxysSäftesauger20.2600.0610.2340.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000Tripping20.2600.0610.2340.0001.000Trichomalus?20.2600.0610.2340.0001.000Tripping?20.2600.0610.2340.0001.000Tripping?20.2600.061	Tetrastichus	2	10	0.010	0.001	0.121	_0.000	8 238
The oscopusHyperparasitoide30.4010.1330.20040.2302.000Torymus?20.2690.1040.3850.0002.253ToxaresSäftesauger10.0280.0000.0000.0001.000Tretoserphus?10.4960.0000.0000.0001.000Triaspis?10.1480.0000.0000.0001.000TrichacisGallbildner30.0460.0200.424-2.9233.385TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000TrichomalopsisMinierer10.0720.0000.0000.0001.000TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrixysSäftesauger20.2600.0610.2340.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000Zurbiographa?20.2600.0610.2340.0001.000Zurbiographa?20.2600.0610.2340.0001.000Zurbiographa?20.2600.0610.2340.0001.000ZurbiographaPrädatoren <th< td=""><td>Theroscopus</td><td>: Hyperparasitoide</td><td>3</td><td>0.000</td><td>0.021</td><td>0.000</td><td>0.223</td><td>2 060</td></th<>	Theroscopus	: Hyperparasitoide	3	0.000	0.021	0.000	0.223	2 060
ToxaresSäftesauger10.0280.1040.03030.0001.000Tretoserphus?10.4960.0000.0000.0001.000Triaspis?10.1480.0000.0000.0001.000TrichacisGallbildner30.0460.0200.424-2.9233.385TrichogrammaEiparasitoide10.0030.0000.0000.0001.000TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000TrichomalopsisMinierer10.0720.0000.0000.0001.000TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrioxysSäftesauger20.2000.0090.4200.0002.447TromatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZublichneumonEktophytophage11.4760.0000.0001.000ZublichneumonEktophytophage10.7220.0000.0000.0001.000ZublichneumonEktophytophage10.9420.0000.0000.0001.000Zublichneum	Torymus	2	2	0.401	0.100	0.200	0.200	2.000
TotalesSaltesauger10.0230.0000.0000.0001.000Tretoserphus?10.4960.0000.0000.0001.000Triaspis?10.1480.0000.0000.0001.000TrichacisGallbildner30.0460.0200.424-2.9233.385TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000Trichomalus?40.0600.0110.1912.6721.582TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrioxysSäftesauger20.2000.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide11.4760.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.7220.0000.0001.000	Torymus	: Säftesauger	2 1	0.209	0.104	0.000	0.000	2.200
Tricloscipinas?10.4900.0000.0000.0001.000Triaspis?10.1480.0000.0000.0001.000TrichacisGallbildner30.0460.0200.424-2.9233.385TrichogrammaEiparasitoide10.0030.0000.0000.0001.000TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000TrichomalopsisMinierer10.0720.0000.0000.0001.000Trichomalus?40.0600.0110.1912.6721.582TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrioxysSäftesauger20.0200.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.7220.0000.0000.0001.000	Tretosernhus	2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	1	0.020	0.000	0.000	0.000	1.000
TrichacisGallbildner30.0460.0000.0000.0001.000TrichogrammaEiparasitoide10.0030.0000.0000.0001.000TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000TrichomalopsisMinierer10.0720.0000.0000.0001.000Trichomalus?40.0600.0110.1912.6721.582TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrioxysSäftesauger20.0200.0090.4200.0002.447TromatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.9420.0000.0000.0001.000	Triasnis	: 2	1	0.430	0.000	0.000	0.000	1.000
TrichogrammaEiparasitoide10.0030.0000.0000.0001.000TrichogrammaEiparasitoide10.0720.0000.0000.0001.000TrichomalopsisMinierer10.0720.0000.0000.0001.000Trichomalus?40.0600.0110.1912.6721.582TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrioxysSäftesauger20.0200.0090.4200.0002.447TromatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.9420.0000.0000.0001.000	Trichacis	: Gallhildner	3	0.140	0.000	0.000	-2 023	3 385
TrichogrammaLiparasione10.0000.0000.0000.0001.000TrichomalopsisMinierer10.0720.0000.0000.0001.000Trichomalus?40.0600.0110.1912.6721.582TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrioxysSäftesauger20.0200.0090.4200.0002.447TromatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.9420.0000.0000.0001.000	Trichogramma	Finarasitoida	1	0.040	0.020	0.424	0.000	1 000
Trichomalus?40.0600.0110.1912.6721.800TrichopriaSaprophage60.0450.0410.9120.17016.808TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrioxysSäftesauger20.0200.0090.4200.0002.447TromatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.9420.0000.0000.0001.000	Trichomalonsis	Minierer	1	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
TrichopriaSaprophage60.0000.0110.1012.0121.002TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.444-1.3926.136TrioxysSäftesauger20.0200.0090.464-1.3926.136TriomatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0000.0002.447TromatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.9420.0000.0000.0001.000	Trichomalus	2	4	0.072	0.000	0.000	2 672	1.582
TrimorusEiparasitoide70.0190.0090.464-1.3926.136TrioxysSäftesauger20.0200.0090.4200.0002.447TromatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.610VulgichneumonEktophytophage11.4760.0000.0000.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.9420.0000.0000.0001.000	Trichonria	: Sanronhade	6	0.000	0.011	0.101	0 170	16 808
TrioxysSäftesauger20.0190.0090.4041.3920.130TrioxysSäftesauger20.0200.0090.4200.0002.447TromatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.610VulgichneumonEktophytophage11.4760.0000.0000.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.9420.0000.0000.0001.000	Trimorus	Einarasitoide	7	0.045	0.041	0.912	1 302	6 136
Thory'sSaltesauger20.0200.0090.4200.0002.447TromatobiaEiparasitoide11.7220.0000.0000.0001.000Trybliographa?20.2600.0610.2340.0001.610VulgichneumonEktophytophage11.4760.0000.0000.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.9420.0000.0000.0001.000	Triovys	Säftesauger	2	0.019	0.009	0.404	0.000	2 447
Trybliographa?20.2600.0600.0000.0001.000VulgichneumonEktophytophage11.4760.0000.0000.0001.000WoldstedtiusPrädatoren10.7220.0000.0000.0001.000ZaglyptusEiparasitoide10.9420.0000.0000.0001.000	Tromatobia	Einarasitoide	2 1	1 722	0.009	0.420	0.000	2.447
Vulgichneumon Ektophytophage 1 1.476 0.000 0.000 0.000 1.010 Woldstedtius Prädatoren 1 0.722 0.000 0.000 0.000 1.000 Zaglyptus Eiparasitoide 1 0.942 0.000 0.000 0.000 1.000	Trublicgrapha		י 2	0.260	0.000	0.000	0.000	1.000
Woldstedtius Prädatoren 1 0.722 0.000 0.000 0.000 1.000 Zaglyptus Eiparasitoide 1 0.942 0.000 0.000 1.000	Vulaichneuman	: Ektophytophaga	<u>۲</u>	1 176	0.001	0.204	0.000	1.010
Zaglyptus Eiparasitoide 1 0.722 0.000 0.000 0.000 1.000	Woldstadtius	Drädatoron	1	0 700	0.000	0.000	0.000	1.000
agiypius Eiparasitute i 0.942 0.000 0.000 1.000 1.000	Zadvotus	Filaudiulell	1	0.122	0.000	0.000	0.000	1.000
7_{Vacta} Mycetophage 5 0.111 0.034 0.307 -0.520 2.281	Zvaota	Mycetonhage	5	0.342	0.000	0.000	-0 520	2 281